

Ekologie společenstev cizopasníků

Diskuse - Holmes a Price (1986):

- 1) Struktura společenstva determinována zákonitostmi vs . náhodně**
- 2) Které procesy určují tuto strukturu**

Koevoluce parazita a hostitele

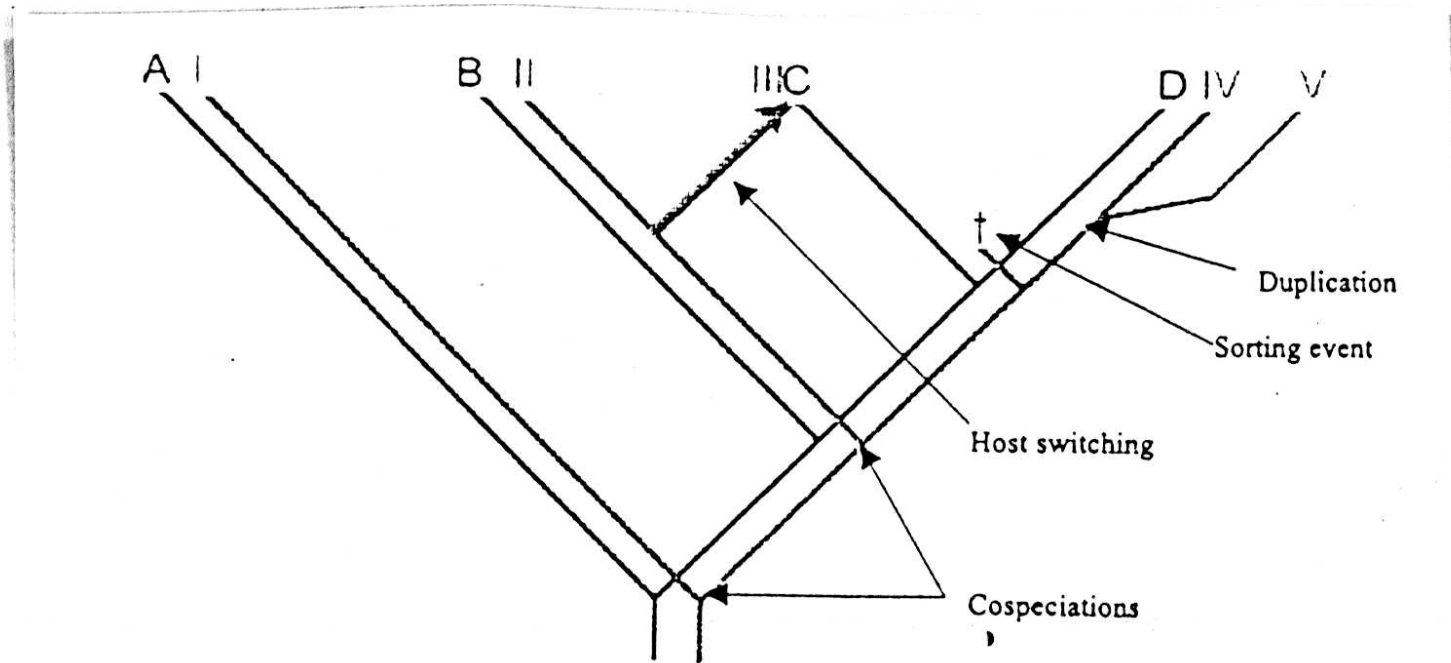


Fig. 1. The phylogeny of four hosts (black; A–D) and the evolutionary history of five associated parasites (gray; I–V). The four coevolutionary events that influence the congruence and incongruence between the host and parasite phylogenies are illustrated and labeled.

Srovnání parazito-hostitelské fylogeneze

Results and conclusions

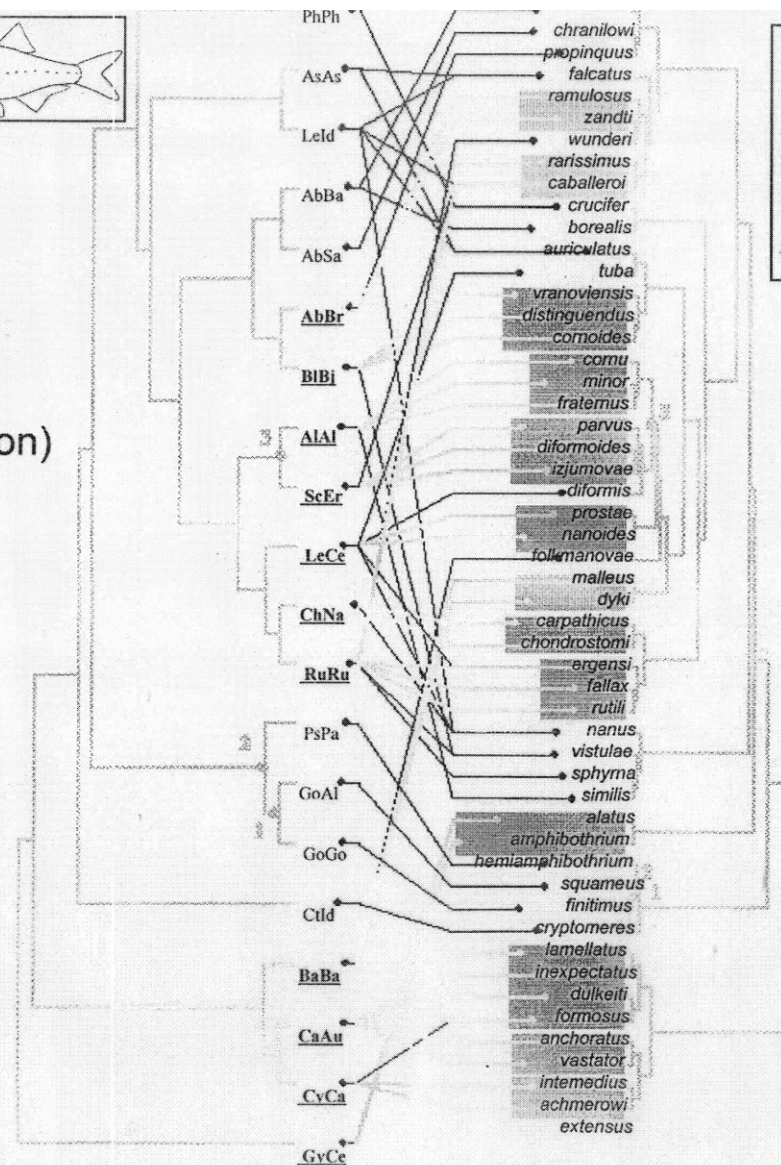
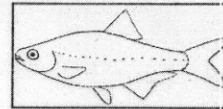
Comparison of host-parasite phylogenies

Intra-host speciation (parasite duplication)

⇒ the main process of *Dactylogyrus* diversification

⇒ closely related to host specificity

⇒ parasites occupied the niches differently



Co determinuje diverzitu společenstev cizopasníků ?

Co determinuje počet druhů hostitelů využívaných parazitem ?

Koncepce dvou filtrů:

1. potenciální kontakt
2. kompatibilita

Všichni
hostitelé

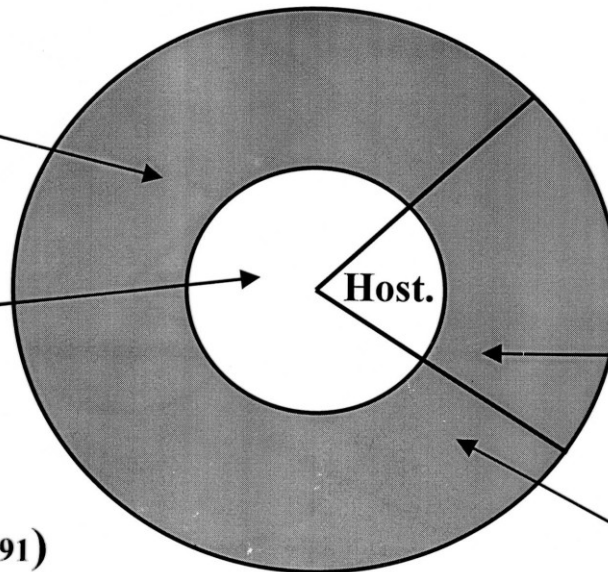
Potenciální
hostitelé

Host.

Kompatibilní

Nekompatibilní

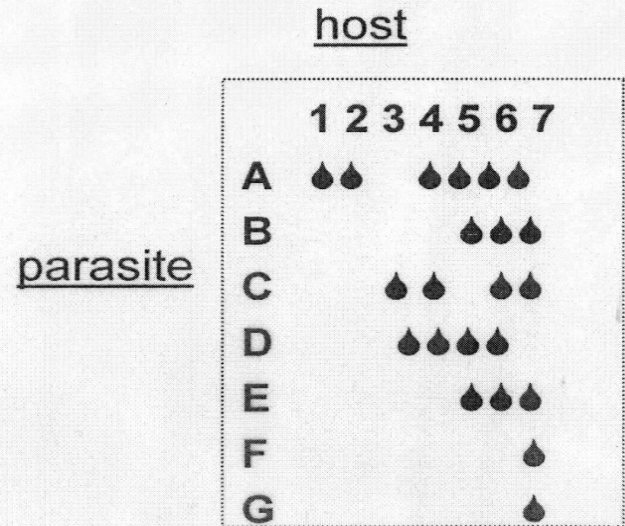
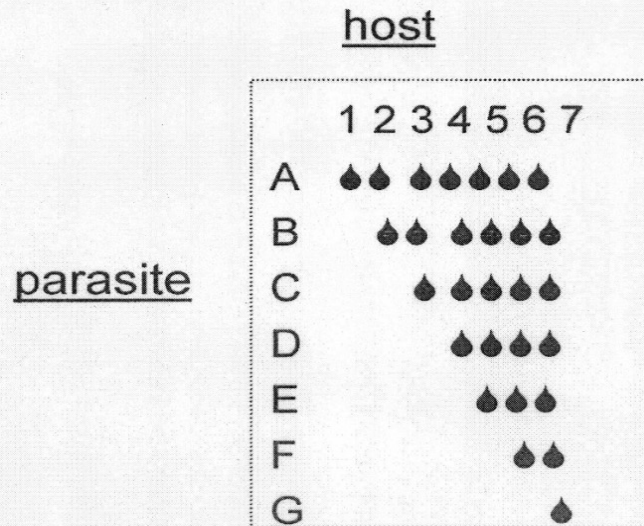
(upraveno podle Combes 1991)



