

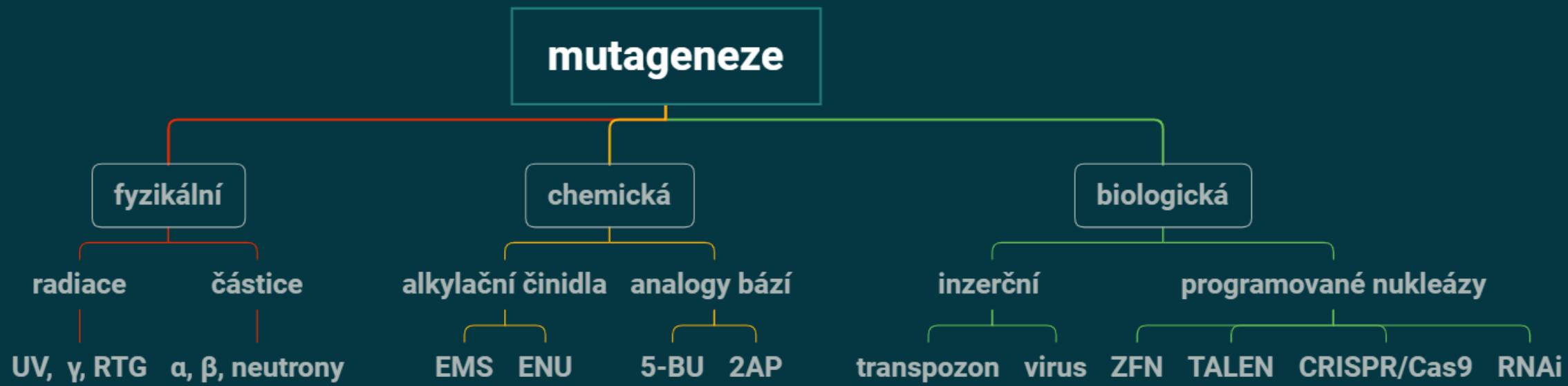
# Gene silencing

Umlčení genové exprese

Novák, Ondris, Pavlicová, Šabacký, Trávníčková,  
Vavrušáková

# Motivace: K čemu je to vlastně dobrý?

- ❖ Přístupy reverzní genetiky (funkční genomika)
  - ❖ Identifikace funkce genu
  - ❖ Studium signálních drah, vývojových procesů
- ❖ (Potenciální) terapie



# Fyzikální a chemická mutagenze

## Chemická

- ◆ Náhodné bodové mutace
- ◆ Nutná vysoká dávka mutagenu
- ◆ Nežádoucí mutace nutno zpět eliminovat (např. křížením)
- ◆ Etylenmetansulfonát,  
etylNitrosomočovina,  
5-bromuracil, 2-aminopurin

