

IV107 Bioinformatika I

Přednáška 8

Katedra informačních technologií
Masarykova Univerzita Brno

Jaro 2010

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Předchozí týden

- ▶ Alternativní struktury DNA
 - ▶ křížová
 - ▶ triplex
 - ▶ tetraplex
- ▶ Tandemová a jiná opakování (Xlandscape)
- ▶ Interakce DNA/protein (TRANSFAC, TESS)
 - Egr-1 early growth response 1 (induces apoptosis, consensus WTGCGTGGGCGK)
 - GATATAACGG Msx-1 (aka Hox-7; muscle segment homeobox-like 1; CNGTAWNTG)
- ▶ Interakce protein/protein (DIP, PIP)
- ▶ Fylogenetické stromy (program PHYLIP)
 - ▶ Matice párových vzdáleností
 - ▶ UPGMA, NJ, max parsimony, ML
 - ▶ format Newick A(B(D,E),C)

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

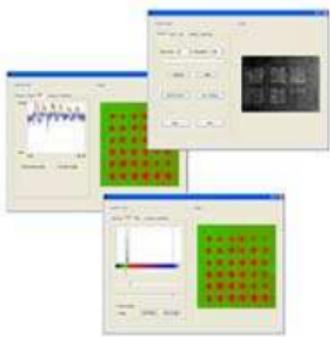
Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Cesta k údajům o expresi



Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Získávání expresních dat

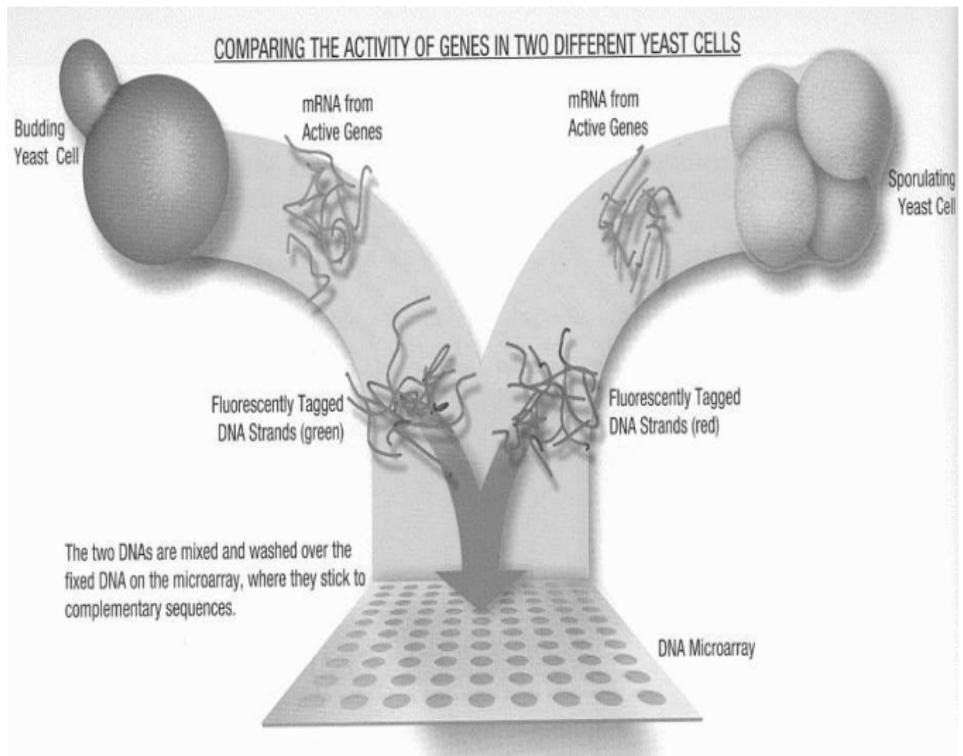
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

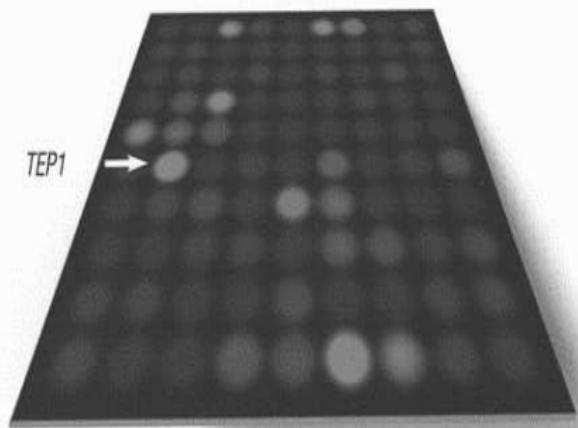
Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