Náhoda *versus* determinace

Organisation in parasite assemblages

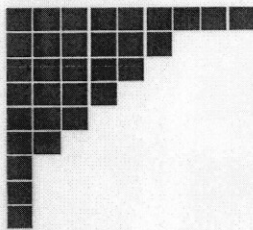
- ▲ Island biogeographical theory \Rightarrow host as island
- ▲ “Nestedness” \Rightarrow pattern describing the species distribution in fragmented habitats
- ▲ Nested structure
- ▲ Deviation from random to nested structure



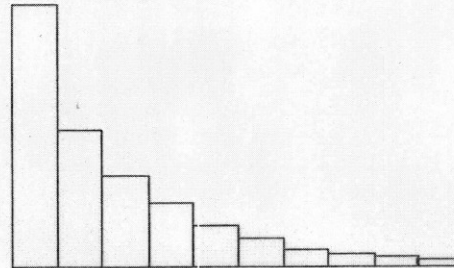
Náhoda *versus* determinace

Relationship between two kinds of organisation in parasite assemblages

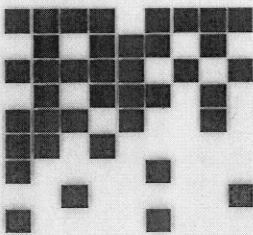
Nested pattern



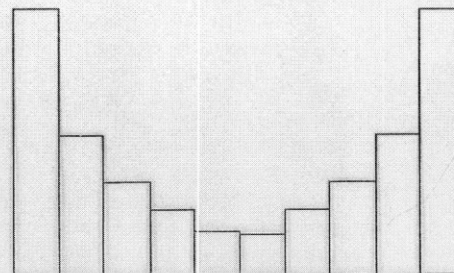
Unimodal distribution of parasite prevalence



Non nested pattern

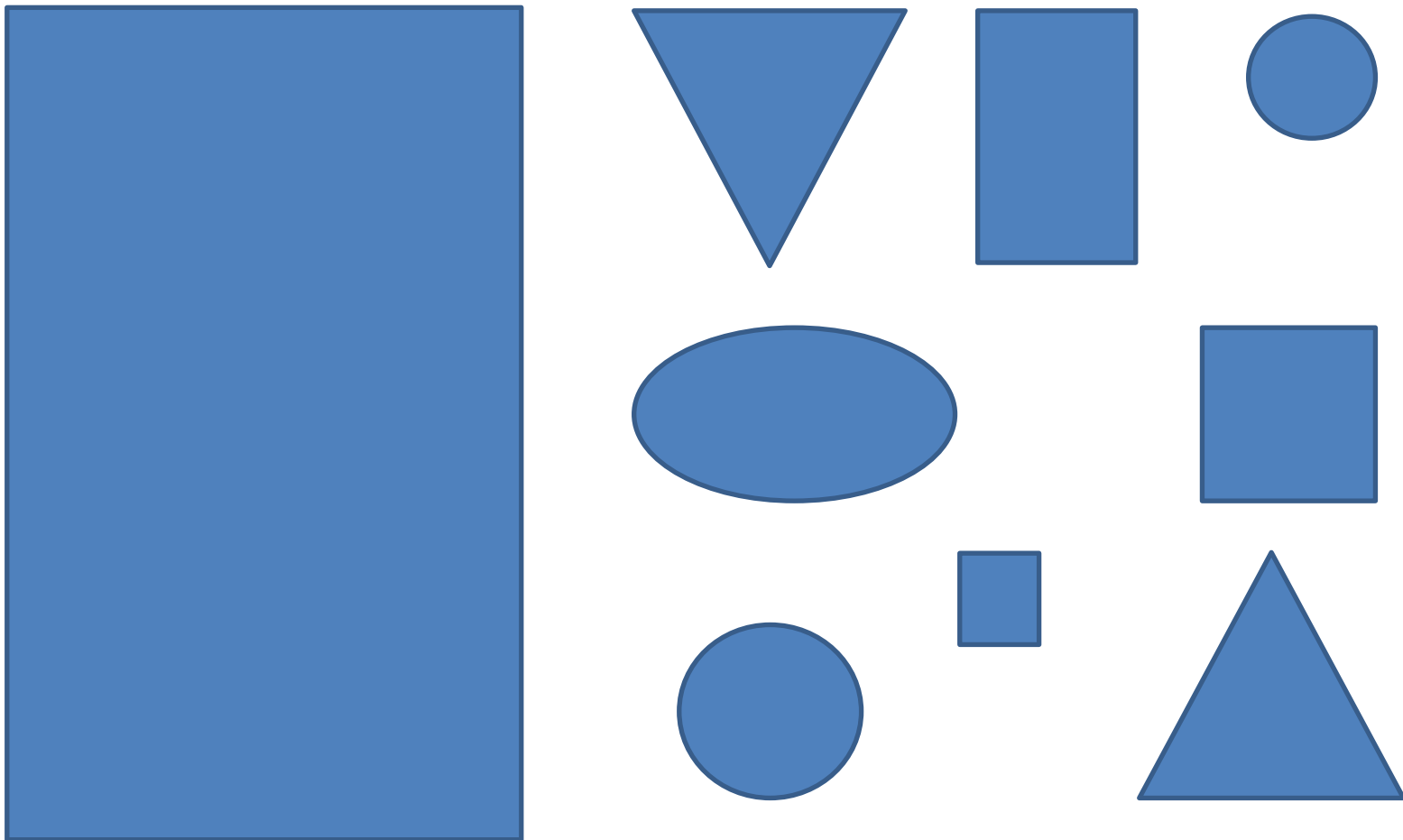


Bimodal distribution of parasite prevalence

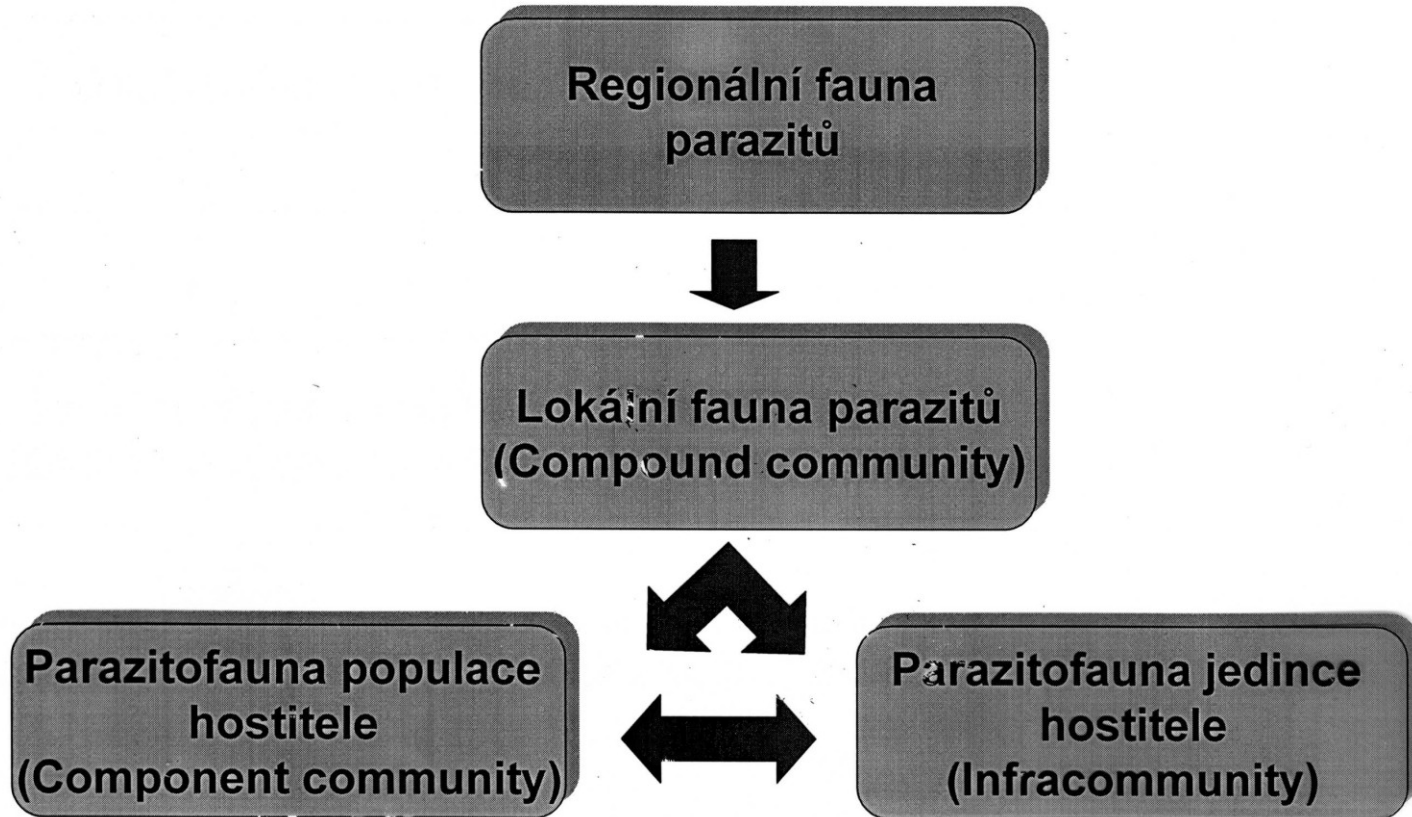


Morand et al., 2002;
Šimková et al., 2003

Fragmentovaný habitat



Struktura společenstev cizopasníků



Regionální fauna parazitů

Regionální fauna cizopasníků je chápána jako soubor všech cizopasníků určité geografické oblasti. Je zřejmé, že na její složení bude mít vliv zoogeografické rozšíření cizopasníků a historie daného regionu. Velmi významně se zde bude uplatňovat působení ekologických faktorů především fyzikálně-chemické povahy, včetně působení přírodních katastrof a vlivu činnosti člověka. Složení regionální fauny bude na této úrovni ovlivňováno také introdukcí a aklimatizací nových druhů parazitů.

