

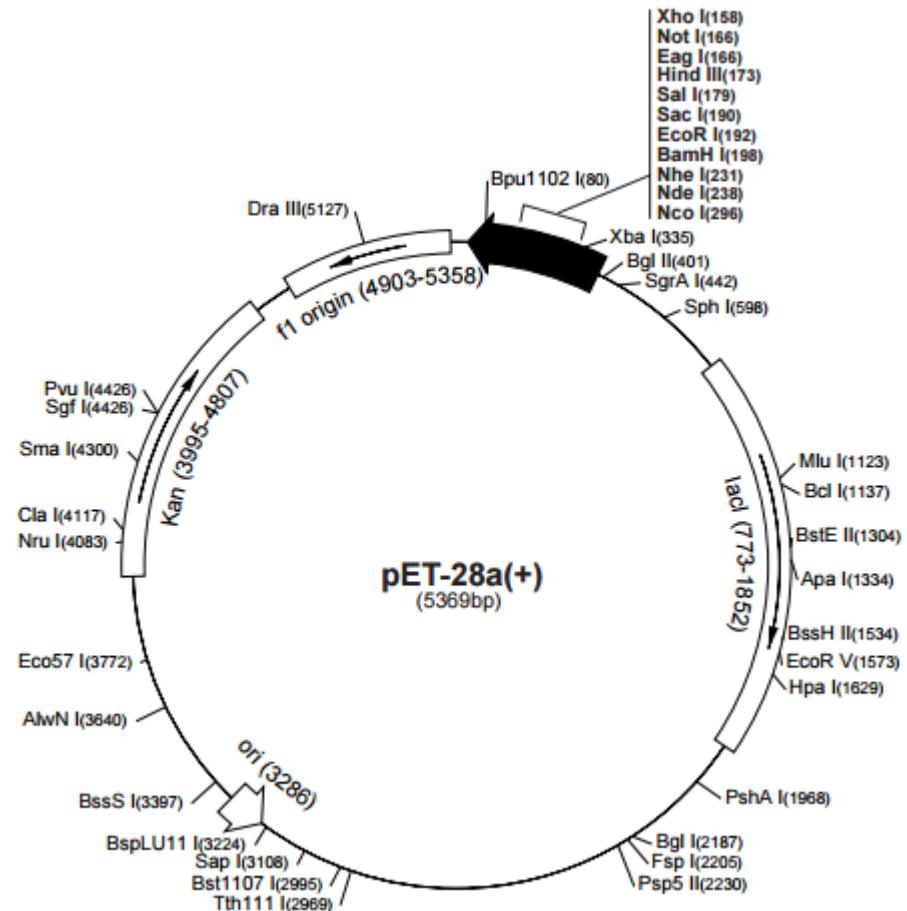
>EF136587.1 Putative holin

TA  
CTGTTATATTATTGTTAGAAATAATAAGAAAGGTGGTTTTA**ATG**GCTAATGAAACTAACAAACCTAAAGTTGGAGGAATAAACCTAGCACAAGAACTAAGAGCAAACATTTG  
GGTAGCAATTATATCAGCAGTAGCATTATTGCTAACCAATTATAGGTGTTGGTTAGACTACTCAGCTCAAATTGAGCAAGGTGTAATATTGAGGTTCTATACTAACACTATTAGCAGGTT  
TAGGTATTATTGTTGATAATAACTAAAGGTCTTAAAGATAGTGATATTGTTCAAACAGACTATCTAACCTCGTGTAGTAAAGACCCTAATGAATTGTTCAATGGCAAGCAAATGCAAATAAC  
ACTAGTACTTTGAGATAGACAGCTACGAAAACAATGCAGAACCTGACACAGATGATAGTGAGTACCTGCTATTGAAGATGAAATTGATGGTGGTCAGCACCTCTCAAGATGAAGAAGATAC  
CGAGGAACATGGTAAAGTATTGAGAAGTTAAG**TAA**TGGCTACAGATGA

