

# *PA052: Úvod do systémové biologie*

David Šafránek

20.10.2011



# *Obsah*

*Organizace biologických sítí*

## *Obsah*

*Organizace biologických sítí*

## *Organizovanost biologických sítí*

- biologické systémy determinovány hierarchií biologických sítí
- biologické sítě jsou modulární
  - omezená propojenosť (souvislost)
  - interakce pouze mezi specifickými uzly
  - komplexní řízení složitých (pod)úkolů

## *Organizovanost biologických sítí*

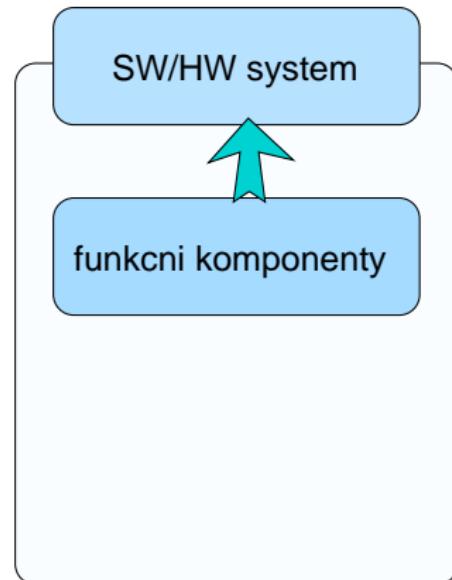
- biologické systémy determinovány hierarchií biologických sítí
- biologické sítě jsou modulární
  - omezená propojenosť (souvislost)
  - interakce pouze mezi specifickými uzly
  - komplexní řízení složitých (pod)úkolů
- souvislé (nemodulární) propojení by znamenalo:
  - jednoduchý globální mechanismus
  - vhodné pouze pro velmi stabilní (příhodné) prostředí