Lokální fauna - supraspolečenstvo

Compound community (lokální společenstvo = supraspolečenstvo) je definováno jako společenstvo všech cizopasníků na všech druzích hostitelů a mezihostitelů dané lokality. Její složení bude pod přímým vlivem regionální fauny cizopasníků. Podstatným faktorem určujícím její složení bude složení společenstva hostitelů a mezihostitelů. Z hlediska studia diverzity a pochopení zákonitostí složení a struktury společenstev lze očekávat, že vypovídací schopnost tohoto přístupu bude pravděpodobně největší. V praxi je však vzhledem k nesmírné pracnosti spojené s odběrem a zpracováním dostatečného množství vzorků cizopasníků ze všech druhů a typů hostitelů žijících na dané lokalitě tato metoda obtížně zvládnutelná.

Fauna parazitů na populaci hostitele - metaspolečenstvo

Component community. (fauna parazitů populace hostitele = metaspolečenstvo) Tento přístup předpokládá studium společenstva cizopasníků vyskytujících se u populace jednoho modelového druhu hostitele. Na této úrovni se budou projevovat rozdíly mezi fylogenetickými, fyziologickými a etologickými specifikami jednotlivých druhů hostitelských ryb. Volba vhodného modelového druhu hostitele by měla být vždy prováděna s dobrou znalostí ichtyologických poměrů na sledované lokalitě mimo jiné tak, aby populace uvedené ryby byla na daném místě dostatečně početná a dostupná.

Fauna parazitů na jedinci hostitele - infraspolečenstvo

Infracommunity. (fauna parazitů individua hostitele = infraspolečenstvo) Tento přístup spočívá ve výzkumu společenstva cizopasníků na jednotlivých jedincích populace modelového druhu. Umožňuje detailní studium společenstva cizopasníků včetně jejich rozmístění tj. lokalizace na/v těle hostitelských organismů (*habitat specificity, spatial distribution*). Lze získat údaje pro sledování intra- a interspecifických vztahů mezi jedinci a jednotlivými druhy cizopasníků, obsazování ekologických nik a v neposlední řadě i pro studium patogenního působení parazitů na organismus hostitele a jeho reakci jako fyziologického individua.

Analýza struktury společenstva

Analýza struktury společenstva cizopasníků

- **Podle systematického zařazení:** **Druhy**
Rody
Čeledě
Řády

Analýza struktury společenstva

- Podle dominance: *Core versus* *Satelite species*
- Podle specifčnosti: *Generalisti versus* *Specialisti*
- Podle lokalizace (guildu): *Ektoparaziti versus* *Endoparaziti*
- Podle typu životního cyklu: *Autogenní versus* *Allogenní*
- Podle kolonizační strategie: *Invazní parva (penetrace)*
Ingesce
Kontakt
Vektor
- Podle reprodukční strategie: *Mikroparaziti versus* *Makroparaziti*

Analýza struktury společenstva

Terminologie:

(podle Esch a Fernandez, 1993)

Regionální fauna cizopasníků

Lokální fauna cizopasníků - compound community

Druhová fauna cizopasníků - component community

Individuální fauna cizopasníků - infracommunity

Struktura společenstva:

- | | | |
|-------------------|-----|-------------------|
| - ektoparaziti | vs. | endoparaziti |
| - autochtonní | vs. | allochtonní |
| - generalisti | vs. | specialisti |
| - core species | vs. | satelite species |
| - izolacionalisti | vs. | interakcionalisti |

Analýza struktury společenstva

Výhoda ⇒ víceúrovňové možnosti studia cizopasníků:

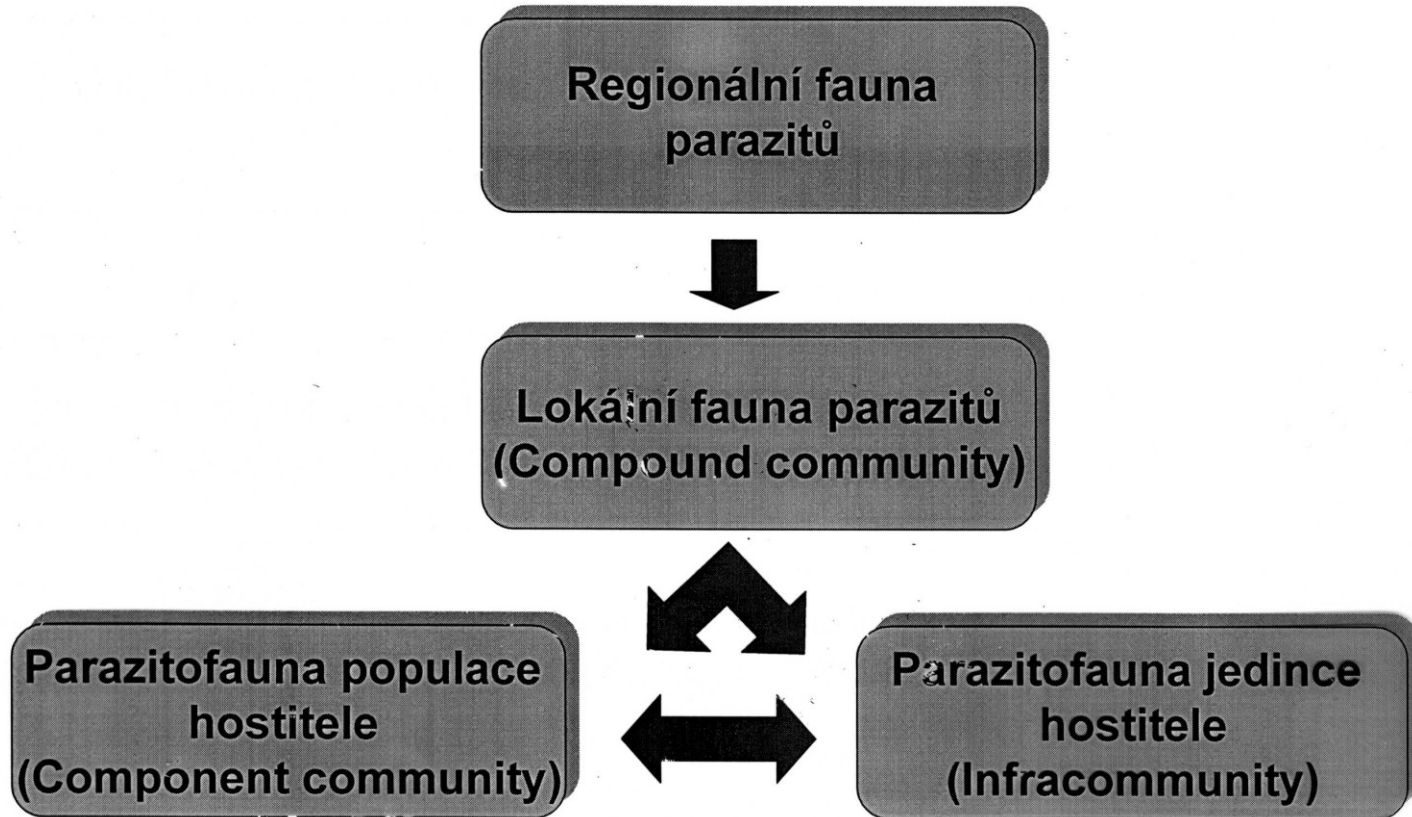
- 1) Organismus
- 2) Populace
- 3) Společenstvo

Nezbytnost ⇒ komplexní multidisciplinární přístup

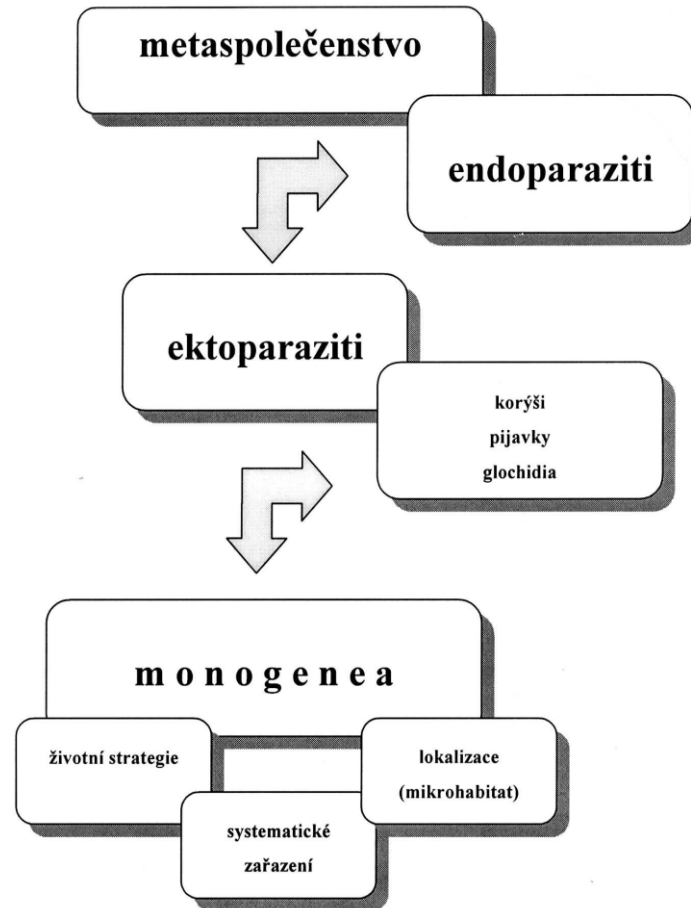
- parazitologie
- hydrobiologie
- ichtyologie
- ekologie
- statistika a modelování