## Fyzikální

- ◆ Pro naše účely naprosto nevhodné

# Biologická mutageneze

## Inzerční

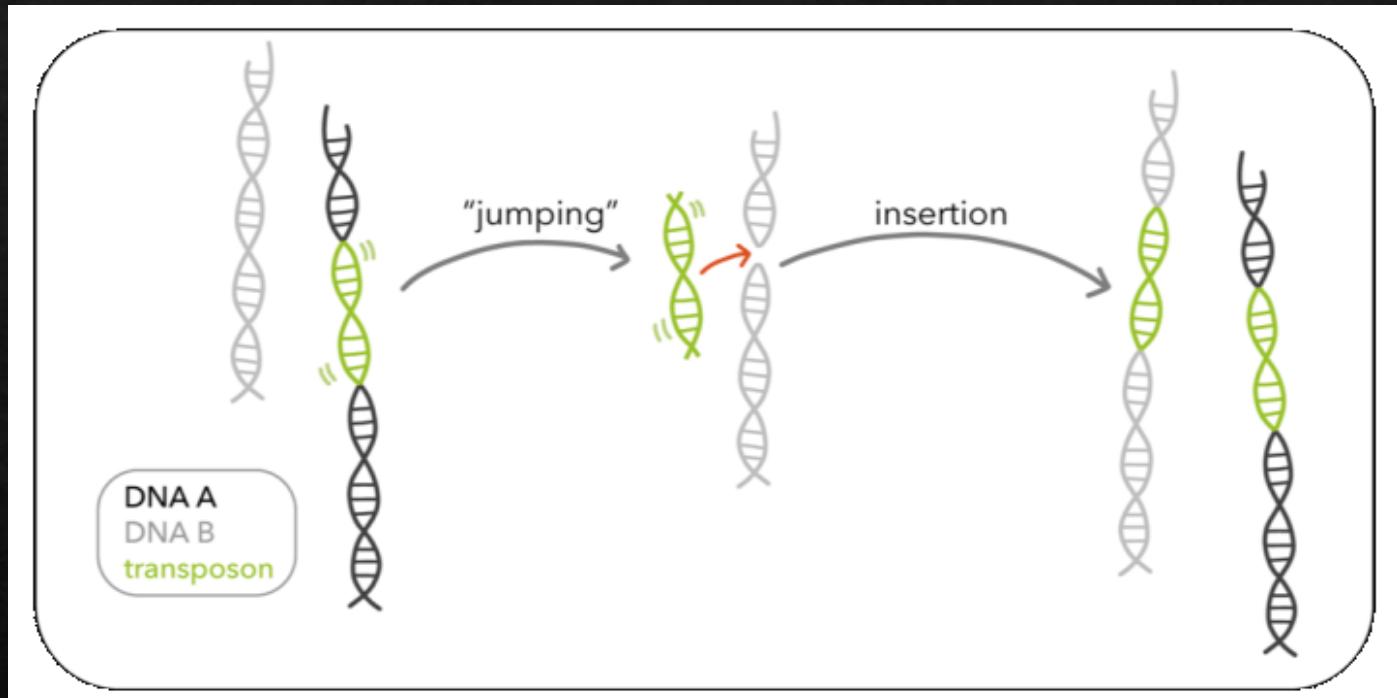
- ◆ Transpozon
- ◆ Virus

## Programované nukleázy

- ◆ ZFN
- ◆ TALEN
- ◆ CRISPR/Cas 9
- ◆ RNAi

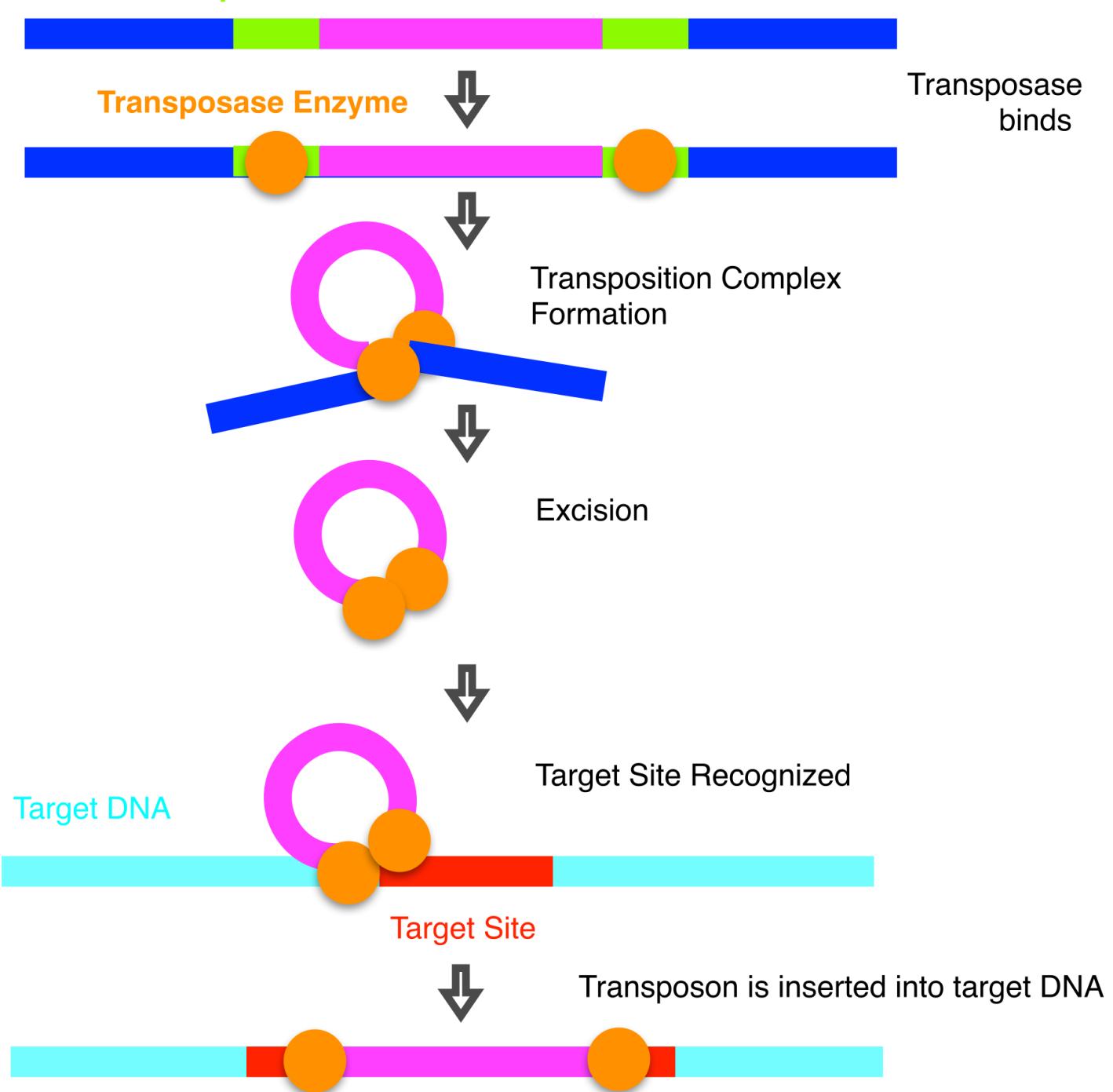
# Transpozon

- ❖ Mobilní elementy, které se mohou pohybovat a množit v rámci genomu („jumping genes“)
- ❖ Navozují mutace genů (inzerční inaktivace, změny exprese)
- ❖ DNA transpozony a retrotranspozony
- ❖ Využití jako nevirové vektory a pro genovou terapii