## *Biologie vs. inženýrství*

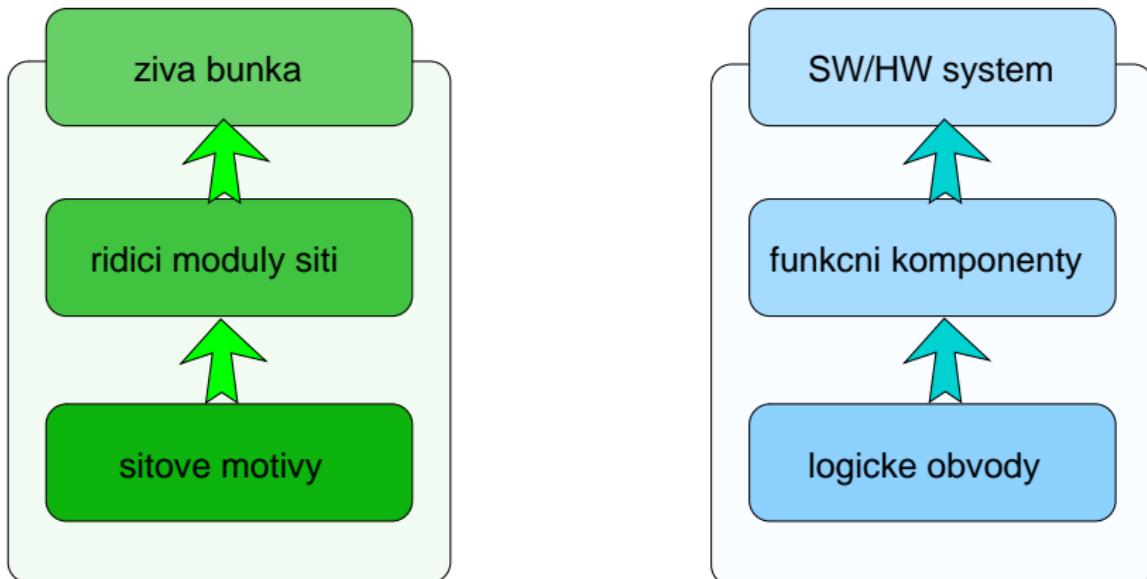
živa bunka

SW/HW system

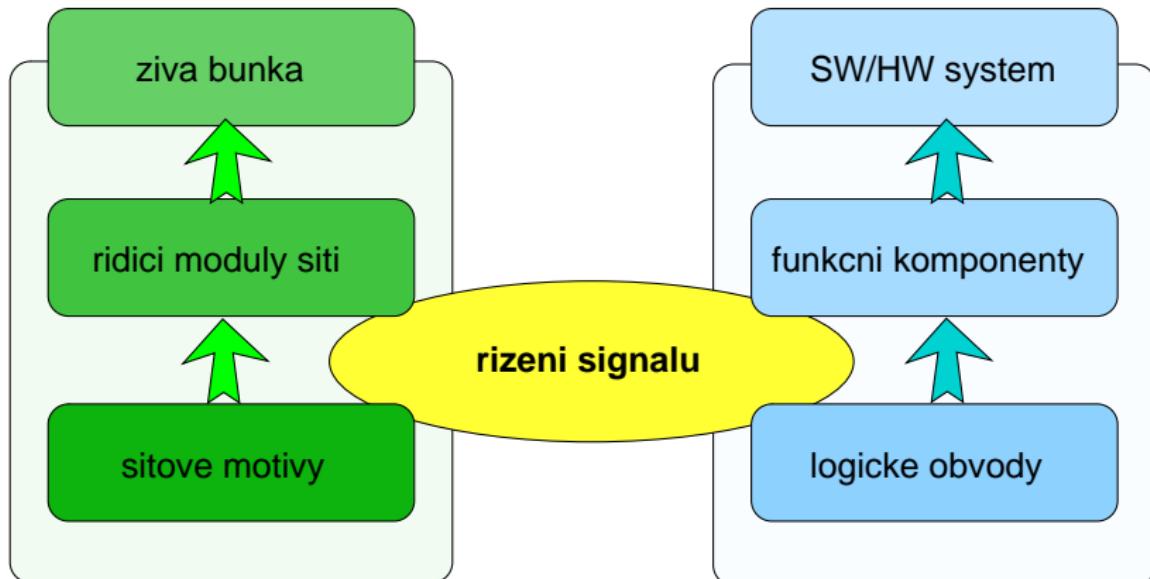
## *Biologie vs. inženýrství*



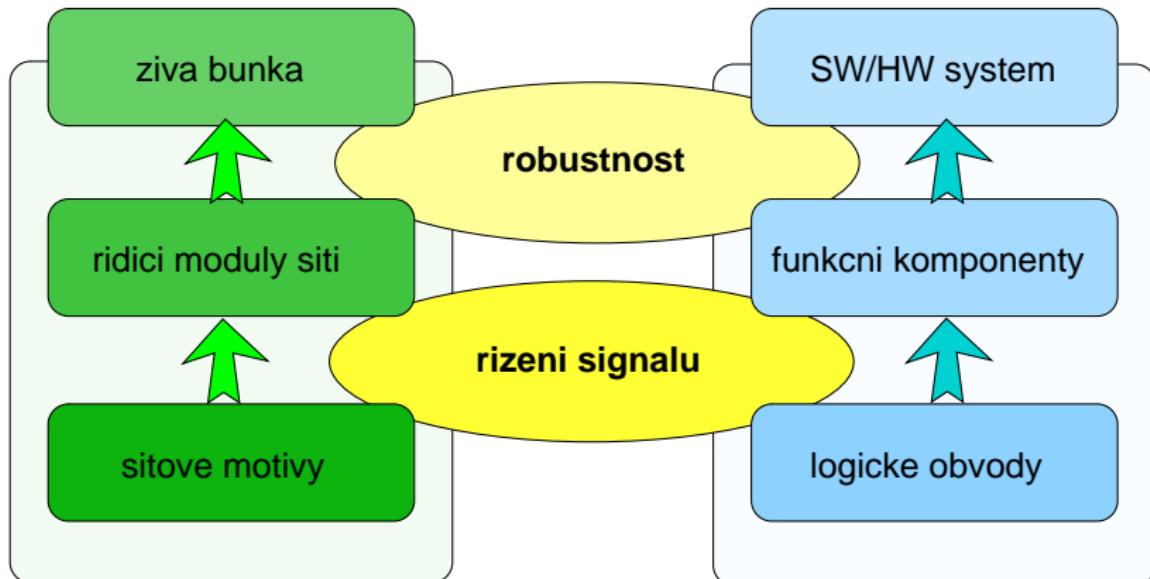
## *Biologie vs. inženýrství*



## *Biologie vs. inženýrství*

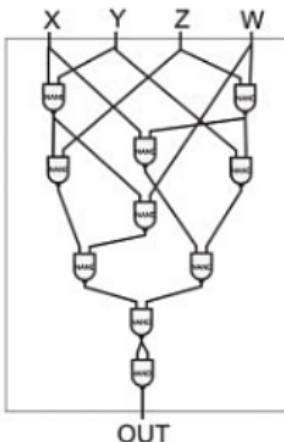


## Biologie vs. inženýrství



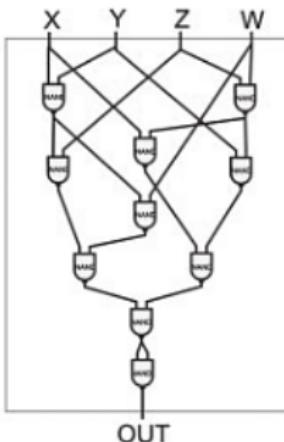
## *Biologie vs. inženýrství*

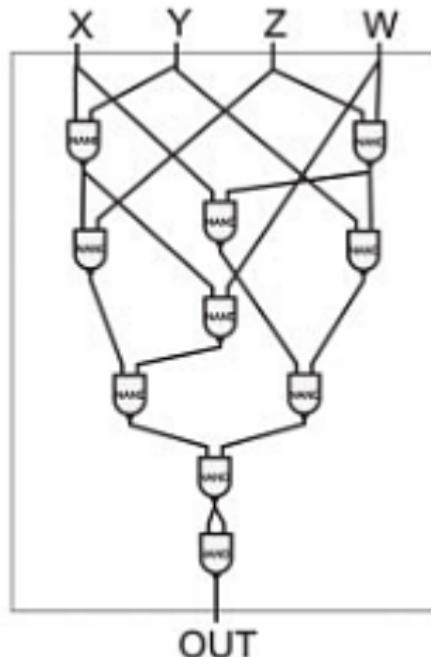
- v inženýrství vyrábíme optimální obvod pro řešení určitého problému
  - hledáme funkci několika vstupních signálů
  - výstupem této fce je požadovaná reakce systému

