

Náhodný genetický posun

- četnost alely v populaci = pravděpodobnost jejího objevení se v další generaci
- pravděpodobnost, že v populaci zůstane i-alel A s četností p se vypočítá jako:

$$\frac{2N!}{i! (2N - i)!} \quad p^i q^{2N-i}$$

- v přirozených populacích se fixuje alela s vyšší alelovou četností

- působení náhodného genetického posunu lze měřit poklesem četnosti heterozygotů

H_I – heterozygotnost individua, jedince v populaci či pravděpodobnost heterozygotnosti jakéhokoliv genu v populaci

H_S - očekávaná heterozygotnost v subpopulaci s náhodným oplozením při vlivu driftu

H_T - očekávaná heterozygotnost v populaci po sloučení všech subpopulací

úbytek heterozygotů vyjadřujeme koeficienty inbridingu F

F_{IS} – KI individua v jednotlivých subpopulacích (podmíněno inbrídingem)

F_{ST} – úbytek heterozygotů v subpopulacích vzhledem k celkové populaci (podmíněno driftem)

F_{IT} – celkový (podmíněno kombinací obou vlivů)

$$\boxed{F_{IS} = (H_S - H_I) / H_S}$$
$$F_{ST} = (H_T - H_S) / H_T$$
$$F_{IT} = (H_T - H_I) / H_T$$



$$H_I = \sum H_{\text{subpopulací}} / \text{celkem subpopulací}$$

$$H_S = \sum 2pq / \text{celkem subpopulací}$$

$$H_T = 2\bar{p}q = 2\bar{p} (1 - \bar{p})$$

$$\bar{p} = \sum p / \text{celkem}$$

Pozn.: V malé populaci, kde jsou sice jedinci jakoby příbuzní, ale oplození mezi nimi je chaotické, náhodné → $F_{IS} = 0$
ale je to malá populace, takže zde působí drift, který eliminuje jednu z alel → $F_{ST} \neq 0$

Fixační koeficient

$$F_t = 1 - (1 - 1/2N)^t$$

Slouží k vyjádření počtu generací t.

Efektivní velikost populace

1) Při nestejném poměru pohlaví

N_m – počet samců

N_f – počet samic

$$N_e = 4N_m N_f / N_m + N_f$$

2) U živočichů s určitým areálem výskytu – s disperzivním rozložením

$$N_e = 4 \pi \delta \sigma^2$$

δ – počet pářících se jedinců na jednotku plochy

σ^2 – jednosměrná variance mezi místem páření a narození

Viz. přednáška

PŘÍKLAD 38

Jedné studentce se velmi líbily rostliny *Phlox cuspidata*. Ve svém pokoji vždy pěstovala dvě rostliny ze dvou semen náhodně vzatých z rostlin v předchozím roce. Poněvadž zabezpečila náhodné oplození těchto rostlin spočívající ve stejné pravděpodobnosti samosprášení a cizosprášení rostlin, je její metoda pěstování ekvivalentní náhodnému výběru čtyř gamet a jejich spojení pro vytvoření dvou rostlin následující generace. Předpokládejme, že v jednom roce obsahovaly její rostliny dvě alely Adh^a a dvě alely Adh^b (Adh je gen pro tvorbu alkoholdehydrogenázy). Použijte rovnice 2.1 k výpočtu různých pravděpodobností, že populace v příštím roce bude obsahovat 0, 1, 2, 3 nebo 4 alely Adh^a .

Každý rok je v 2 rostlinách náhodně 2 alely, když bude
více než 2 alely.

$$p = Adh^a = 0,5 \quad (\text{vše zároveň stejná možnost})$$

$$q = Adh^b = 0,5 \quad N=2 \quad 2N=4$$

Náhodný genetický posun

1) 1. GENERACE

Yak je množství Adh^a, že v 1. generaci bude Adh^a

GENOTYPOVÁ

$$\boxed{i=0}$$

$$P = \frac{2N!}{i!(2N-i)!} p^i q^{2N-i} = \frac{4!}{0!4!} (0,5)^0 (0,5)^4 = \\ = 1/16 = \underline{\underline{0,0625}}$$

2) $\boxed{i=1}$

homo b, hetero a

$$P = \frac{4!}{1!3!} \cdot (0,5)^1 (0,5)^3 = 1/4 = \underline{\underline{0,25}}$$