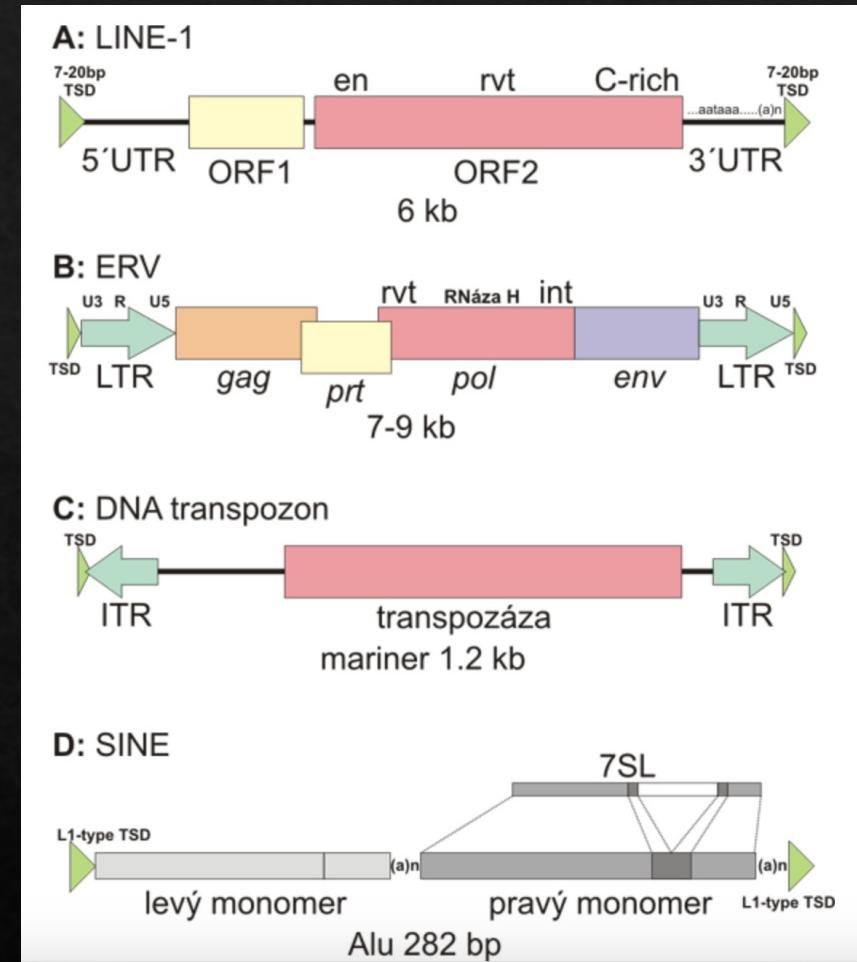
# DNA Transpozony

- ❖ V lidském genomu inaktivní
- ❖ Sekvence kódující transposázu
- ❖ Enzym se váže na oba konce repetitivního elementu tvořené IR
- ❖ Transposáza vyštěpí trnaspozon a liguje volné konce DNA
- ❖ Komplex transpozon-transposáza se pak váže na motiv jinde v genomu
- ❖ Transposáza štěpí DNA a liguje transpozon na nové místo
- ❖ „cut and paste“
- ❖ „Sleeping Beauty“



# Retrotranspozony

- ❖ Mnohem důležitější v lidském genomu
- ❖ Tvoří nejméně 45 % lidského genomu
- ❖ Vyžadují RNA polymerázu II/III pro přepis do RNA (původní kopie zůstává na místě)
- ❖ Posléze je RNA kopie přeměněna na DNA reverzní transkriptázou a vložena na nové místo v genomu
- ❖ LTR, (long terminal repeats, dlouhé terminální repetice), LINE (long interspersed nuclear elements = dlouhé rozptýlené jaderné elementy), SINE ((short interspersed nuclear elements = krátké rozptýlené jaderné elementy)