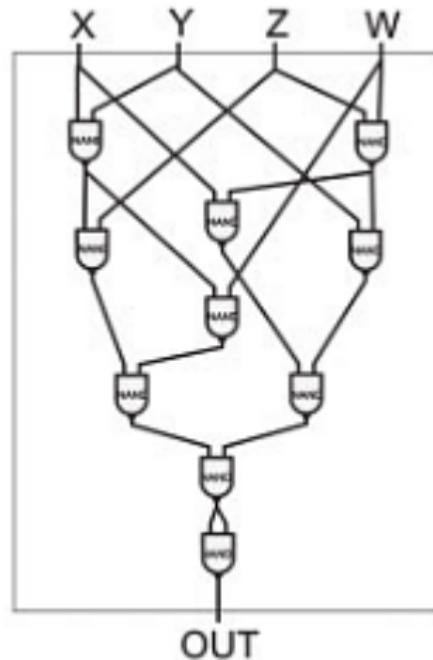


## *Biologie vs. inženýrství*

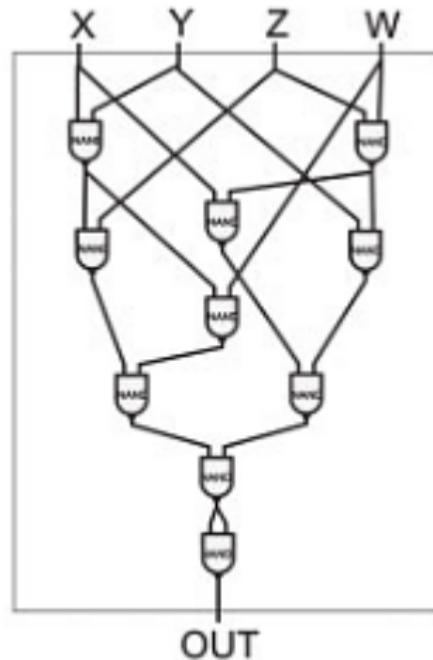
- evoluce hledá optimální síť pro řízení určité fyziologické aktivity
  - opět fce několika vstupních signálů ovlivňujících danou aktivitu
  - výstupem této fce je např. změna produkce určitého proteinu



*Nemodulární systém*
$$(X \text{ XOR } Y) \text{ AND } (Z \text{ XOR } W)$$


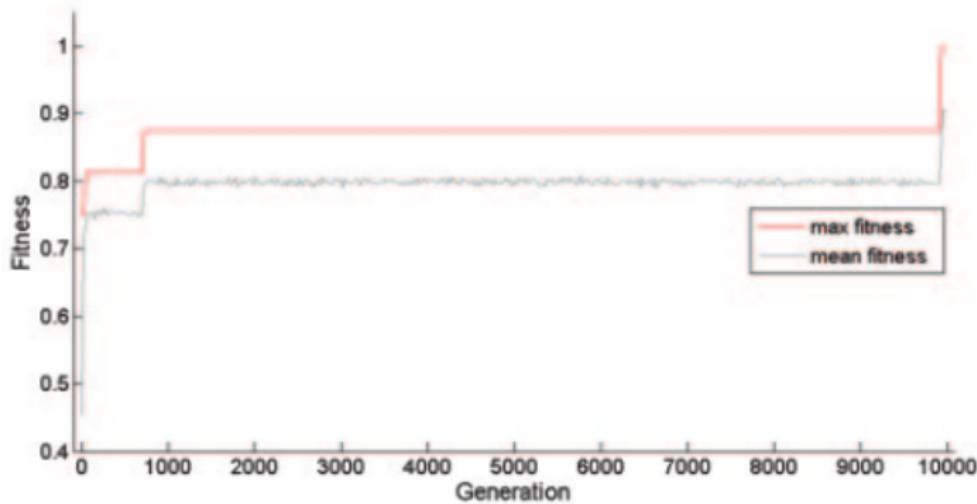
*Nemodulární systém*
$$(X \text{ XOR } Y) \text{ AND } (Z \text{ XOR } W)$$