**ATG** - iniciačný kodón

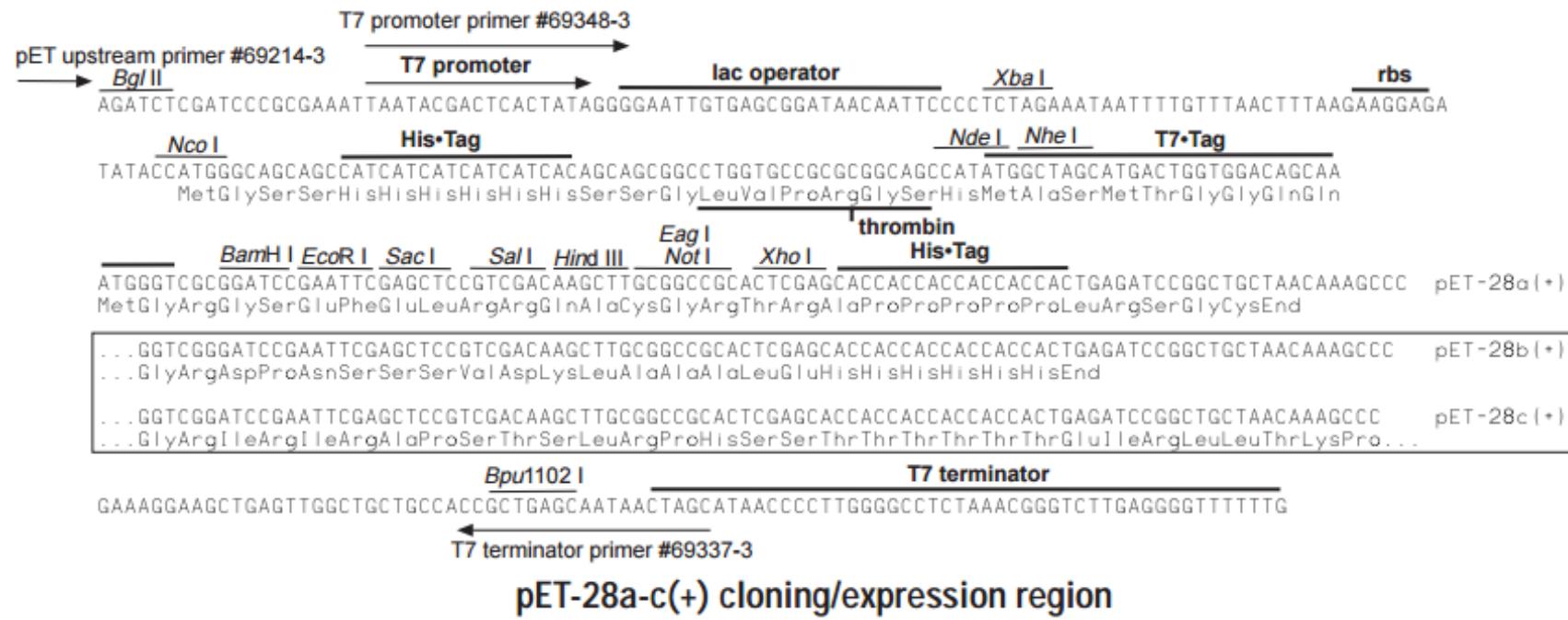
**TAA** - stop kodón

Name	Sequence	Site Length	Overhang	Frequency	Cut Positions
<a href="#">ScaI</a>	AGTACT	6	blunt	1	390
<a href="#">SspI</a>	AATATT	6	blunt	1	222
<a href="#">XmnI</a>	GAANNNNTTC	6	blunt	1	356
<a href="#">ApoI</a>	RAATTY	6	five_prime	1	352
<a href="#">BccI</a>	CCATC	5	five_prime	1	469
<a href="#">Bpu10I</a>	CCTNAGC	6	five_prime	1	97
<a href="#">EcoP15I</a>	CAGCAG	6	five_prime	1	173
<a href="#">EcoRI</a>	GAATTC	6	five_prime	1	352
<a href="#">Smll</a>	CTYRAG	6	five_prime	1	494
<a href="#">SpeI</a>	ACTAGT	6	five_prime	1	385
<a href="#">TatI</a>	WGTACW	6	five_prime	1	388
<a href="#">AlwNI</a>	CAGNNNCTG	6	three_prime	1	427
<a href="#">BseMII</a>	CTCAG	5	three_prime	1	209
<a href="#">BseRI</a>	GAGGAG	6	three_prime	1	553
<a href="#">MmeI</a>	TCCRAC	6	three_prime	1	63
<a href="#">BspMI</a>	ACCTGC	6	five_prime	2	241, 462
<a href="#">AlfI</a>	GCANNNNNNTGC	6	three_prime	2	355, 389
<a href="#">BcgI</a>	CGANNNNNNTGC	6	three_prime	2	400, 434
<a href="#">AgsI</a>	TTSAA	5	three_prime	3	310, 361, 463
<a href="#">MboII</a>	GAAGA	5	three_prime	3	475, 514, 517
<a href="#">TsoI</a>	TARCCA	6	three_prime	3	43, 178, 546
<a href="#">BdaI</a>	TGANNNNNNTCA	6	three_prime	4	289, 323, 340, 374
<a href="#">TspDTI</a>	ATGAA	5	three_prime	5	74, 365, 461, 482, 515



pET28a: T7 polymeráza začína transkripciu na pozícii 369 → 0, terminátor je na pozícii 26-72

*In silico* restrikčná analýza génu pre predpokladaný holín s okolitými sekvenciami



Detail sekvencie multiple cloning site s vyznačenými štiepnými miestami, a funkčnými oblastami.

**Úloha:** Navrhnite primery vhodné na klonovanie predpokladaného holínu do zadaného expresného vektoru pET28a, tak aby sa na jednom **alebo** druhom konci proteínu nachádzal His-tag uľahčujúci purifikáciu a aby bolo možné ho v tomto vektore exprimovať.

Sekvencie primerov vhodných na klonovanie:

Hol\_RE1\_FW: 5'-

-3'

Hol\_RE2\_RV: 5'-

-3'