Paraziti ⇔ perspektivní modelová skupina organismů

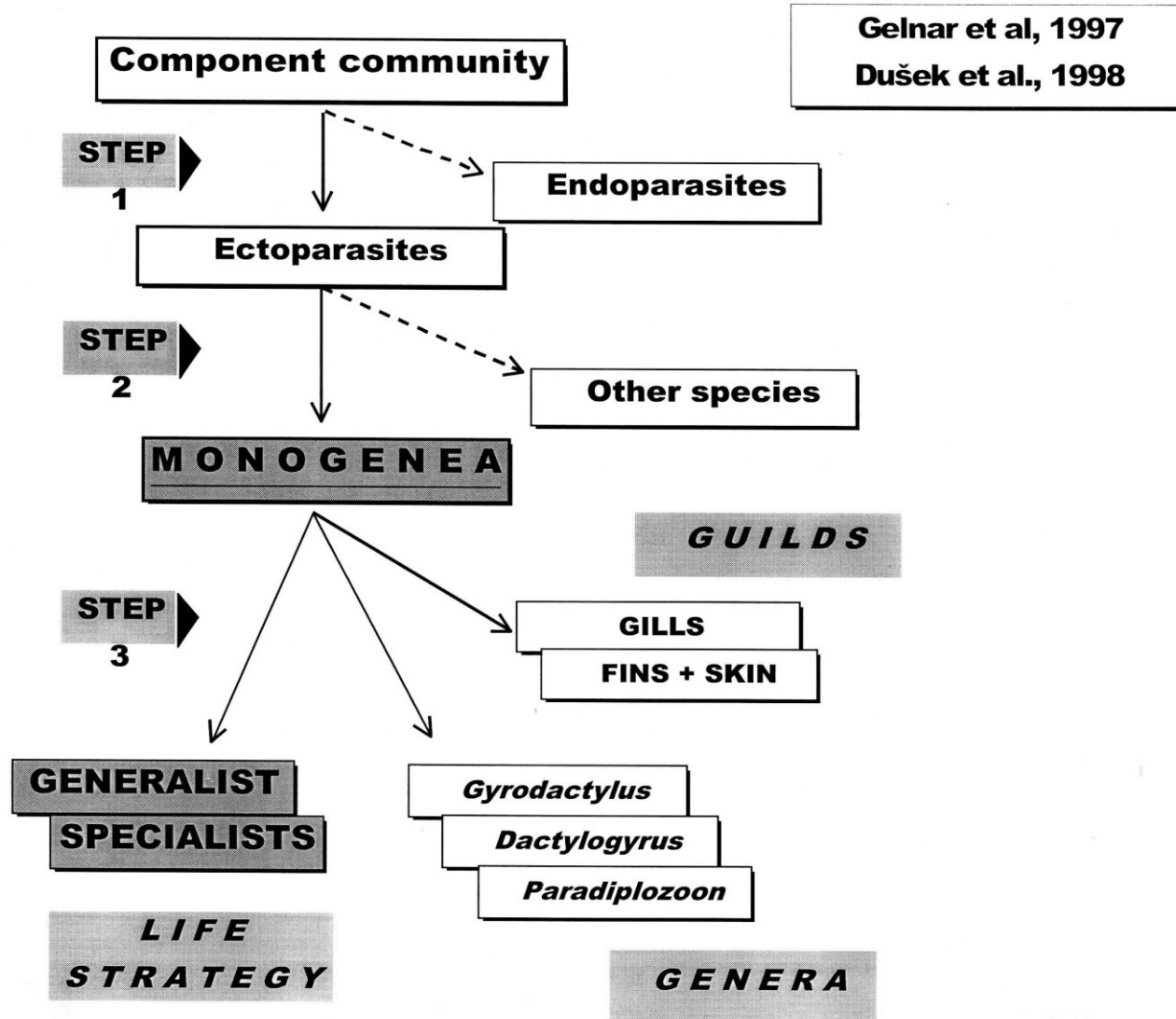
Struktura společenstev cizopasníků



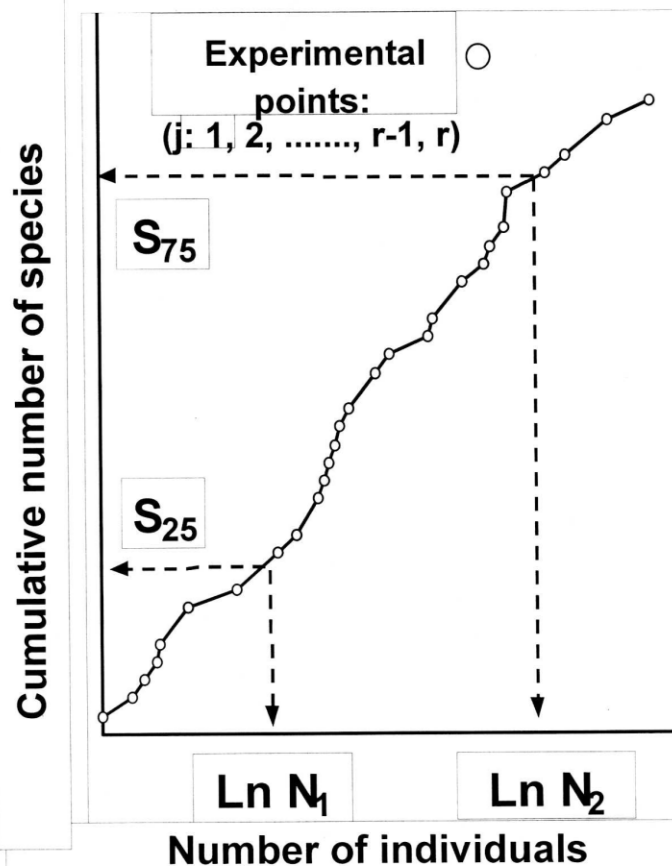
FRAKCIÓNACE SPOLEČENSTVA CIZOPASNÍKŮ



Frakcionace společenstva cizopasníků



Stochastically based evaluation of Q statistic (Dušek et al., Int. J. Parasitol., 1998)



A. The Q statistics

According to Kempton & Taylor
(1976, 1978)

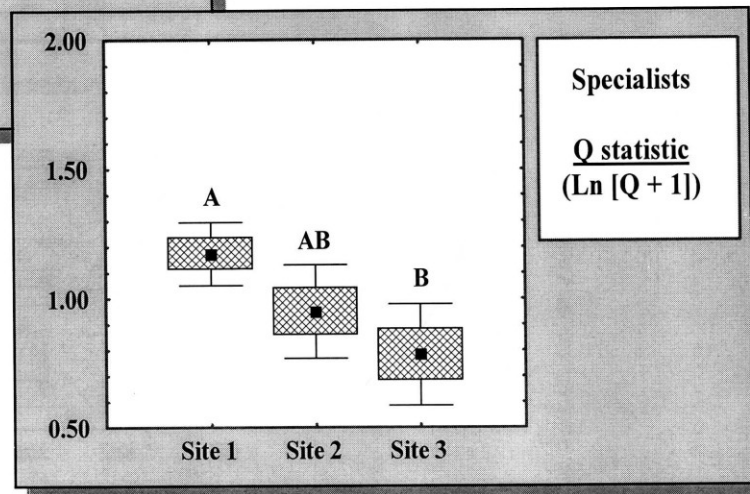
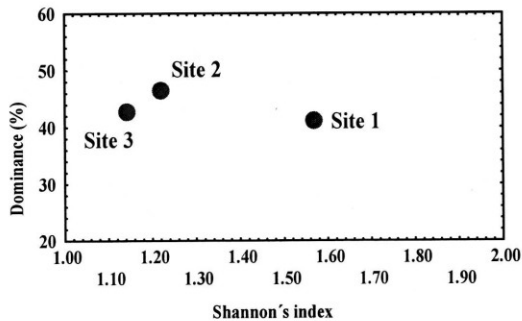
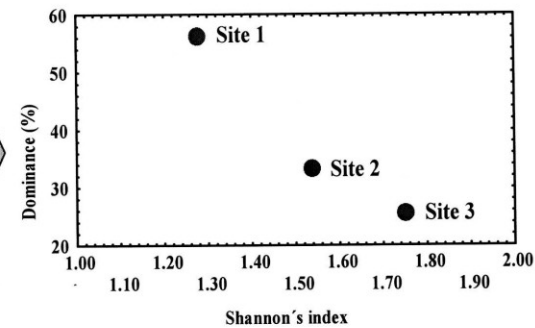
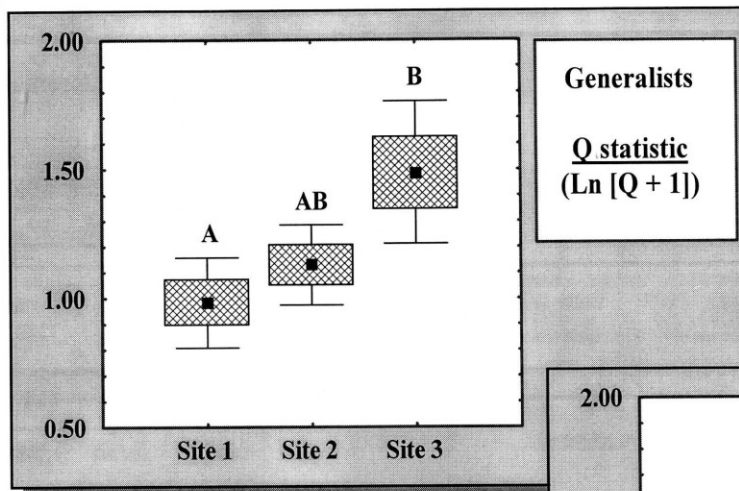
$$Q = \frac{r(S_{25}/2) + S_{\bar{S}} + (S_{75}/2)}{\text{Ln}(N_2/N_1)}$$

B. Proposed stochastic estimate of the Q

$$X_i = (S_j - S_{j'}) / \text{Ln}(N_j / N_{j'})$$

Q = geometric mean
of X_i values

Q statistic, Shannon's diversity (H') and dominance (D) Monogenea: specialists vs. generalists



Biodiverzita a biologická indikace

Znečištění prostředí ⇒ biodiverzita ⇒ biologičtí indikátoři

Proč paraziti ?

- 1) Všudypřítomná složka biocenóz
- 2) Komplexní životní cykly (integrace)
- 3) Větší abundance a diverzita
- 4) Vrchol trofické struktury

Environmentální stres ⇒ paraziti

- 1) Přímý - (např. abundance, dominance, species richness)
- 2) Nepřímý - (rezistence hostitele, distribuce cizopasníků aj.)