- optimální obvod pro výpočet dané funkce

*Nemodulární systém*
$$(X \text{ XOR } Y) \text{ AND } (Z \text{ XOR } W)$$


- evolucí zvolen v konstantním prostředí

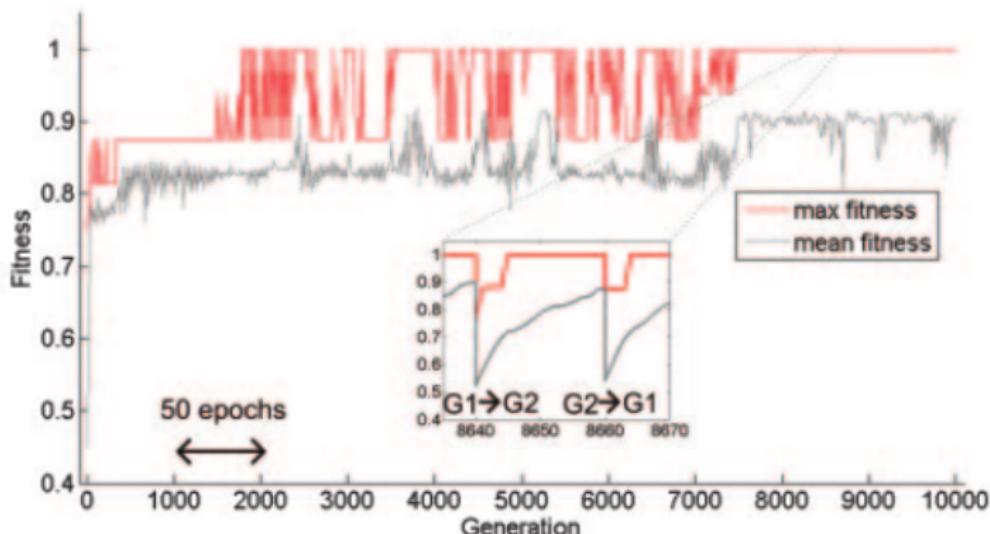
## Nemodulární systém – Experiment

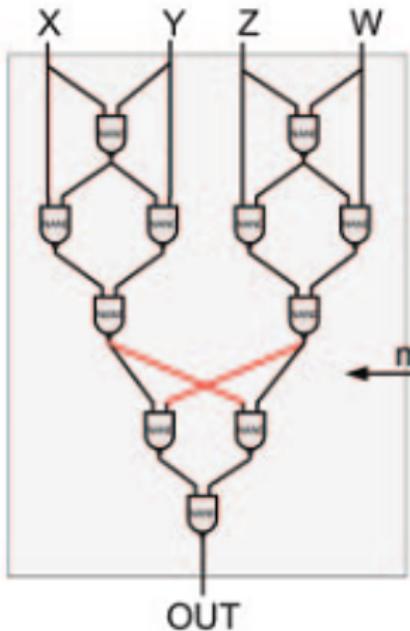
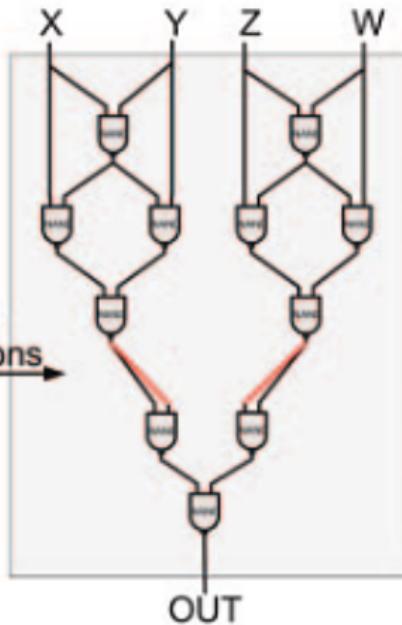


- vývoj optimálního řešení pro fixní cíl  
 $(X \text{ XOR } Y) \text{ AND } (Z \text{ XOR } W)$
- simulace evolučním algoritmem

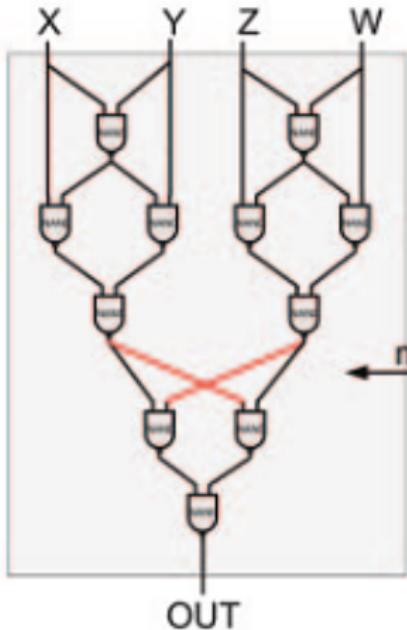
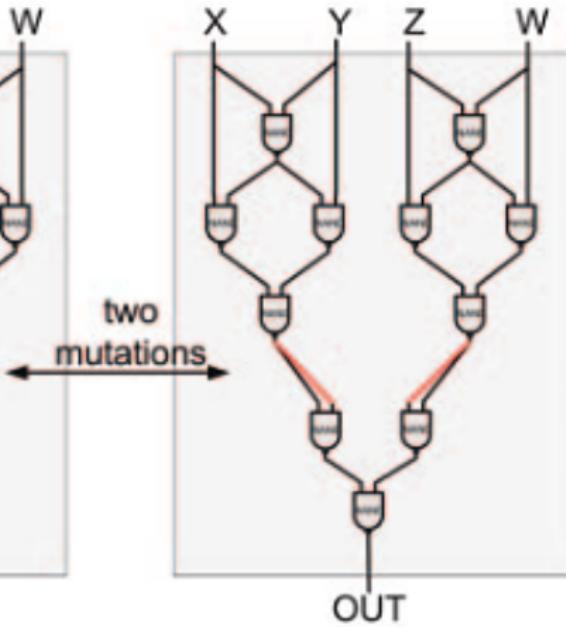
## Proměnné prostředí – Experiment

- budeme alternovat cíle ( $X \text{ XOR } Y$ ) AND ( $Z \text{ XOR } W$ ) a ( $X \text{ XOR } Y$ ) OR ( $Z \text{ XOR } W$ ) každou “epochu” (20 generací)
- optimální řešení experimentujeme simulací evolučním algoritmem



*Modulární systém* $(X \text{ XOR } Y) \text{ AND } (Z \text{ XOR } W)$  $(X \text{ XOR } Y) \text{ OR } (Z \text{ XOR } W)$ 