3) $\boxed{i=2}$ Yako výsledný genotyp 2a:2b

$$P = 2/8 = \underline{\underline{0,25}}$$

Když rok je 2x 2 počtu může násobit 2 mena, když má
vek 2 počtu m.

$$p = Adh^a = 0,5 \quad (\text{na základě střední aleloidní frekvence})$$

$$q = Adh^b = 0,5 \quad N=2 \quad 2N=4$$

4) $\boxed{i=3}$

$$P = \underline{\underline{0,25}}$$

$\boxed{i=4}$

$$P = \underline{\underline{0,0625}}$$

Náhodný genetický posun

1) 1. GENERACE

Yak je pravděpodobnost, že v 1. generaci bude Adh^a

GENOTOVÁ

$$\boxed{i=0}$$

$$P = \frac{2N!}{\lambda!(2N-\lambda)!} p^\lambda q^{2N-\lambda} = \frac{\lambda!}{0!(\lambda!)} (0,5)^0 (0,5)^\lambda = \\ = 1/16 = \underline{\underline{0,0625}}$$

Když rok je 2x 2 počtu máry náhodné 2 mena, když má
výskyt 2 počtu m.

$$p = Adh^a = 0,5 \quad (\text{když základní sítkařské hodnoty})$$

$$q = Adh^b = 0,5 \quad N=2 \quad 2N=4$$

2) $\boxed{i=1}$
h ALEO

Po 1. generaci náhodného posunu nastane s pravděpodobností 6,25 % fixace alely Adh^a.

Stejná bude také pravděpodobnost, že tato alela bude po jedné generaci eliminována.

Celkem je však 87,5% pravděpodobnost, že populace zůstane segregující ($i = 1, 2, 3$).

$$P = \frac{\lambda!}{1!(3!)} \cdot (0,5)^1 (0,5)^3 = 1/8 = \underline{\underline{0,125}}$$

3) $\boxed{N=2}$ Yako v rámci genot. 2a: 2b

$$P = 9/8 = \underline{\underline{0,1125}}$$

4) $\boxed{i=3}$

$$P = \underline{\underline{0,25}}$$

$\boxed{\lambda=5}$

$$P = \underline{\underline{0,0625}}$$

PŘÍKLAD 39

Vypočtěte u populace v příkladu 38 pravděpodobnost, že populace zůstane segregující po dvou generacích náhodného genetického posunu.

2. říkáno 38/107 (vn. mítosy) vlna, tedy do 1. generace
Mítosy běžn. rozvoje mít. je frekvence allele A

$$\frac{i=0}{R=0} \quad (\text{allele } A \text{ je dominantní})$$

$$\frac{2N!}{1!(2N-i)!} p^i q^{2N-i}$$

hodnota 2
✓ říkáno 38/106

$$P = 0,0625 \quad - \text{mimoř. } \cancel{\text{segregace}}$$

$$\frac{i=1}{R=1/4} \quad \begin{pmatrix} 100 & 1 & 2 & 4 \\ A, a, a, a \end{pmatrix}$$

$$P = 0,25$$

$$\frac{i=2}{R=1/2} \quad P = 0,375$$

$$\frac{i=3}{R=3/4} \quad P = 0,25$$

$$\frac{i=4}{R=1} \quad P = 0,0625$$

Pravd. po 1. generaci, tedy
zůstane segregující
navíc $\frac{875\%}{1-(0,0625+0,0625)}$

Intronovos. genetický posun v 2. generaci $1/4, 1/2, 2/4$

$$\begin{cases} \lambda = 1/4 \\ i=0 \end{cases}$$

$$P = \frac{4!}{0!(4-0)!} \cdot (1/4)^0 (3/4)^4 = \underline{\underline{0,37657}}$$

$$\begin{cases} \lambda = 1/2 \\ i=0 \end{cases}$$

$$P = \underline{\underline{0,0625}}$$

$$\begin{aligned} N &= 2 \\ (2N &= 100\text{cm}) \\ 2N &= 4 \end{aligned}$$

$$\begin{cases} \lambda = 3/4 \\ i=0 \end{cases}$$

$$P = \underline{\underline{0,00391}}$$

$$\begin{aligned} \lambda &= 1 \\ 2N &\text{staví v 2. generaci} \\ P &= \underline{\underline{0,0625}} \quad P = 0 \end{aligned}$$

$$\cancel{\lambda = 0} \rightarrow \text{dostavíme } \underline{\underline{P = 0,0625}} | P = 1$$