Biodiverzita v prostoru

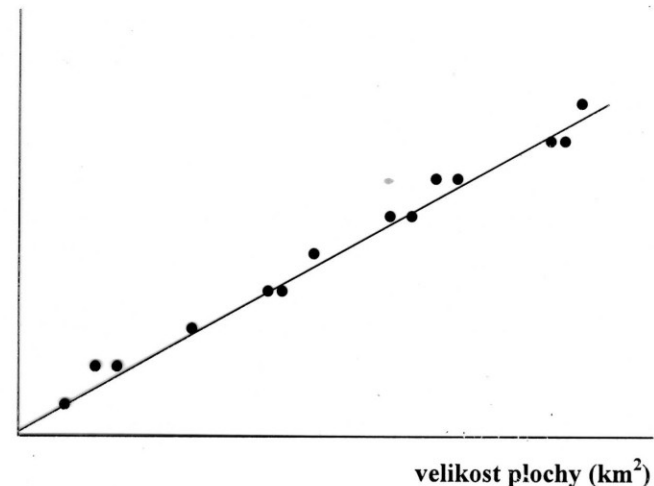
Vztah počet druhů – plocha ⇒ koncepce biogeografie ostrovů

Co je to ostrov ?

Je známo, že na ostrovech se vyskytuje méně druhů než na srovnatelně velkých územích na pevnině. Proč ?

Počet druhů rychle klesá se zmenšováním velikost ostrova. Proč ?

S (počet druhů)



Co vše může být ostrovem ?

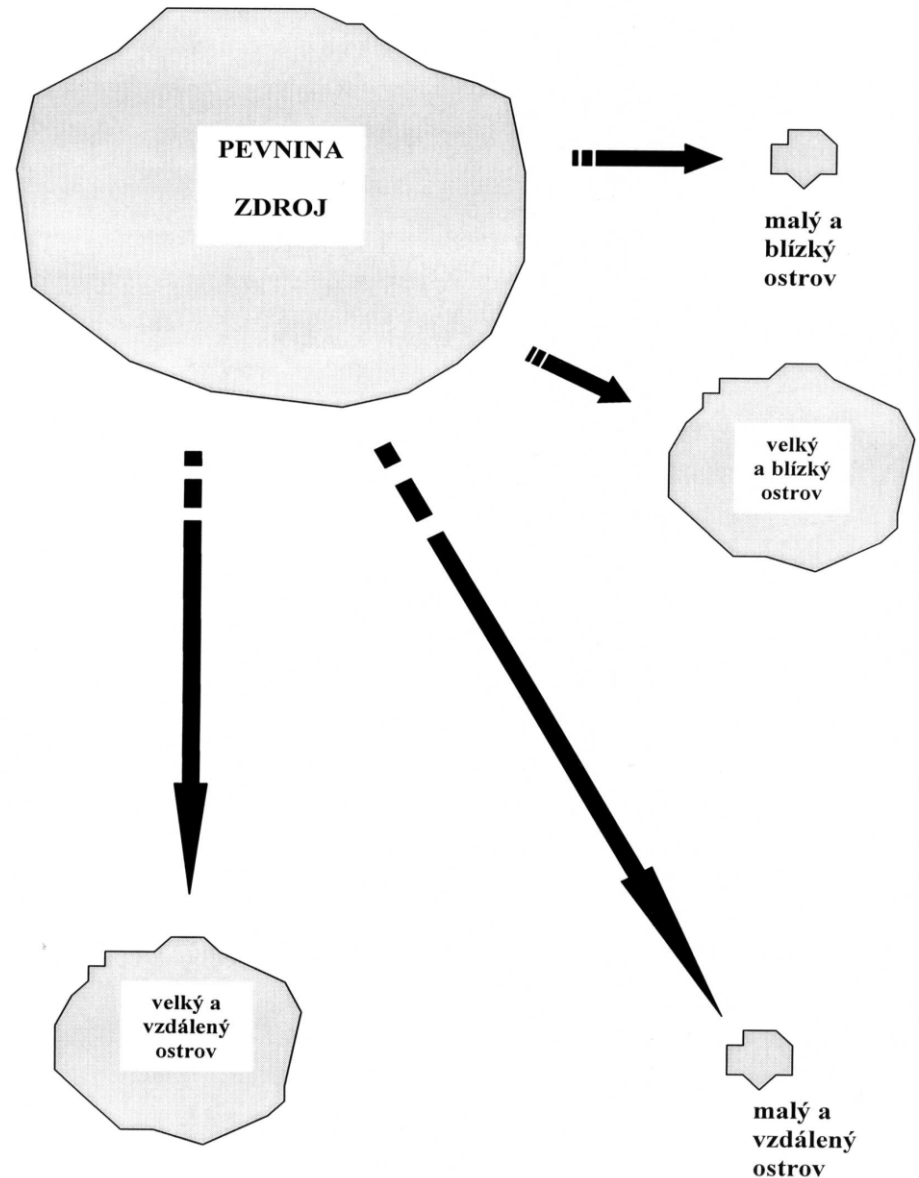
- ostrov suché země v moři vody
- jezero - ostrov vody v „moři země“
- vrchol hory = ostrov výšky v oceánu nízké nadmořské výšky
- oblast geologického, půdního, vegetačního typu
- organismus hostitele pro parazita
- rezervace obklopena zemědělskou či průmyslovou krajinou

Biodiverzita v prostoru

MacArthurova a Wilsonova teorie rovnovážného stavu

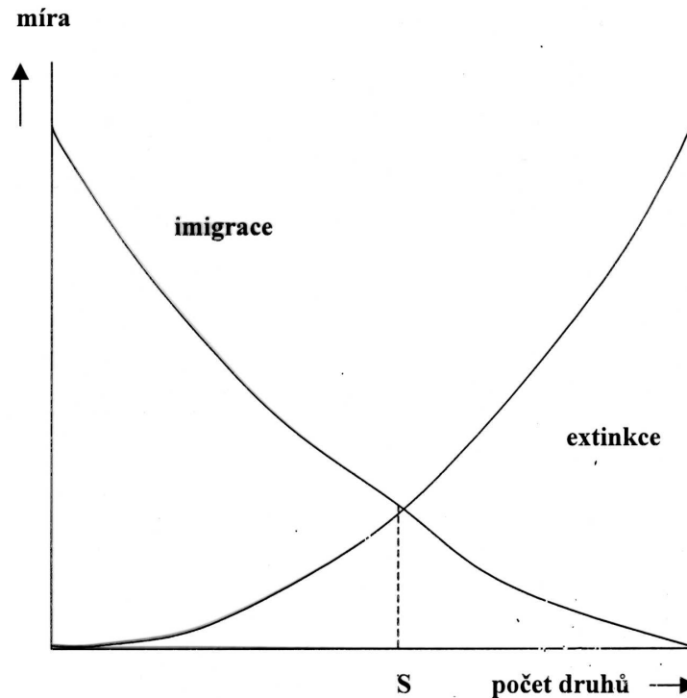
Teorie ostrovů:
Co je to ostrov ?

- 1) Ostrov pevniny
- 2) Ostrov vody
- 3) Vrchol hory
- 4) Propast (propadlina)
- 5) Organismus hostitele
- 6) Metapopulace hostitele
- 7) Fragmentovaný habitat



Biodiverzita v prostoru

Imigrace *versus* extinkce



Počet druhů na „ostrově“ je determinován dynamickou rovnováhou mezi procesem imigrace nových kolonizátorů a extinkce již přítomných druhů. Jak se počet kolonizujících druhů zvyšuje, počet imigrantů, kteří dosáhnou „ostrova“ klesá.

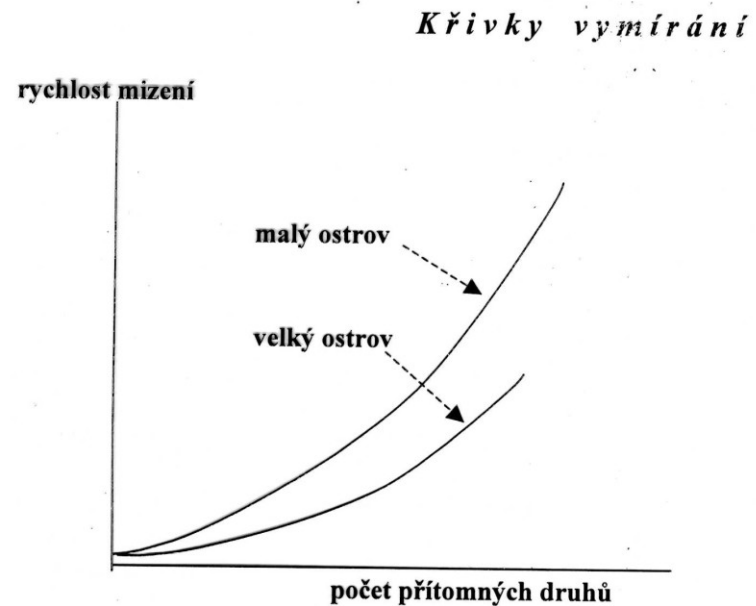
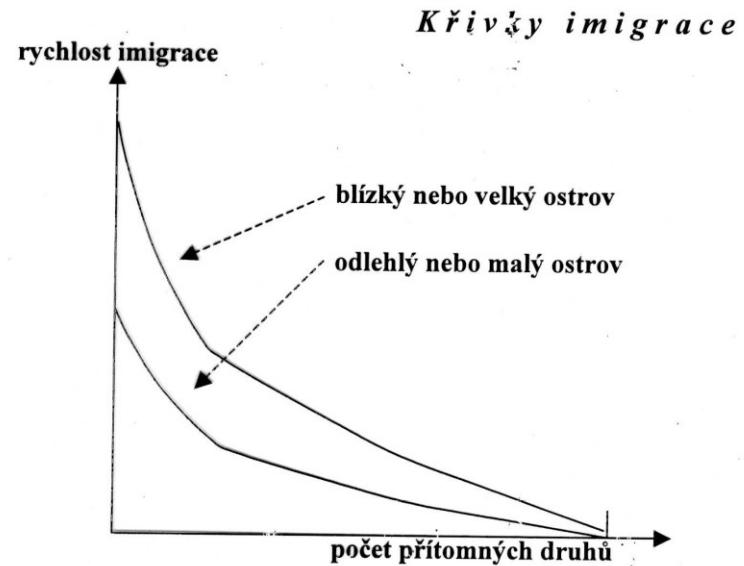
Na druhé straně, s růstem kompetice mezi druhy poroste míra extinkce. Bod na kterém se počet druhů ustálí je dán rovnováhou mezi mírou imigrace a extinkce.

Tento model dobře vysvětluje chování populací (metapopulací) živočichů na „ostrovech“ fragmentovaných habitatů jakými jsou například rezervace, tvořící mozaiku v krajině změněné činností člověka.