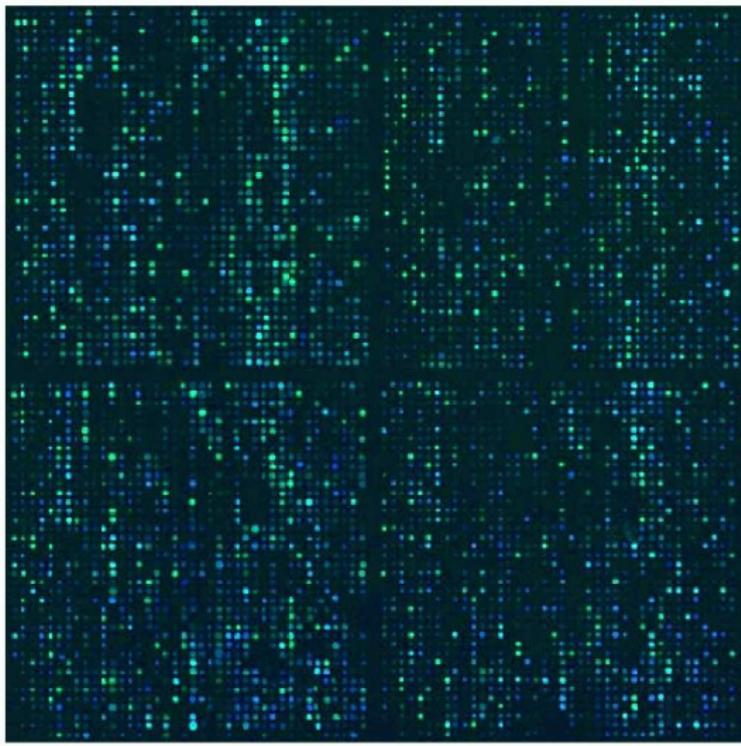


A scanner measures the fluorescence of each dye separately.



The higher ratio of red to green fluorescence at the spot labeled *TEP1*, for instance, shows that the *TEP1* gene is expressed more highly in sporulating than in budding yeast cells.

Nasnímaný obraz z DNA čipu vypovídá o přítomnosti DNA určité sekvence ve vzorku



Získávání expresních dat

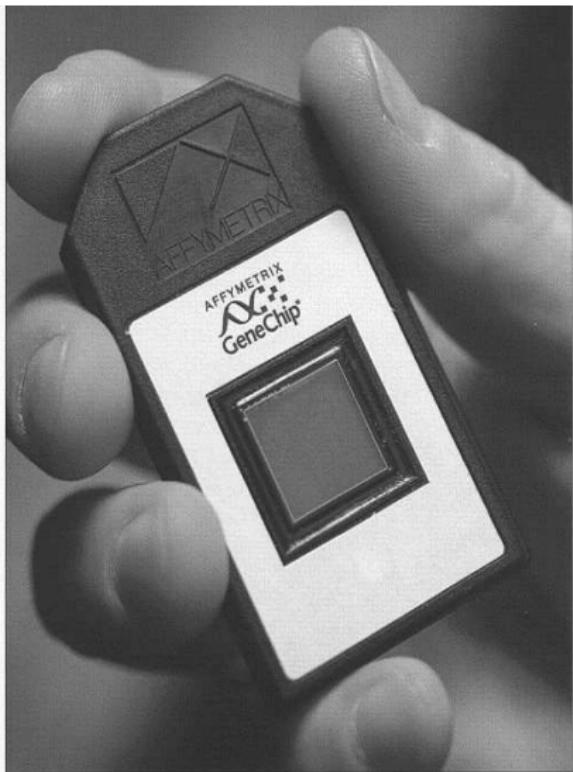
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v
klassifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní
spektra



*Factory-made DNA chips such as this one
are produced with techniques normally
used in the semiconductor industry.*

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v
klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní
spektra

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v
kласifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní
spektra

Rakovina nekontrolované dělení buněk v důsledku
mutace (onkogeny, supresory nádorů).