Celkový pravděpodobnostní stav: $\sum P_{i,6} \cdot P_{j,6}$

$$\begin{aligned} P &= (1)(0,0625) + (0,25)(0,37657) + (0,375)(0,0625) \\ &\quad + (0,25)(0,00391) + (0)(0,0625) = \end{aligned}$$

AKTOVNÍ ELIMINACE VYDÁVÁME λ

\downarrow
FIXACE, ME
LZINÍKOVÉ

$$= \underline{\underline{0,16602}}$$

Mužské kohorty mimošp. faktor. Rovnec = 0,16602

=> Střední výsledek

$$1 - (0,16602 + 0,16602) = 0,668 =$$

$$\underline{\underline{66,8\%}}$$

↳ po 2 generacích

(po 1 generaci je to 88,5%)

$$1 - (0,0121 + 0,0625) \Rightarrow$$

PŘÍKLAD 41

U 43 subpopulací *Phlox cuspidata* uváděných v předcházejících příkladech byl také studován gen pro glutamátoxalát transaminázu-2 (*Got-2*). Byly nalezeny tři alely tohoto genu: *Got-2^a*, *Got-2^b* a *Got-2^c*. 39 ze studovaných subpopulací bylo monomorfních pro *Got-2^b*. Jedna populace obsahovala *Got-2^a* a *Got-2^b* s alelovými četnostmi 0,37 a 0,63, pozorovaná četnost heterozygotů byla 0,17. Tři subpopulace obsahovaly pouze *Got-2^b* a *Got-2^c*; alelové četnosti *Got-2^b* byly v těchto populacích 0,87, 0,91 a 0,82 a pozorované četnosti heterozygotů v těchto populacích byly 0,09, 0,06 a 0,09. Odhadněte hodnoty heterozygotnosti a F statistik pro tento gen.

43 subpopulace

39 subpopulací YEN $Got-2^b \Rightarrow H=0$

1 - II - $Got^{2b} = 0,63 \quad Got^{2c} = 0,34$
 $H = 0,12$

3 - II - $2b = 0,84 \quad 2c = 1-2b = 0,13$
 $0,91 \quad 0,09$
 $0,82 \quad 0,18$
 $H = 0,09$
 $H = 0,06$
 $H = 0,09$

?H, F?

Náhodný genetický posun

$$\underline{H_I} = 39(0) + 0,14 + 0,09 + 0,06 + 0,09 / 53 = \\ \underline{\underline{= 0,0095}} \quad \left[\frac{\sum H_{\text{subpop}}}{\sum \text{subpopulated}} \right]$$

$$\underline{H_J} = 2(0,1)(0,1) + 2(0,63)(0,37) + 2(0,87)(0,13) + \\ + 2(0,91)(0,09) + 2(0,82)(0,18) / 53 \\ \underline{\underline{= 0,02648}} \quad \left[\frac{\sum H_{\text{subpop}}}{\sum \text{subpopulated}} \right]$$

current denotes $\varphi(Got^{2a}) \rightarrow \Sigma f_i / \text{count} = 1$

$$Got^{2a} = 0,34 + 39(0) + 3(0) / 53 = \underline{\underline{0,0086}}$$

$$Got^{2b} = (39)(1) + 0,63 + 0,87 + 0,91 + 0,82 / 53 \\ = \underline{\underline{0,9821}}$$

$$Got^{2c} = 1 - (2a + 2b) = \underline{\underline{0,0093}} \quad \begin{array}{l} \text{no recombination} \\ \text{subpopulated} \\ a+b+c=1 \end{array}$$

$$\underline{H_I} = 2(0,0086)(0,9821) + 2(0,0086)(0,0093) \\ + 2(0,9821)(0,0093) = \underline{\underline{0,03532}}$$

140 násobok odhad
ALGOV

$$\boxed{= 0,03532} \quad 20E \quad \underline{\underline{\Sigma 2f_i}}$$

$\Sigma f_i / \text{subpopulated}$		
39	subpopulated	$H=0$
1	-II-	$Got^{2b} = 0,63 \quad Got^{2a} = 0,34$
		$H=0,14$
3	-II-	$2b = 0,84 \quad 2c = 1-2b = 0,13$
		$0,91 \quad 0,09$
		$0,82 \quad 0,18$
		$H=0,09$
		$H=0,06$
		$H=0,09$
		?H, F?