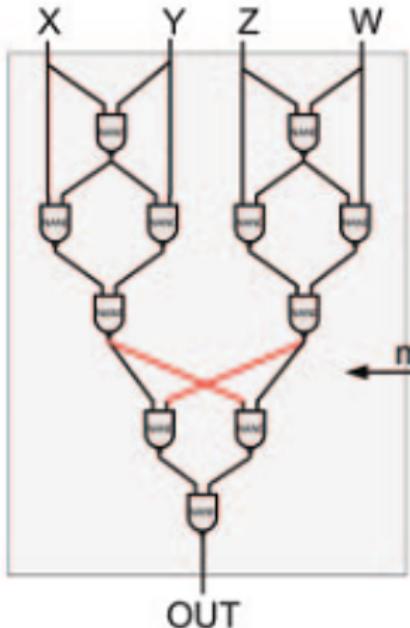
two mutations

*Modulární systém* $(X \text{ XOR } Y) \text{ AND } (Z \text{ XOR } W)$  $(X \text{ XOR } Y) \text{ OR } (Z \text{ XOR } W)$ 

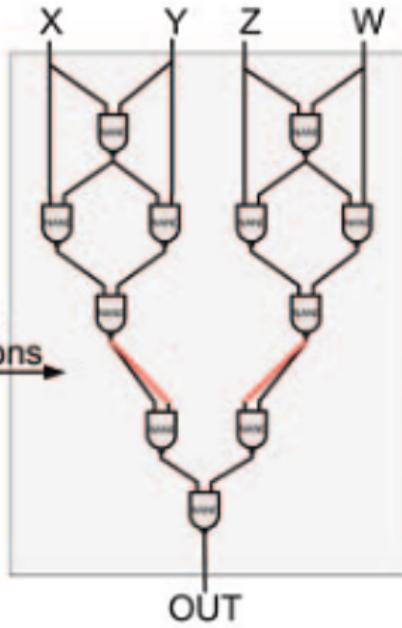
- obvod snadno přepojitelný pro výpočet jiné funkce

# *Modulární systém*

(X XOR Y) AND (Z XOR W)



(X XOR Y) OR (Z XOR W)



two mutations

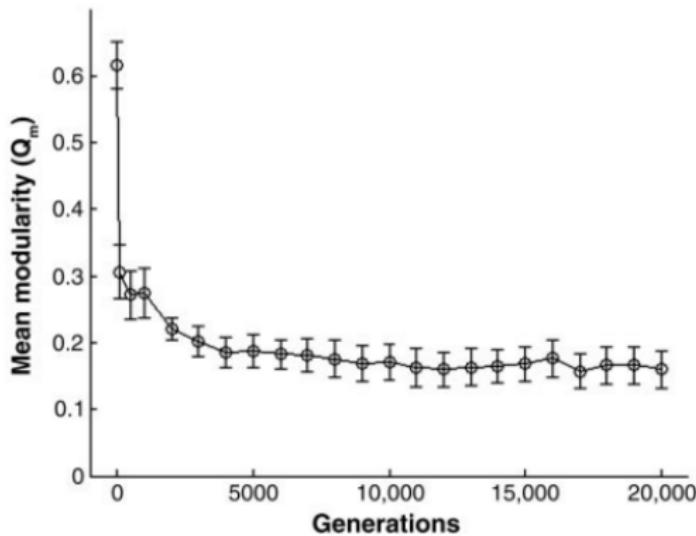
- evolucí zvolen v proměnném (reálném) prostředí

## *Modularita systému*

- modularita zvyšuje počet uzlů v systému
- umožňuje však snadnou modifikaci při změně cílové funkce
- evoluce vyvíjí živé organismy pro reálné (variabilní) prostředí
  - modularita = možnost vytvořit snadnou modifikací mutace pro různá prostředí
- evoluce konverguje k modulárním sítím za účelem adaptace k prostředí
- změny prostředí však musí vykazovat určitou organizovanost
- inherentní modularita může zjednodušit pochopení komplexních jevů

Nadav Kashtan and Uri Alon, From the Cover: Spontaneous evolution of modularity and network motifs PNAS, 102: 13773-13778 (2005)

## *Modularita systému*

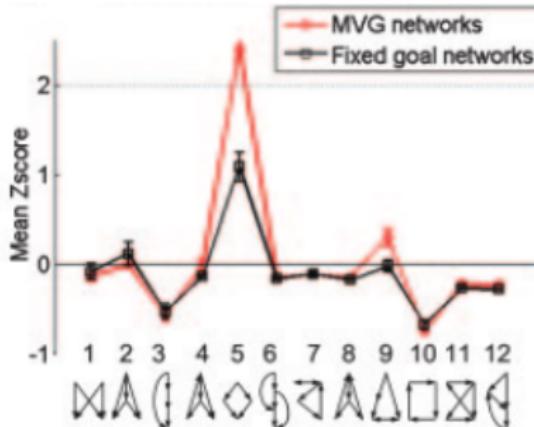
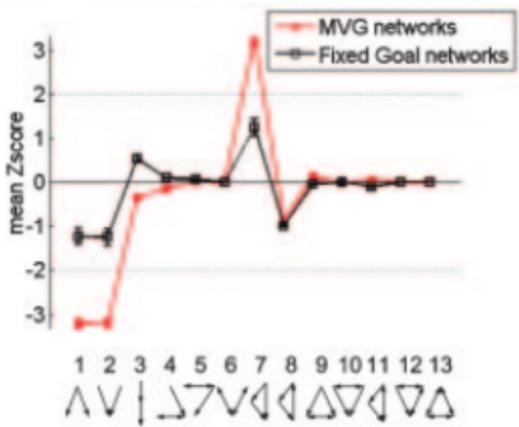