Měření genové exprese nachází uplatnění v diagnostice
rakoviny.

- ▶ o jaký druh rakoviny se jedná ?
- ▶ jaká je prognóza pro danou diagnózu ?

Rakovina krvi nebo kostní dřeně leukemie

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

- ▶ Myelogenní, lymfocytická, akutní, chronická ?
- ▶ Acute Myelogenous Leukemia (AML) Acute Lymphocytic Leukemia (ALL)
- ▶ Není produkováno dostatečné množství krvinek
- ▶ Anemie → slabost, infekce, snížená sráženlivost krve
- ▶ AML: 10,000 případů ročně
- ▶ ALL: 3,500 dospělých / 2,400 novorozenců
- ▶ AML nebo ALL ?

- ▶ Diagnóza ve specializované laboratoři
 - ▶ ALL: 58
 - ▶ AML: 14
- ▶ Léčba: chemoterapie, transplantace kostní dřeně
 - ▶ ALL: corticosteroidy, vincristin, methotrexat,
L-asparaginasa
 - ▶ AML: daunorubicin, cytarabin
- ▶ Správná diagnóza je velice důležitá pro nasazení správné léčby
- ▶ Microarray může podporovat rozhodování

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Příklad sady genů, které korelují s prognózou

Získávání expresních dat

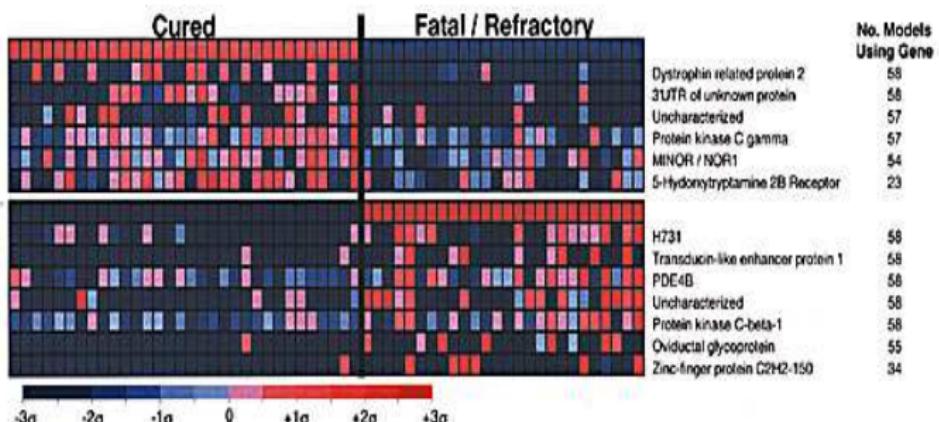
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra



Analýza expresních dat

- ▶ měření s nízkým počtem opakování
- ▶ rozpoznávání obrazu
- ▶ převod na matici číselných hodnot
- ▶ normalizace
- ▶ statistika jednotlivých pozic a genů (průměrná hodnota, rozptyl, eliminace extrémních hodnot, atd.)
- ▶ kontrast: dvě sady experimentálních podmínek
- ▶ specifika: $n \gg p$
- ▶ PCA, LDA, shluková analýza (clustering), strojové učení
- ▶ analýza v kontextu funkce (GO, KEGG)
- ▶ analýza v kontextu sekvence (blízké motivy a geny, zvláště promotor)
- ▶ analýza časových a prostorových řad (koregulované geny)