Nutnost zachování migračních cest = biokoridorů !

Biodiverzita v prostoru

Rychlost imigrace *versus*
rychlost vymírání

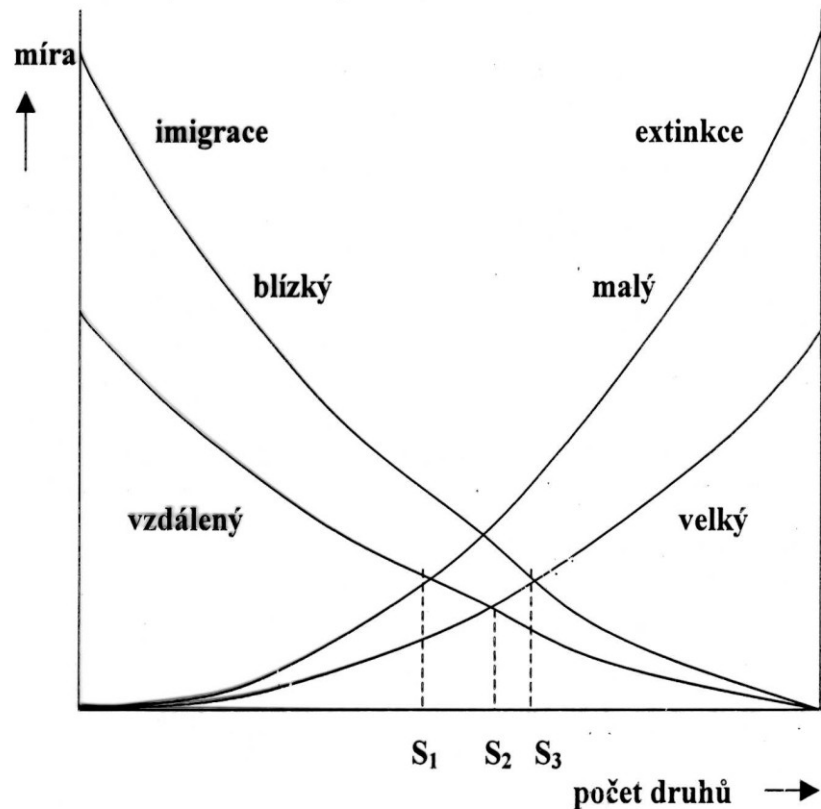


Biodiverzita v prostoru

MacArthurova a Wilsonova teorie rovnovážného stavu

Imigrace versus extinkce

Vliv velikosti a vzdálenosti



Malý a vzdálený ostrov (S_1) bude mít méně druhů než ostrov velký a blízký (S_3)

Hodnocení biodiverzity

Biologická diverzita = biodiverzita

Co je to biodiverzita ?

Biodiverzita (druhová rozmanitost) = strukturně kvantitativní vlastnost každého společenstva a znamená poměr počtu druhů k počtu jedinců. K vyjádření tohoto poměru se používá různých indexů (např. Shannonův index).

Biodiverzitu lze chápat na několika úrovních:

- **druhová diverzita (*species diversity*)** = počet druhů v daném prostředí
- **genetická diverzita (*genetic diversity*)** = genetická diverzita uvnitř daného druhu
- **ekologická diverzita (*ecological diversity*)** = počet různých ekosystémů v daném prostředí

Diverzita společenstev cizopasníků

Proč studovat biologickou diverzitu ?

- 1) Biologická diverzita je jedním z ústředních témat ekologie.
- 2) Biologická diverzita je často indikátorem stavu („zdraví“) ekosystému.
- 3) Stále existuje diskuse o tom jak měřit diverzitu.

Co jsou elementy biodiverzity ?

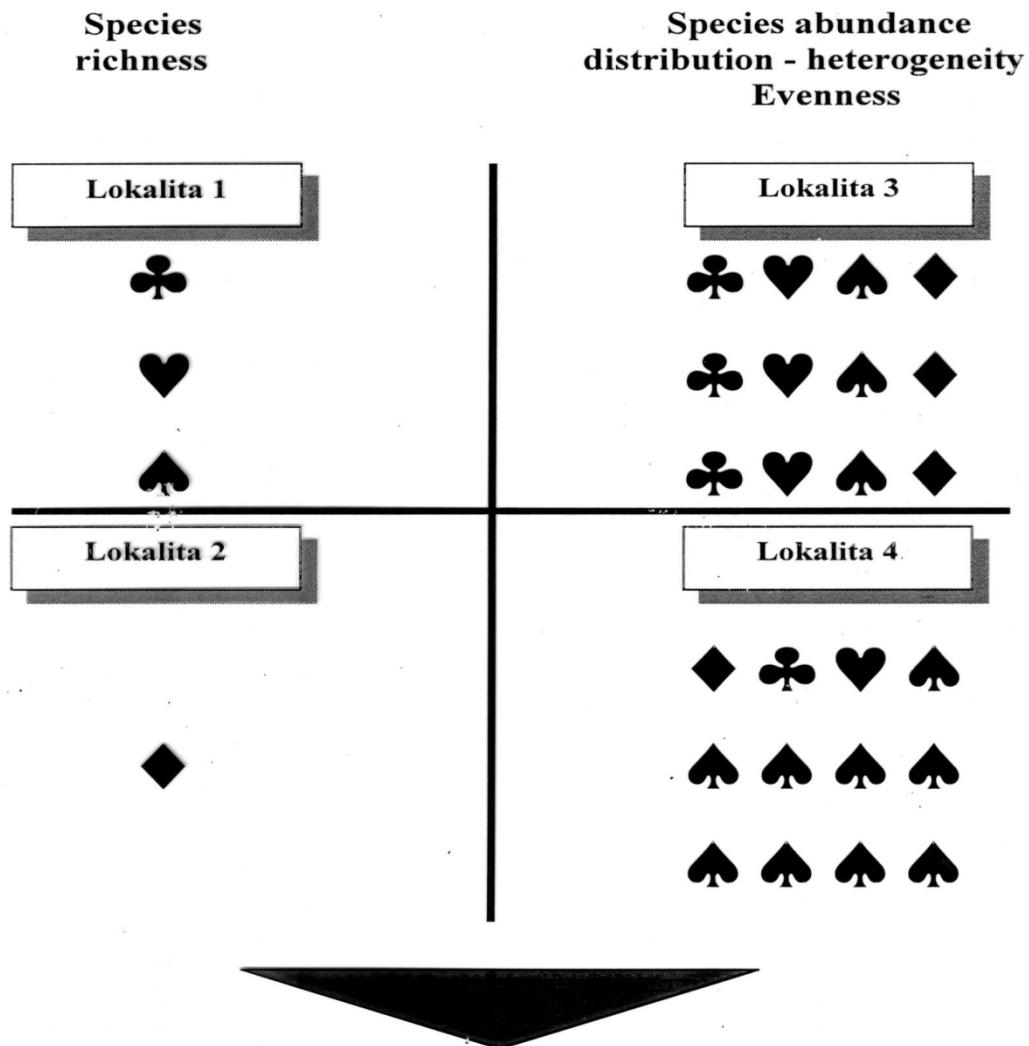
Elementy biodiverzity (podle Heywood a Baste, 1995)

Ekologická diverzita	Genetická diverzita	Diverzita organismů
Biomy		Říše
Bioregiony		Kmeny
Krajina		Čeledě
Ekosystémy		Rody
Habitaty		Druhy
Níky		Podruhy
Populace	Populace	Populace
	Jedinci	Jedinci
	Chromosomy	
	Geny	
	Nukleotidy	

Populace = soubor jedinců určitého druhu ... ⇒ Co je to druh ?

Dualistická koncepce biodiverzity

Species richness *versus* Species abundance distribution



Lokalita 1 má větší diverzitu než lokalita 2: species richness

Lokalita 3 má větší diverzitu než lokalita 4: evenness

Metody hodnocení biodiversity

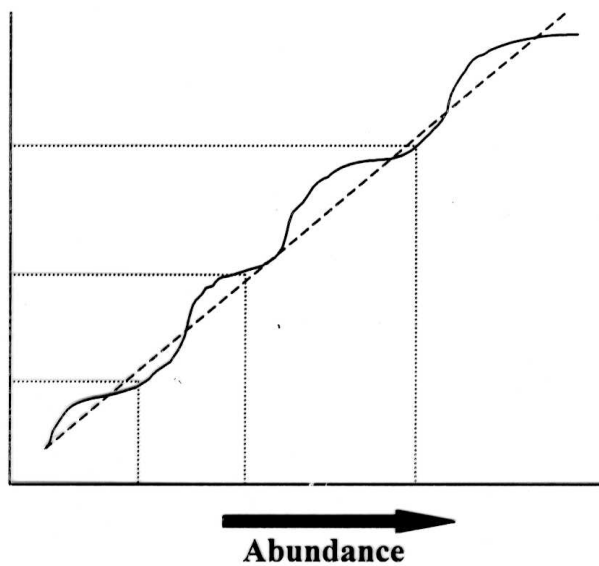
(podle Maguran, 1988)

- 1. Indexy založené na počtu druhů (např. Margalef's; Menhnick's)**
- 2. Indexy založené na početnosti druhů (např. species abundance models; Q statistika)**
- 3. Indexy založené na poměru počtu druhů a jejich početnosti (např. Shannon; Shanon evennes; Brillouin; Simpson)**

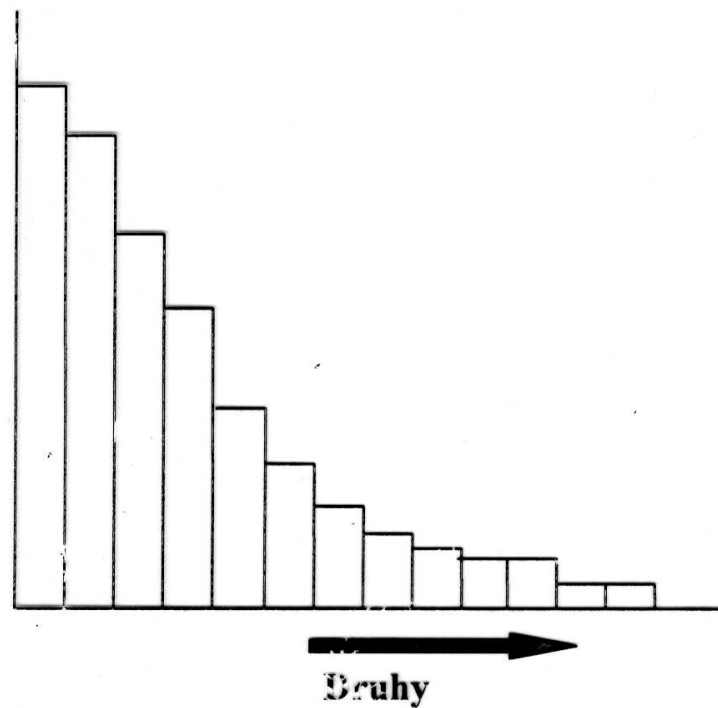
Hodnocení biodiverzity

Biodiverzita v grafech

Kumulativní četnost



Abundance



Hodnocení biodiverzity

Jak měřit biodiverzitu ?

