Zobrazení antropologických dat ve 3D

- 1) Co chceme znázornit?
 - Příklad
 - pozici landmarku <u>glabella</u> u vzorku 60 jedinců (data: data3d.opr.txt, v ISu)
 - <u>průměr</u> tohoto vzorku (mračna bodů) a zobrazit elipsoid pro 95% interval spolehlivosti
- 2) Jaký bude nejvhodnější typ grafu na zobrazení?
 - 3D plot bodů
 - *Note*: máme antropologická data!
 - Muži vs. Ženy
- 3) Příprava dat pro zobrazení.
- 4) Samotné zobrazení dat.

- Načteme data:
 - DATA3D <- read.delim("data3d.opr.txt", header = TRUE)
 - attach(DATA3D)
 - str(DATA3D)
 - dim(DATA3D)
- Příprava dat pro zobrazení (muži, ženy):
 - DATA3D_f <- DATA3D[sex == "f",]</pre>
 - DATA3D_m <- DATA3D[sex == "m",]



 V případě, že chceme zobrazit všechny dostupné body ze souboru data3d.opr.txt doporučuji si do pomocných objektů uložit x, y a z souřadnice.

• Pozn.: funkce melt z balíčku reshape.



 Elipsoid – funkce ellipse3d, oblast, do které spadá 95% výskytu dat.



- Odlehlá hodnota jedinec/měření č. 24, vysvětlení:
 - A. Chyba měření
 - B. Chyba při generování dat
 - C. Jedinec z jiné populace
 - D. Patologický jedinec

DOMÁCÍ ÚKOL 9

- A) Zobrazte bod bregma (B) pro jedince ze souboru data3d.opr.txt:
 - obdobným způsobem jako bod *glabella* (G), tzn. muže a ženy zvlášť (odlište barvou).
 - Změňte typ bodů (pomocí funkce: shapelist3d)
 - Vypočítejte průměry a zobrazte je poloprůhledné
 - Zobrazte elipsoidy pro 50% výskytu dat
 - Uložte náhled okna jako .png soubor (zvolte vhodně úhel pohledu a velikost pole)
- Do ISu vložte .R script a obrázek .png ve tvaru: DU_09_UCO_Jmeno.R/png.



Výsledek může vypadat např. takto:

OBRÁZKY v R (graf)

- Balíčky: imager, jpeg, png
 - install.packages("imager")
 - install.packages("png")
 - install.packages("jpeg")
- Načtení obrázku () ze zdrojového adresáře
 - Imager: large cimg
 - PNG: large array
- Zobrazíme pomocí plot ()

Plotting Over an Image



Х