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

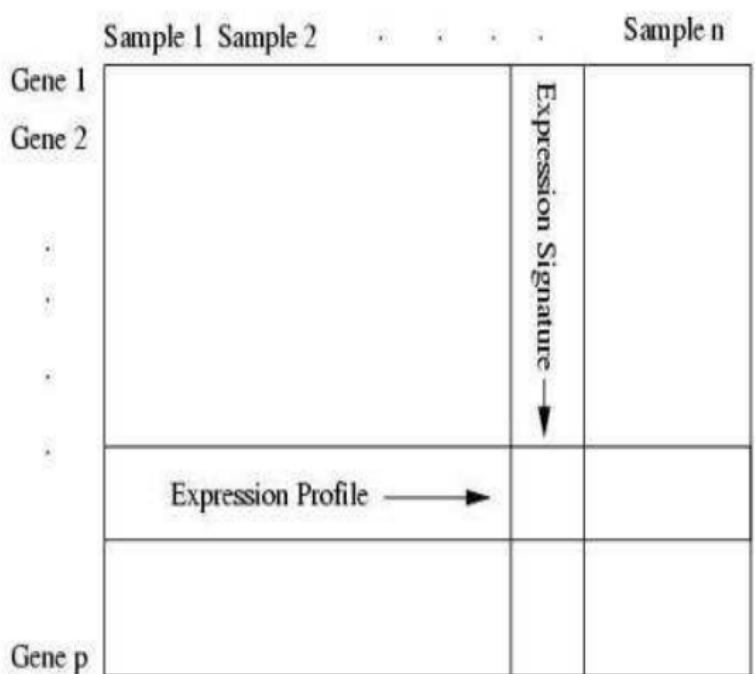
Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Co je to expresní profil?



Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Jak zjišťujeme podobnost dvou expresních profilů či jejich schopnost klasifikovat vzorek?

Získávání expresních dat

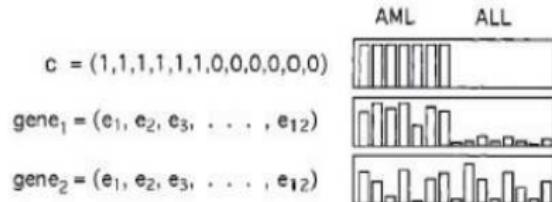
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra



Expresní profil je chápán jako množina bodů v multidimenzionálním prostoru, popř. jako sada postupných výběrů z populace genů či zdroj informací o vzorku

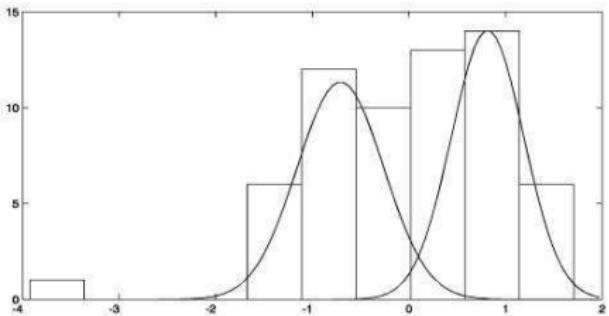
c.gene1 vektorový součin (cos uhlú, který zvýrazňuje)

d(c,gene) euklidovská vzdálenost (postihuje i absolutní hodnoty exprese)

corr(c,gene) korelace

MI(c,gene) vzájemná informace

Problém smíšených dat



Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

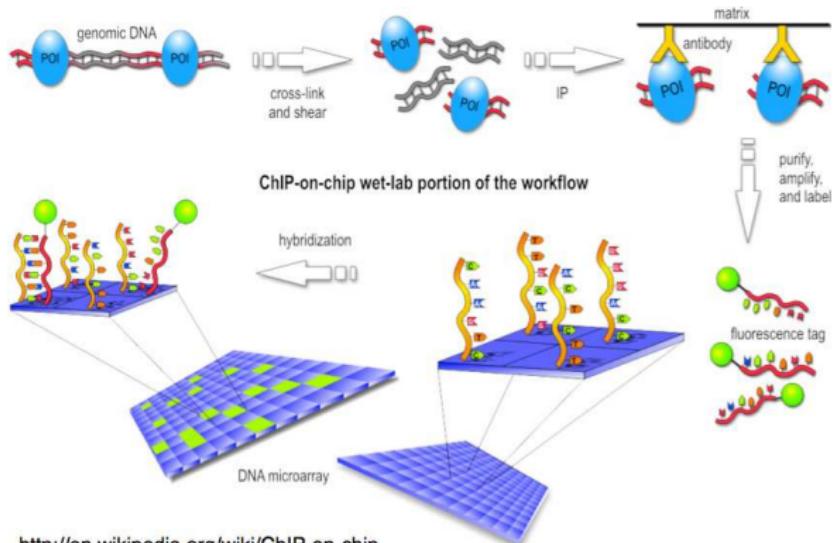
Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