Diverzitu druhovou lze měřit pomocí tří typů indexů (podle Maguran, 1988):

- **Indexy druhové rozmanitosti** (species richness) = údajují počet druhů v jednotně definovaném vzorku
- **Species abundance models** = popisují distribuci abundancí jednotlivých druhů a postihují situace od relativně vysoké evenness k případům s vysokým stupněm dominance.
- **Indexy založené na proporcionální abundanci jednotlivých druhů**

Hodnocení biodiverzity

Species abundance models

Geometrické řady

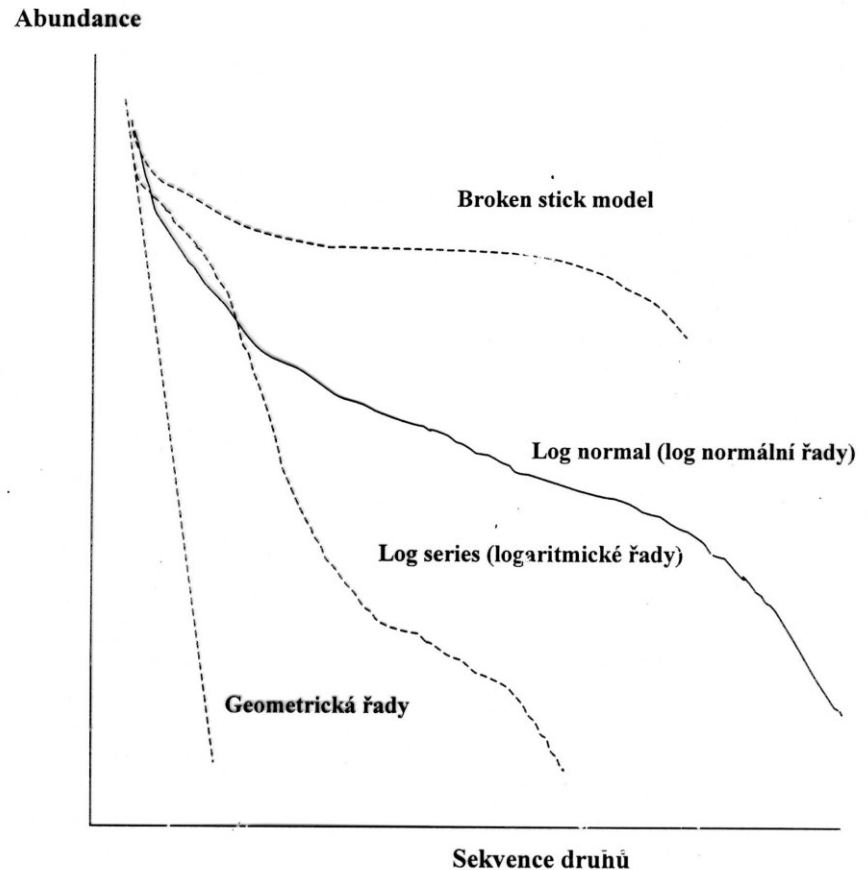
Log series (logaritmické řady)

Log normal (lognormální řady)

Broken stick modely

Species abundance models

- Indexy založené na početnosti druhů ve společenstvu, které popisují jak je početnost druhů ve společenstvu rozložena (**geometrické řady, logaritmické řady, log normální a MacArthurův broken stick model**). Při jejich použití je nejdříve nezbytné vytvořit teoretický model, který je pak porovnáván s reálnými daty např. metodou χ^2 testu dobré shody nebo lineární regrese.



Hodnocení biodiverzity

Geometrické řady

Geometrické řady se využívá u druhově chudých společenstev nebo u společenstev v ranném stadiu sukcese. Tato metoda je založena na předpokladu, že nejdominantnější druh obsadí určitou poměrnou část zdrojů, druhý poměrnou část zbytku a tak dále.

$$n_i = NC_k k(1 - k)^{i-1}$$

k – poměrná část prostoru niky nebo zdroje, kterou druh zabírá.

Odhaduje se ze vztahu

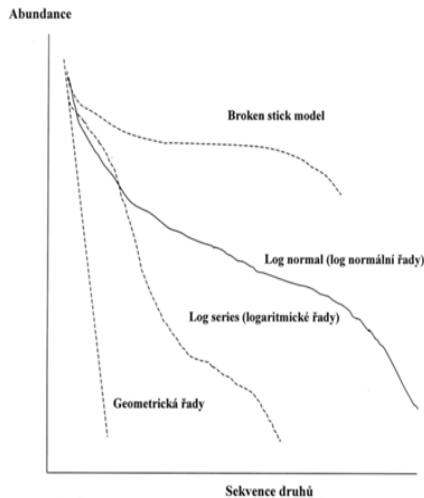
$$\frac{N_{\min}}{N} = \frac{k(1-k)^S / 1-k}{1-(1-k)^S}$$

n_i – počet jedinců i -tého druhu

N – celkový počet jedinců

$C_k = [1(1-k)^S]^{-1}$ - konstanta zaručující $\sum n_i = N$

S – počet druhů



Model vizualizuje situaci, kdy dominantní druh si dělá předkupní právo (zabírá) značnou proporcí limitovaného zdroje k . Další dominantní druh se chová ke zbytku k stejně a tak dále.

S postupem sukcese tento model přechází do log series modelu.

Hodnocení biodiverzity

Logaritmické řady

Logaritmické řady se stejně jako geometrické řady hodí pro popis situací, kdy společenstvu dominuje jeden nebo málo druhů. Od jejich rozložení je odvozen index diverzity α , což je vlastně koeficient příslušné funkce.

$$S(n) = \alpha x^n / a$$

$S(n)$ – počet druhů v kategorii s n jedinci

x – je odhadováno ze vztahu

$$\frac{S}{N} = \frac{(1-x)[- \ln(1-x)]}{x}$$

S – celkový počet druhů

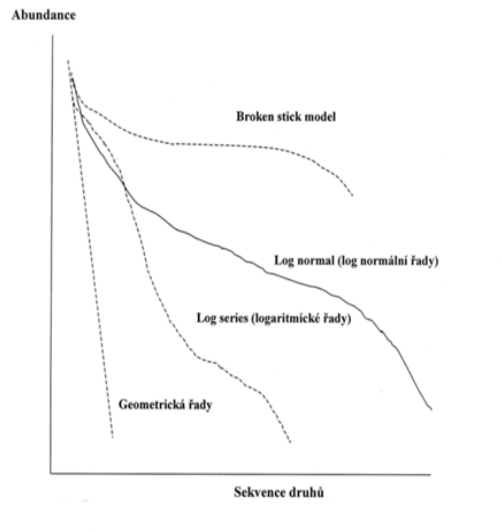
N – celkový počet jedinců

α - index diverzity

$$\alpha = N(1-x)/x$$

$$Var(\alpha) = \alpha / -\ln(1-x)$$

Testování modelu se provádí výpočtem očekávaného počtu druhů pro každou třídu abundance a jeho srovnáním se skutečným počtem druhů. Shoda je testována χ^2 nebo G testem.



Hodnocení biodiverzity

Log normální rozložení

Log normální rozložení se objevuje u mnoha společenstev. Lze pomocí něj obvykle vyjádřit velká, rozvinutá a pestrá společenstva. Je od něj odvozen index diverzity γ , což je v podstatě měření vztahu mezi nejvyšší hranicí křivky jedinců a nejzazším koncem křivky vyjadřující počet druhů.

$$S(R) = S_0 \exp(-\alpha^2 R^2)$$

$S(R)$ – počet druhů v R -té třídě v levé i v pravé části symetrické křivky

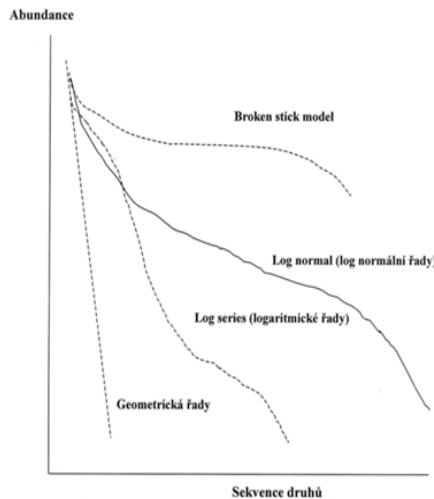
S_0 – počet druhů v nejpočetnější třídě

$$\alpha = (2\sigma^2)^{0.5}$$

$$\gamma = \frac{R_N}{R_{\max}} = \frac{\ln 2}{2\alpha(\ln S_0)^{0.5}}$$

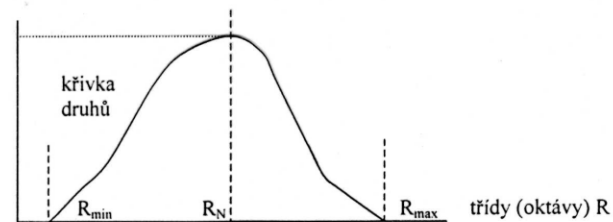
R_N - nejpočetnější třída křivky jedinců

R_{\max} - třída křivky druhů obsahující nejpočetnější druhy



Tento typ rozložení má většina společenstev (Maguran, 1988).