- v konstantním prostředí je modulární obvod nahrazen nemodulárním (minimalizace počtu uzelů)

## *Modularita systému*

- v případě biologické evoluce je cílem určitá sada biologických funkcí organismu
- tyto funkce jsou implikovány prostředím
- např. chemotaxe řízená gradientem nutrientů vyžaduje následující fce:
  - vnímání situace prostředí
  - výpočet směru pohybu
  - realizace pohybu
  - metabolizace nutrientu
- dalším příkladem jsou signální dráhy jako modul, který se snadno přizpůsobuje potřebám transdukce různých typů vstupů na různé výstupy  
→ k "adaptaci" dochází např. při diferenciaci buňky

# *Modularita systému – motivy v sítích*



- statistická nadreprezentace specifických podgrafů (obvodů)

# Modularita systému – motivy v sítích

Network	Nodes	Edges	$N_{\text{real}}$	$N_{\text{rand}} \pm \text{SD}$	Z score	$N_{\text{real}}$	$N_{\text{rand}} \pm \text{SD}$	Z score	$N_{\text{real}}$	$N_{\text{rand}} \pm \text{SD}$	Z score
Gene regulation (transcription)			X Y Z	Feed-forward loop	X Y Z	Bi-fan	X Y Z	Bi-fan	X Y Z	Bi-fan	
<i>E. coli</i>	424	519	40	7 ± 3	10	203	47 ± 12	13			
<i>S. cerevisiae</i> *	685	1,052	70	11 ± 4	14	1812	300 ± 40	41			
Neurons			X Y Z	Feed-forward loop	X Y Z	Bi-fan	X Y Z	Bi-fan	X Y Z	Bi-parallel	
<i>C. elegans</i> †	252	509	125	90 ± 10	3.7	127	55 ± 13	5.3	227	35 ± 10	20
Food webs			X Y Z	Three chain	X Y Z	Bi-parallel	X Y Z	Bi-parallel	X Y Z	Bi-parallel	
Little Rock	92	984	3219	3120 ± 50	2.1	7295	2220 ± 210	25			
Ythan	83	391	1182	1020 ± 20	7.2	1357	230 ± 50	23			
St. Martin	42	205	469	450 ± 10	NS	382	130 ± 20	12			
Chesapeake	31	67	80	82 ± 4	NS	26	5 ± 2	8			
Couchella	29	243	279	235 ± 12	3.6	181	80 ± 20	5			
Skipwith	25	189	184	150 ± 7	5.5	397	80 ± 25	13			
B. Brook	25	104	181	130 ± 7	7.4	267	30 ± 7	32			
Electronic circuits (forward logic chips)			X Y Z	Feed-forward loop	X Y Z	Bi-fan	X Y Z	Bi-parallel	X Y Z	Bi-parallel	
s15850	10,383	14,240	424	2 ± 2	285	1040	1 ± 1	1200	480	2 ± 1	335
s38584	20,717	34,204	413	10 ± 3	120	1739	6 ± 2	800	711	9 ± 2	320
s38417	23,843	33,661	612	3 ± 2	400	2404	1 ± 1	2550	531	2 ± 2	340
s9234	5,844	8,197	211	2 ± 1	140	754	1 ± 1	1050	209	1 ± 1	200
s13207	8,651	11,831	403	2 ± 1	225	4445	1 ± 1	4950	264	2 ± 1	200
Electronic circuits (digital fractional multipliers)			X Y Z	Three-node feedback loop	X Y Z	Bi-fan	X Y Z	Four-node feedback loop	X Y Z	Four-node feedback loop	
s208	122	189	10	1 ± 1	9	4	1 ± 1	3.8	5	1 ± 1	5
s420	252	399	20	1 ± 1	18	10	1 ± 1	10	11	1 ± 1	11
s838‡	512	819	40	1 ± 1	38	22	1 ± 1	20	23	1 ± 1	25
World Wide Web			X Y Z	Feedback with two mutual dyads	X Y Z	Fully connected triad	X Y Z	Unplinked mutual dyad	X Y Z	Unplinked mutual dyad	
nd.edu§	325,729	1.46e6	1.1e5	2e3 ± 1e2	800	6.8e5	5e4 ± 4e2	15,000	1.2e6	1e4 ± 2e2	5000

## *Další úrovně možného zjednodušení*

- separovatelnost časových škál mechanismů v buňce
  - umožňuje jednoduchý matematický model
  - aplikovatelné na většinu dynamických dějů v buňce
  - detaily přesunuty do parametrů

## *Další úrovně možného zjednodušení*

- separovatelnost časových škál mechanismů v buňce
  - umožňuje jednoduchý matematický model
  - aplikovatelné na většinu dynamických dějů v buňce
  - detaily přesunuty do parametrů
- sjednocujícím prvkem dynamických jevů v buňce je robustnost
  - z možných řešení vybíráme robustní variantu
    - stabilita vůči fluktuacím, proofreading, ...