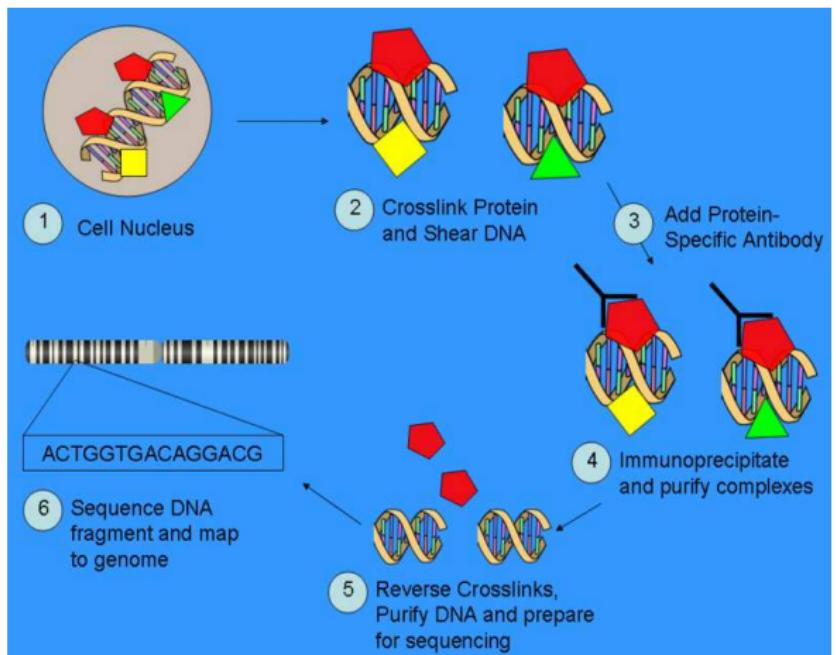
Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

ChIP-on-chip



<http://en.wikipedia.org/wiki/ChIP-on-chip>

ChIP



Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

In-situ hybridization



**In situ hybridization of
Acsl5 in mouse E14.5**

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

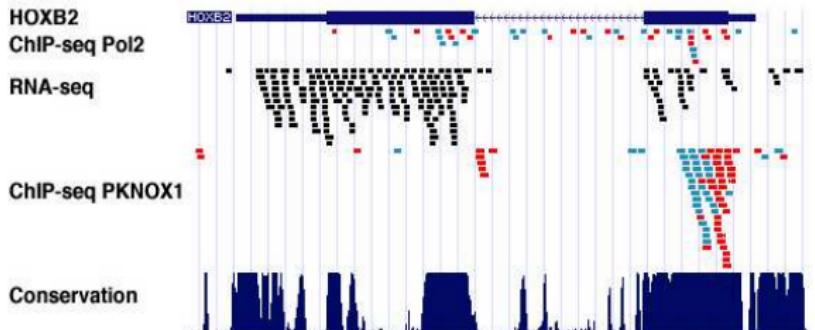
Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

RNA-Seq



ChIP-seq and RNA-seq data exemplified at the HOXB2 gene

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

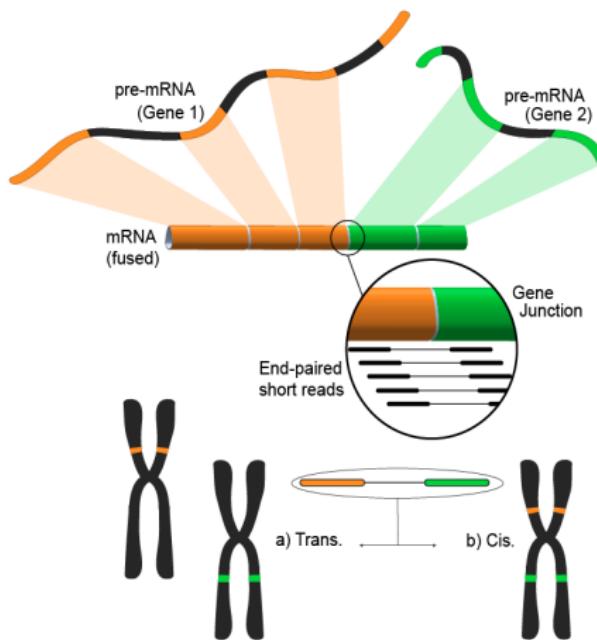
Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