$$\frac{F_{IS}}{\text{BÝVAL HODNOMÍR}} = \frac{(\mu_I - \mu_S)}{\mu_S} = \frac{(0,02648 - 0,0095)}{0,02648} = \underline{\underline{0,65}}$$

koeff. korelace
* Vliv kohabitace

$$\frac{F_{IT}}{\text{BÝVAL HODNOMÍR}} = \frac{(\mu_I - \mu_T)}{\mu_T} = \underline{\underline{0,25}}$$

koeff. korelace
Vliv vzdálenosti

$$\frac{F_{IS}}{\text{kombinaci očí}} = \frac{(\mu_I - \mu_S)}{\mu_S} = \underline{\underline{0,73}}$$

kombinaci očí

$$\begin{aligned} H_I &= 0,0095 \\ H_S &= 0,02678 \\ H_T &= 0,03532 \end{aligned}$$

PŘÍKLAD 42

V jedné velké stodole byly odchyceny myši (*Mus musculus*) a pomocí elektroforetických metod byl u nich studován velký počet genů včetně genu pro hexoso-6-fosfát dehydrogenázu, NADP-izocitrát dehydrogenázu a hemoglobin. Odhad F_{ST} pro tyto geny byly 0,10, 0,16 a 0,11 s průměrem F_{ST} = 0,12. Předpokládáme, že tato populace myší má zhruba konstantní početnost (N). Jak dlouhé působení náhodného genetického posunu by vedlo k hodnotě F_{ST} = 0,12 v ideálním případě, kdy nedochází k migraci a N = 20 a při N = 100?

$$\begin{aligned}F_{ST} &= 0,10 \\&0,16 \\&0,11\end{aligned}$$

$$\bar{F}_{ST} = 0,12$$

$$\text{if } N = 20$$

$$\text{if } N = 100$$

? t

$$q) F_t = 0,12 \quad \underline{t} = 1 - (1 - \eta_{2N})^t$$

$$1 - F_t = 1 - \eta_{2N} = (1 - \eta_{50})^t \Rightarrow$$

$$\frac{0,88}{(1-0,12)} \Rightarrow t = \ln(0,88) / \ln(0,981) = \underline{5}$$

$$b) t = 26$$

$$\begin{array}{l} F_{st} = 0,10 \\ \quad \quad \quad 0,16 \\ \quad \quad \quad 0,11 \\ \overline{F}_{st} = 0,12 \\ q) N = 10 \\ q) N = 100 \\ ? t \end{array}$$

PŘÍKLAD 45

Stádo dobytka má 200 krav a 2 býky. Jaká je efektivní velikost této populace?

200 KRAV

2 BYKY

N_e

$$N_e = \frac{N_m \cdot N_f}{N_m + N_f}$$

$$N_e = \frac{(2)(200)}{(2+200)} = \underline{\underline{8}}$$

EFEKTIVNÍ POČET ZOŠT/WIL 8 ⇒ MÍST POPULACE
KOLI BUDÉ MÍT VĚTŠÍ MÁHO. COŽ VON POUŽÍVAT

PŘÍKLAD 46

Phlox pilosa a *Liatris cylindracea* jsou vytrvalé entomofilní rostliny. V určité populaci se tyto rostliny vyskytovaly v hustotě 9 rostlin / m² (*P. pilosa*) a 5 rostlin / m² (*L. cylindracea*). Variance disperze obou typů gamet (zde pyl a semena) byla odhadnuta na 3,9 m² a 2,6 m². V jiné populaci, *Lupinus texensis*, byly odhadovány parametry δ a σ^2 : $\langle \delta \rangle = 15/m^2$, $\langle \sigma^2 \rangle = 0,5m^2$. Použijte rovnici 2.11 k odhadu efektivní velikosti populace pro uvedené druhy rostlinných populací.

$$\begin{aligned} \text{rostliny/m}^2 &= \sigma \\ \text{VARIANCE DISPERZE } \text{y} \text{ } 3,9 \text{ m}^2 &= \sigma^2 \\ N_e = ? & \end{aligned}$$

$$N_e = \frac{4 \cdot \pi \cdot 6^2 \sigma^2}{(3,14)(3,9)(9)} = \underline{\underline{441}}$$