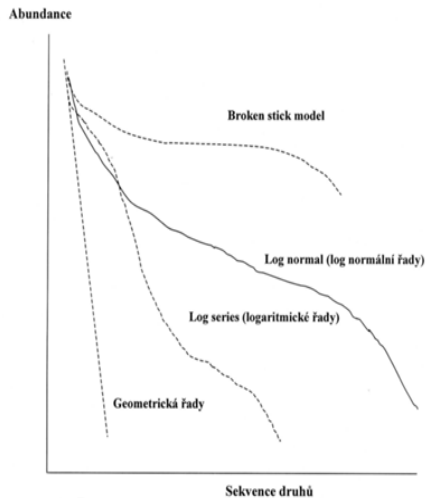
Počet druhů per třída



Hodnocení biodiverzity

Broken stick rozložení

Broken stick model odráží mnohem více vyrovnaný stav než ostatní typy rozložení. Je to vlastně vyjádření rovnoměrného rozložení druhů ve společenstvu. Není od něj odvozen žádný index diverzity a protože je charakterizován jediným parametrem, počtem druhů, je silně ovlivňován velikostí vzorku.



$$S(n) = \frac{S(S-1)}{N} (1 - n/N)^{S-2}$$

$S(n)$ - počet druhů v kategorii s a jedinci

S - celkový počet druhů

N - celkový počet jedinců

Tento model je vyjádřením rovnoměrné distribuce druhů. Tento trend je zde mnohem silnější než u předchozích modelů log normálního rozložení, logaritmických a geometrických řad.

Hodnocení biodiverzity

Q statistika

Q statistika je založena na měření mezikvartilového úseku křivky početnosti kumulativního počtu druhů, která poskytuje měření diverzity společenstva, při kterém nejsou uvažovány ani velmi četné ani velmi vzácné druhy. Může být ovlivněna malou velikostí vzorku, ale pokud je ve vzorku obsaženo více než 50% druhů, je toto ovlivnění jen malé.

$$Q = \frac{\frac{R2-I}{1/2n_{R1} + \sum n_r + 1/2n_{R2}}}{R1+I}}{\log (R2/R1)}$$

$\sum n_r$ – celkový počet druhů mezi kvartily

S – celkový počet druhů

R1 a R2 – 25% a 75% kvartil

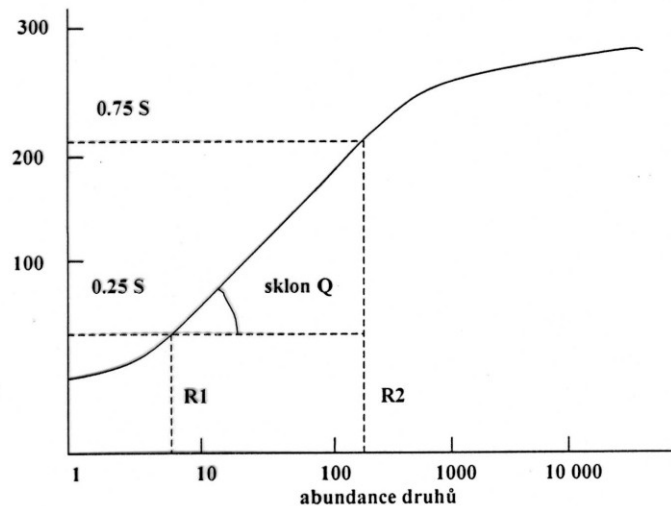
n_{R1} – počet druhů ve třídě, do níž spadá dolní kvartil

n_{R2} – počet druhů ve třídě, do níž spadá horní kvartil

R1 – počet jedinců ve třídě, do níž spadá dolní kvartil

R2 – počet jedinců ve třídě, do níž spadá horní kvartil

kumulativní
počet druhů



Hodnocení biodiverzity

Indexy založené na proporcionální abundanci jednotlivých druhů

- Indexy založené na poměru počtu druhů společenstva a jejich početnosti počítají jak s evenness, čili s rovnoměrností zastoupení druhů, tak s druhovou rozmanitostí (species richness). Patří sem dvě skupiny indexů:

První vycházejí z informační teorie, druhé jsou indexy dominance. Do první skupiny patří Shannonův index diverzity.

Indexy biodiverzity

Shannonův index:

$$H' = - \sum p_i \ln p_i$$

kde: p_i = proporce jedinců i-tého druhu.

Předpoklady jeho použití jsou náhodný výběr jedinců z velkého neurčitého množství a přítomnost všech druhů ve vzorku na daném místě.

Exponenciální hodnota tohoto indexu vyjadřuje kolik stejně početných druhů by bylo potřeba pro hodnotu H' daného vzorku.

Pro H' můžeme lze spočítat rozptyl a provést t test pro porovnání různými vzorky.

Rovněž je možné spočítat poměr naměřené diverzity ku maximální, což je měření evenness.

Indexy biodiverzity

Shannonův index lze rovněž počítat ze vztahu:

$$H' = - \sum p_i \ln p_i - S - 1/N + 1 - \sum p_i^{-1}/12N^2 + \sum(p_i^{-1} - p_i^{-2})/12N^3$$

kde S = celkový počet druhů

$$p_i = n_i/N$$

n_i – počet jedinců i -tého druhu

N – celkový počet jedinců

$$Var H' = \frac{\sum p_i (\ln p_i)^2 - (\sum p_i \ln p_i)^2}{N} + \frac{S - 1}{2N^2}$$

Shannon evenness

$$E = H'/H_{\max} = H'/\ln S$$

Rozlišovací schopnost Shannonova indexu diverzity je střední, stejně jako jeho citlivost vůči velikosti vzorků. Je ovlivněn species richness spíše, než stupněm dominance jednotlivých druhů.

Index biodiverzity

Indexy druhové rozmanitosti:

Species richness = velmi užitečný parametr diverzity

Pozor ! Nutno rozlišit mezi tzv. **numerical species richness** = počet druhů na určitý počet jedinců nebo biomasy
a tzv. **species density** = počet druhů na jednotku plochy, objemu.

- Indexy založené na hodnocení počtu druhů ve společenstvu (např. Margalefův index, Menhnickův index). Výhodou těchto indexů je snadný výpočet:

Margalefův index:

$$D_{Mg} = (S - 1)/\log N$$

kde: S = počet druhů ve společenstvu (species richness),
N = celkový počet jedinců všech druhů ve společenstvu

Tento index představuje jeden z nejjednodušších způsobů měření diverzity. Jeho rozlišovací schopnost je velmi dobrá, vysoká je však citlivost na velikost vzorků. Hodnota indexu může být ovlivňována velikostí species richness, jeho citlivost k dominanci druhů je menší.

Menhnickův index:

$$D_{Mn} = S/\sqrt{N}$$

kde: S = počet druhů ve společenstvu (species richness),
N = celkový počet jedinců všech druhů ve společenstvu

Indexy založené na proporcionální abundanci jednotlivých druhů

Brillouinův index

Pokud není možné garantovat náhodnost vzorkování nebo jsou-li do vzorku zahrnuti všichni jedinci daného společenstva, je doporučováno použití Brillouinova indexu, který popisuje na rozdíl od Shannona jen skutečně známou, tedy do vzorku zahrnutou část společenstva.

$$H_B = \frac{\ln N! - \sum \ln n_i!}{N}$$

N = celkový počet jedinců

n_i = počet jedinců i -tého druhu

Tento index se vyznačuje středním stupněm diskriminace, rovněž spíše střední je jeho citlivost vůči velikosti vzorků. Hodnota je ovlivněna především druhovou bohatostí. Doporučit jej však lze všude tam, kde není garantován zcela náhodný sběr vzorků.

Indexy biodiverzity

Indexy biodiverzity

Měření dominance

V tomto případě je důležitější početnost nejběžnějšího druhu, než druhová bohatost celého společenstva.

Nejznámějším z těchto indexů je Simpsonův index.

Simpsonův index:

$$D = \sum \left(\frac{n_i (n_i - 1)}{N (N - 1)} \right)$$

n_i = počet jedinců i-tého druhu

N = celkový počet jedinců

Hodnota tohoto indexu je silně závislá na nejpočetnějším druhu a proto je často používán jako jeho převrácená hodnota nebo se odečítá od 1. Jak jeho hodnota stoupá, klesá diverzita celého společenstva. Tento index je silně závislý na nejpočetnějším druhu a méně citlivý ke druhům vzácnějším.

Indexy biodiverzity

McIntoshův index:

Tento index vychází z koncepce, že společenstvo můžeme uvažovat jako bod umístěný v S hyperprostoru, a že euklidovská vzdálenost tohoto společenstva od počátku může být použita pro měření diverzity.

$$U = \sqrt{\sum n_i^2}$$

n_i = počet jedinců i -tého druhu

Tento index není sám o sobě indexem dominance, avšak může být mírou diverzity (D) nebo dominance, která je nezávislá na N . V tomto případě může být vypočten ze vztahu:

$$D = \frac{N - U}{N - \sqrt{N}}$$

Hodnota evenness pro tento index se vypočte jako:

$$E = \frac{N - U}{N - U/\sqrt{S}}$$

Berger-Parkerův index:

$$d = N_{\max} / N$$

Tento index vyjadřuje proporční význam nejpočetnějšího druhu. Hodnota indexu roste s růstem diverzity a poklesem dominance.

Porovnání indexů

	Diskriminační schopnost indexu	Citlivost na velikost vzorku	Bias: richness nebo evenness dominance	Stupeň obtížnosti výpočtu
α (log řady)	dobrá	nízká	richness	snadný
γ (log normal)	dobrá	střední	richness	složité
Q statistika	dobrá	nízká	richness	složité
S	dobrá	vysoká	richness	snadný
Margalef	dobrá	vysoká	richness	snadný
Shannon	střední	střední	richness	střední
Brillouin	střední	střední	richness	složité
McIntosh (U)	dobrá	střední	richness	střední
Simpson	střední	nízká	dominance	střední
Berger-Parker	slabá	nízká	dominance	snadný
Shannon evenness	slabá	střední	evenness	snadný
Brillouin evenness	slabá	střední	dominance	snadný
McIntosh (D)	slabá	střední	dominance	snadný

Společenstva parazitů

Úroveň distribuce	úroveň populace	úroveň společenstva
Zoogeografická	biologický druh	regionální parazitofauna
Hostitelská specificita	suprapopulace	supraspolečenstvo (lokální parazitofauna)
Frekvenční distribuce	metapopulace	metaspolečenstvo (parazitofauna druhu)
Lokalizace (mikrobahitat)	infrapopulace	infraspolečenstvo (parazitofauna individua)