RNA-Seq v diagnostice rakoviny



Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Multiclass cancer diagnosis using tumor gene expression signatures (Ramaswamy et al., 2001)

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v
klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní
spektra

- ▶ V praxi se k diagnostice používá soubor klinických a histologických vyšetření.
- ▶ Je možné je nahradit molekulárním vyšetřením ?
 - ▶ 218 nádorů a 90 zdravých tkání
 - ▶ microarray (exprese genů)
 - ▶ 5 000 000 zjištěných hodnot
 - ▶ metody strojového učení (CLUSTER, SOM, SVM)
 - ▶ klasifikace (OVA = one v. all)
 - ▶ úspěšnost 78%

Získávání expresních dat

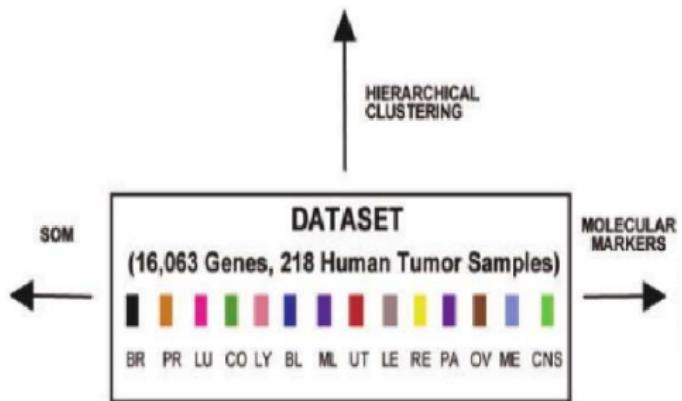
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra



Hierarhické agglomerativní zhlukování

Získávání expresních dat

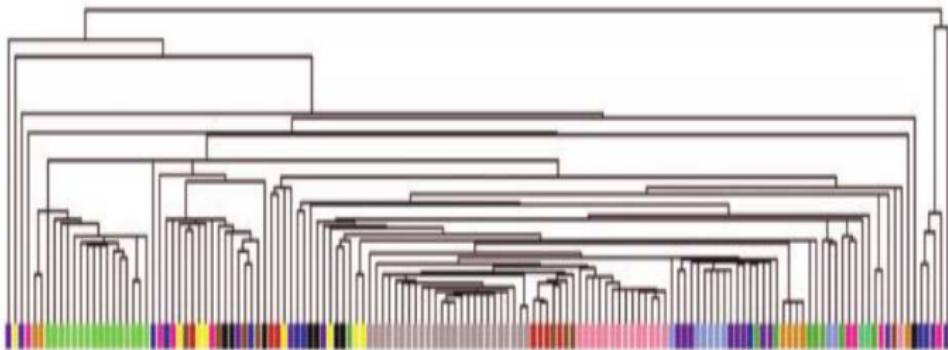
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra



Jak funguje klasifikace do více tříd

Získávání expresních dat

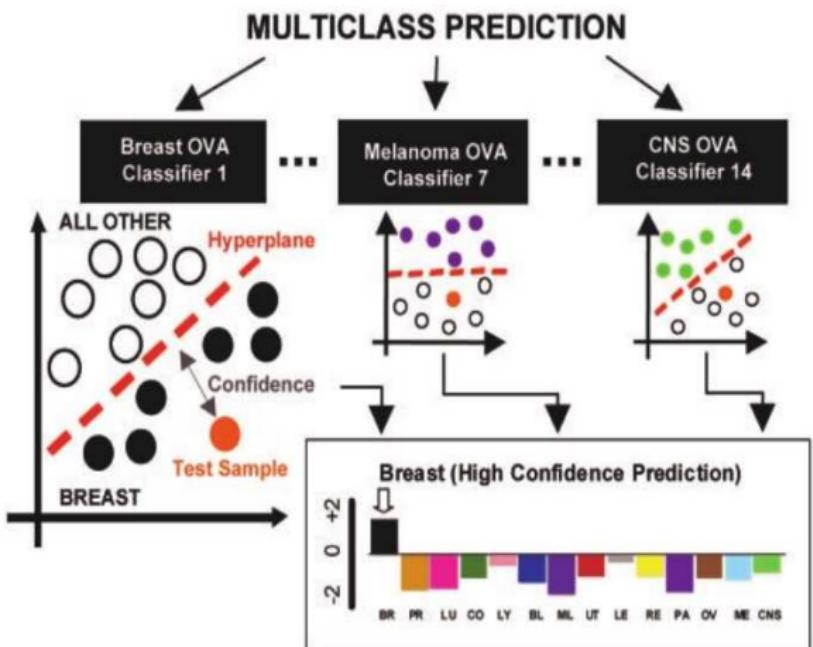
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra



