

Publikace navazuje na první díl *Moderní analýzy biologických dat* a představuje vybrané modely a metody statistické analýzy korelovaných dat. Tedy lineární metody, které jsou vhodným nástrojem analýzy dat s časovými, prostorovými a fylogenetickými závislostmi v datech. Text knihy je praktickou příručkou analýzy dat v prostředí jednoho z nejrozsáhlejších statistických nástrojů na světě, volně dostupného softwaru R. Je sestaven z 19 vzorově vyřešených a okomentovaných příkladů, které byly vybrány tak, aby ukázaly správnou konstrukci modelu a upozornily na problémy a chyby, které se mohou v průběhu analýzy dat vyskytnout. Text je psán jednoduchým jazykem srozumitelným pro čtenáře bez speciálního matematického vzdělání. Kniha je především určena studentům i vědeckým pracovníkům biologických, zemědělských, veterinárních, lékařských a farmaceutických oborů, kteří potřebují korektně analyzovat výsledky svých pozorování či experimentů s komplikovanější strukturou danou závislostmi mezi opakovanými měřeními stejných subjektů.

### Z Předmluvy:

Podobně jako první díl, je i tento zaměřen na širokou biologickou problematiku, a to z oblastí ekologie, zoologie, botaniky, genetiky, zemědělství i medicíny. Používáme stejnou koncepci jako v prvním dílu, postavenou na řešení konkrétních příkladů od specifikace problému až po jeho závěr. Celkově je kniha zaměřena na praktickou analýzu reálných dat, a proto je v ní jen skutečně nezbytné množství teorie a maximum praktických příkladů. Přesto je zde teorie o něco více než v prvním dílu – vyžaduje to náročnější látka, o které zde pojednáváme.

Datové soubory a syntaxe příkazů použitých v této knize si můžete stáhnout z adresy <http://www.muni.cz/press/books/pekar>.