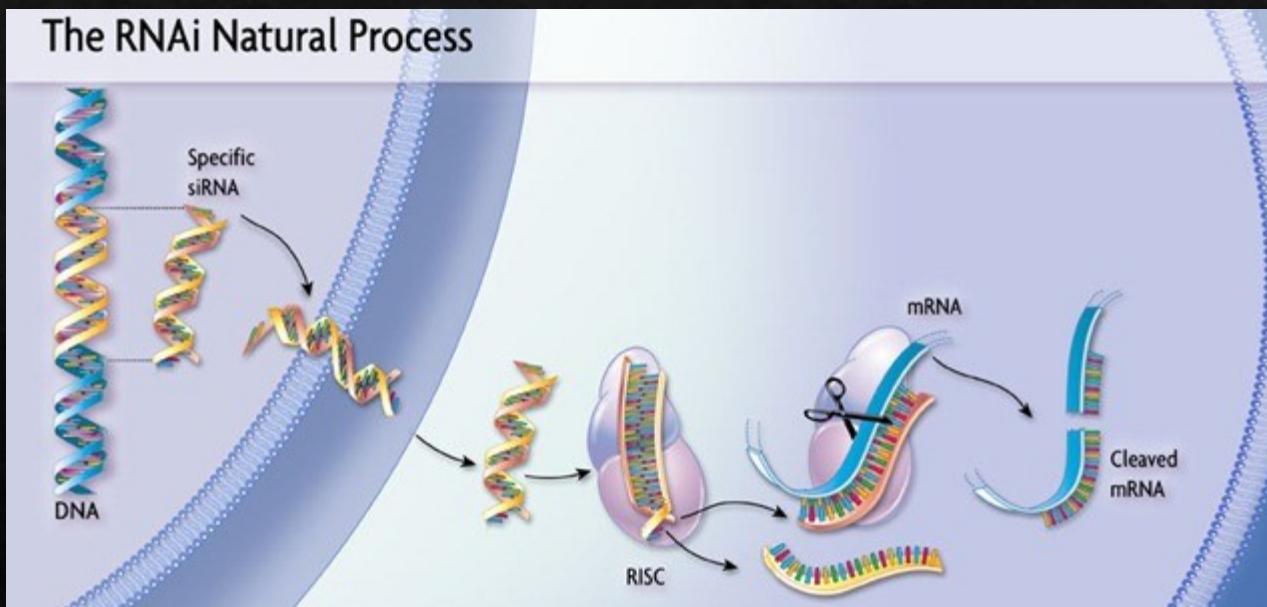
# Virus

- ❖ Virus-induced gene silencing (VIGS)
- ❖ Technológia využívaná zatiaľ len u rastlín
- ❖ Klúčová úloha *Nicotiana benthamiana*, používajú sa aj iné druhy (*Arabidopsis*)
- ❖ Teoretická možnosť použitia aj u živočíchov, zatiaľ nedokázaná



# Virus

- ❖ VIGS je technológia zahŕňajúca antivirálne obranné mechanizmy sprostredkované RNA (RNAi)
- ❖ Produkcia supresorov