Kvalita predikcí s různými stupni spolehlivosti

Získávání expresních dat

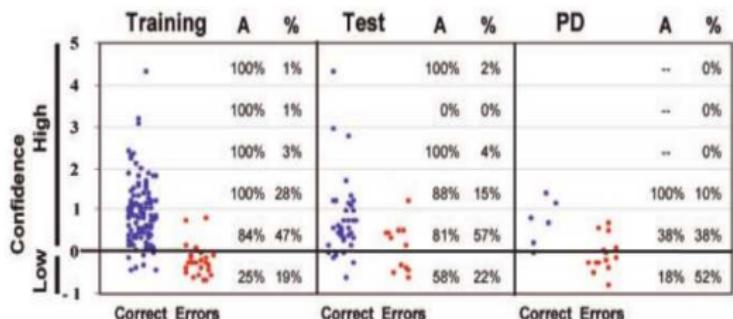
Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

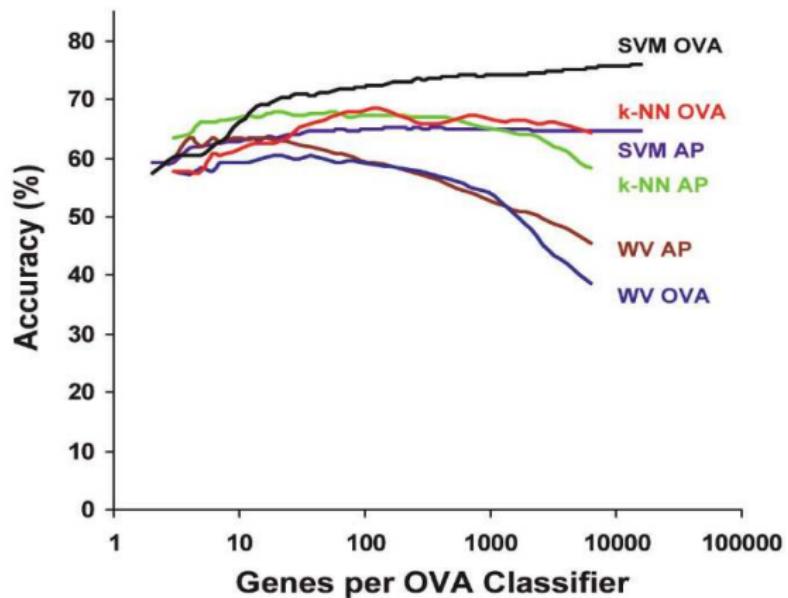
Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra



Počet genů potřebný k úspěšné klasifikaci



Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Spolehlivost klasifikace

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v
klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní
spektra

Train

Predicted Class

Actual Class	BL	BR	CNS	CO	LE	LU	LY	ME	ML	OV	PA	PR	RE	UT	n
BL	63%				13%			13%		13%					8
BR		88%			13%										8
CNS			100%												16
CO			13%	75%						13%					8
LE					100%										24
LU	13%	13%		13%		50%				13%					8
LY						100%									16
ME							100%								8
ML								63%			13%	13%			8
OV									13%	38%					8
PA										63%					8
PR											75%				8
RE											63%				8
UT												88%			8
n	8	11	16	10	24	5	16	10	8	8	6	7	6	9	144

Příště

Získávání expresních dat

Uplatnění v medicíně

Analýza expresních dat

Příklad použití microarray dat v klasifikaci nádorů

Příště

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Štěpení proteinů a hmotnostní spektra

Outline

Dodatek

For Further Reading

Dodatek

For Further Reading

Dodatek

For Further Reading

X