## *Organismus vs. SW/HW systém*

- oboje navrhováno modulárně

## *Organismus vs. SW/HW systém*

- oboje navrhováno modulárně
- oboje navrhováno s cílem robustnosti

## *Organismus vs. SW/HW systém*

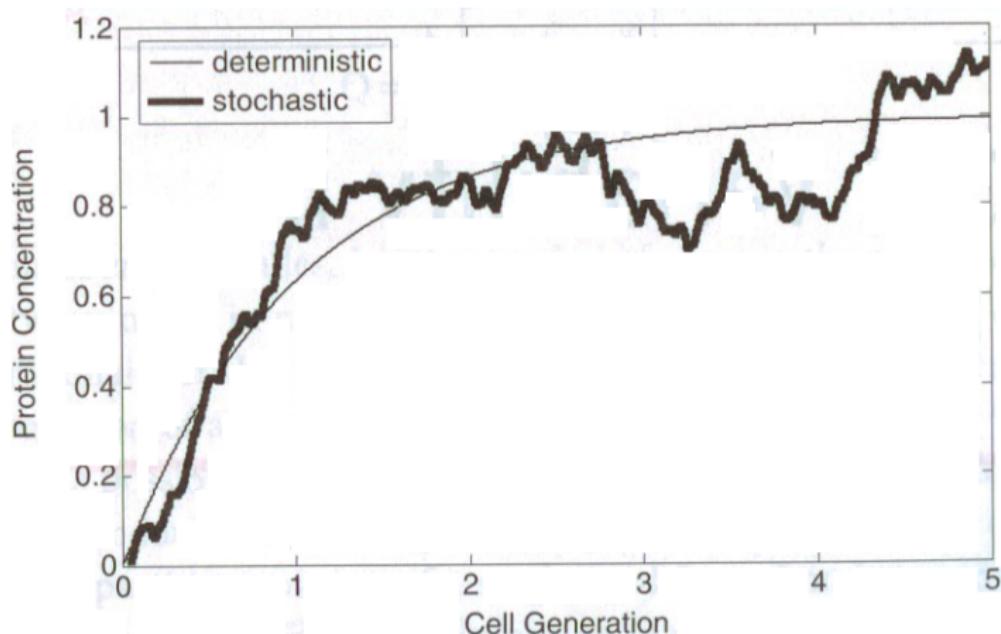
- oboje navrhováno modulárně
- oboje navrhováno s cílem robustnosti
- **jaký je tedy rozdíl?**

## *Organismus vs. SW/HW systém*

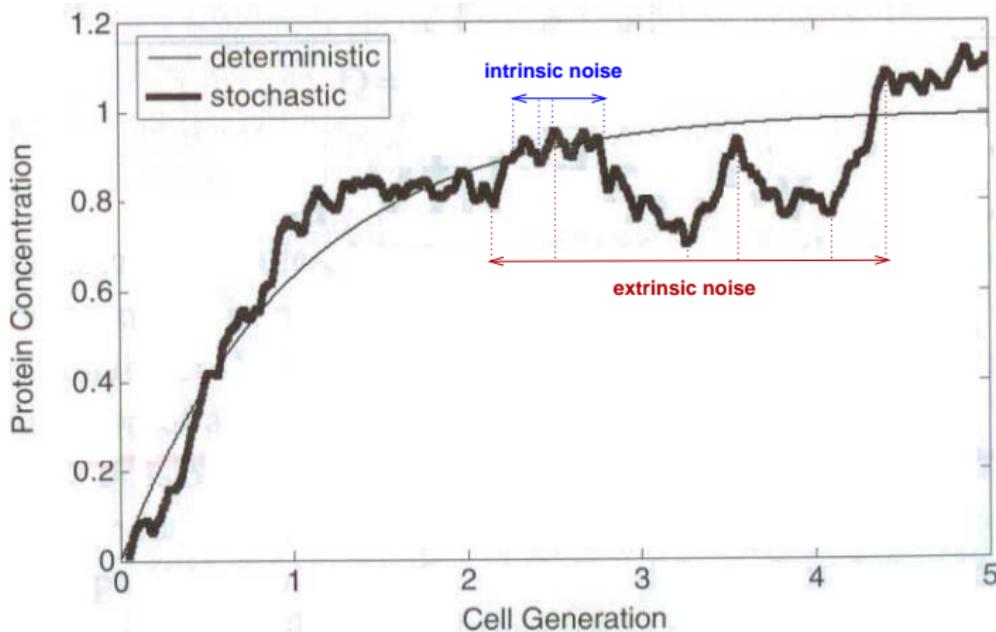
- oboje navrhováno modulárně
- oboje navrhováno s cílem robustnosti
- **jaký je tedy rozdíl?**
- stochastické chování individuální buňky

## *Organismus vs. SW/HW systém*

- oboje navrhováno modulárně
- oboje navrhováno s cílem robustnosti
- **jaký je tedy rozdíl?**
- stochastické chování individuální buňky
  - buňka se brání nepředvídatelným chováním např. vůči napadení virem
  - původcem nepředvídatelnosti jsou také rušivé elementy v prostředí
  - stochastičnost je inherentní pro biologické mechanismy
  - dvě geneticky identické buňky se mohou zachovat odlišně vůči týmž hodnotám vstupních signálů (prostředí)
  - celkový poměr buněk, které se zachovají podobným způsobem je však pro dané prostředí determinován

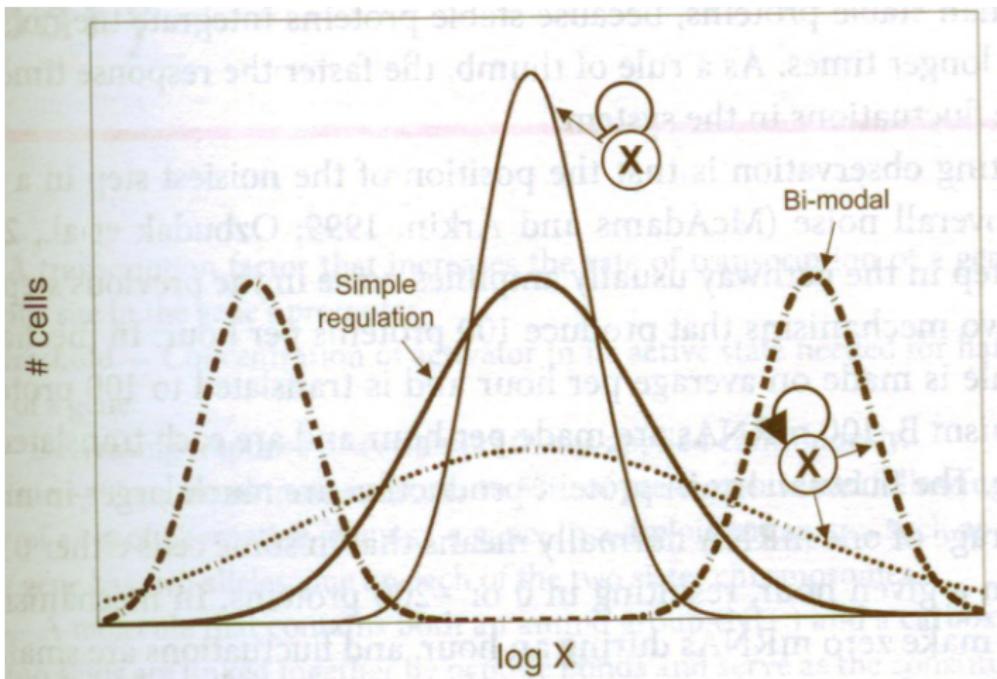
*Variace chování jednotlivých buněk*

# Variace chování jednotlivých buněk



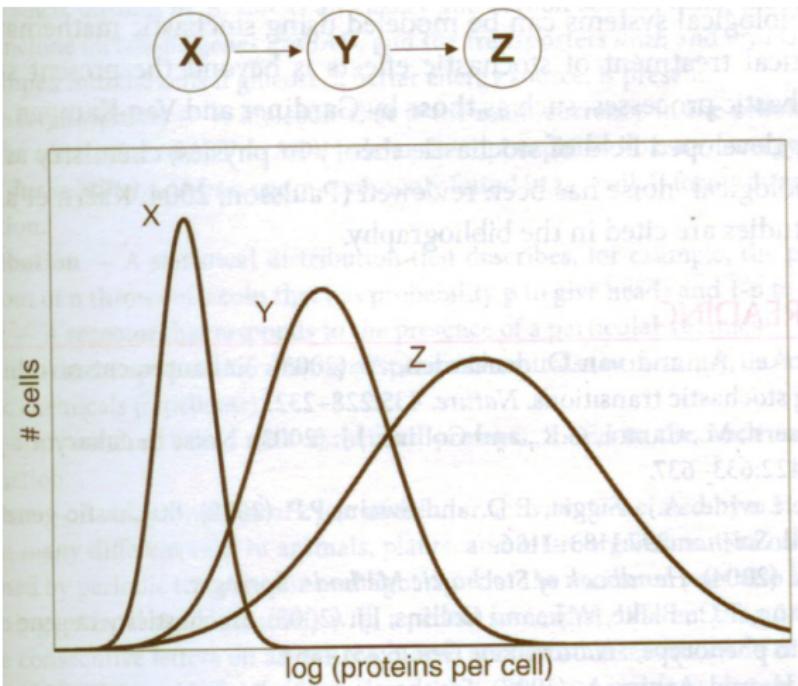
- interní ruch – transkripce, translace, post-transkripční jevy, pozice DNA v chromozómu
- externí ruch – fluktuace koncentrací regulačních faktorů

# Variace chování jednotlivých buněk



- rozložení koncentrace proteinu  $X$  v populaci buněk při různé transkripční regulaci

# Variace chování jednotlivých buněk



- rozložení koncentrace proteinů v populaci buněk při regulační kaskádě

## *Analýza stochasticity biologických mechanismů*

- ucelené pochopení stochasticity biologických mechanismů zůstává otevřeným problémem
- existující studie spíše pouze poukazují na tento fenomén

N. Rosenfeld, J.W. Young, U. Alon, P.S. Swain, M.B. Elowitz, "Gene Regulation at the Single-Cell Level" Science, Vol 307:1962-1965 , (2005)

W.J. Blake, M. Kaern, C.R. Cantor, J.J. Collins, "Noise in eukaryotic gene expression", Nature. 422(6932):633-7, (2003)