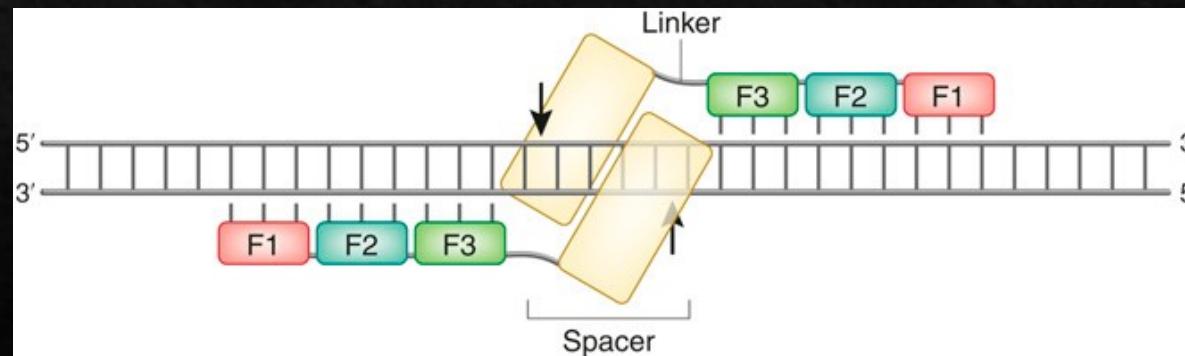


# Virus

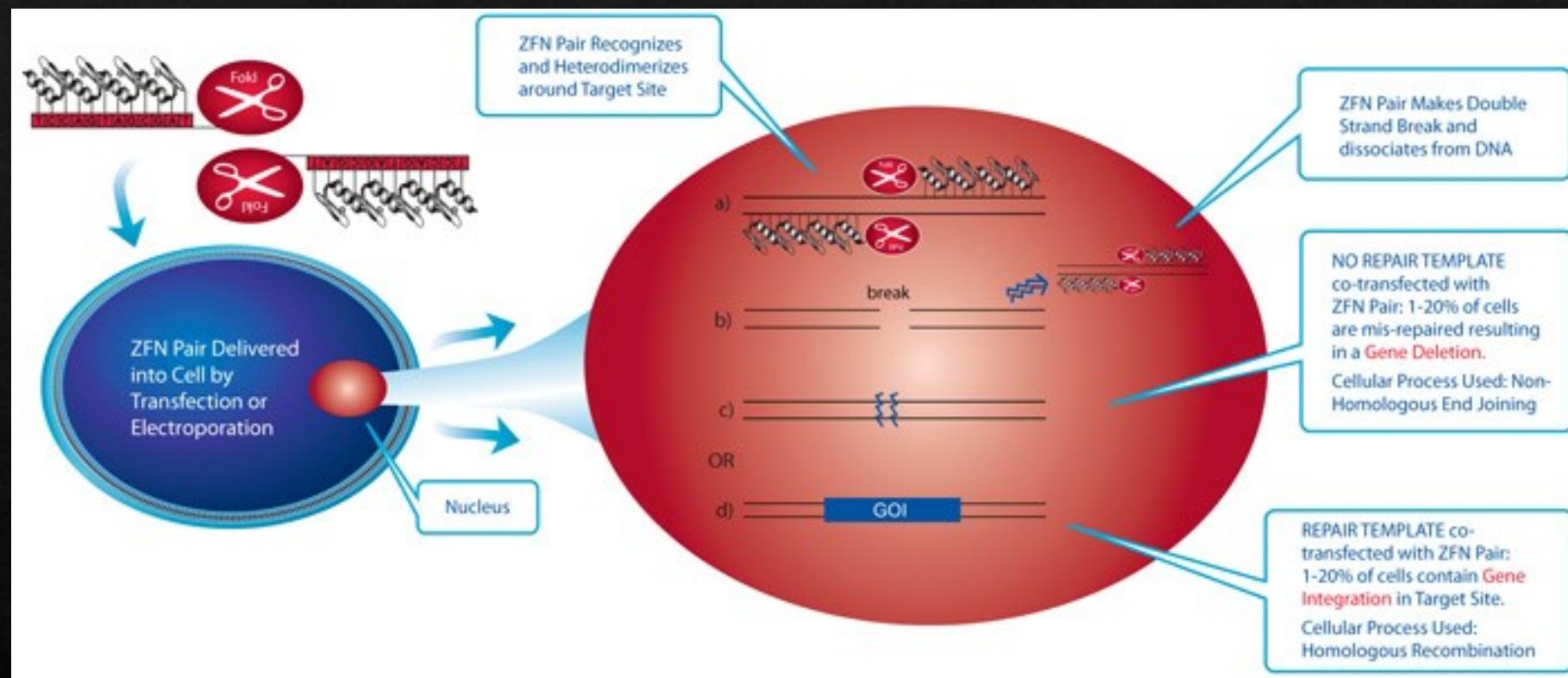
- ❖ Použitie vírusov ako vektorov na prenos inzertov odvodených od hostiteľa
- ❖ Vírus tabakovej mozaiky s inzertom enzymu syntetizujúcim chlorofyl chlorotické symptómy
- ❖ Možnosť prenosu aj génov zodpovedných za rezistenciu k ochoreniám vyššia citlivosť k patogénom

# ZFN

- ❖ Zinc Finger Nucleázy
- ❖ 1<sup>st</sup> generace syntetických nukleáz
- ❖ DNA vazebný modul: Zinkové prsty – 30 AA držených zinkovým iontem, rozpoznává 3 bp cílové sekvence
- ❖ Doména štěpící DNA: restrikční endonukleáza Fok1



# ZFN



# ZFN

- ❖ + Ověřeně funguje v mnoha buňkách a organismech
- ❖ - Relativně nízké rozlišení cílové sekvence
- ❖ - Relativně nízká specificita

# TALEN

- ❖ Transcription Activator-Like Effector Nucleases
- ❖ Metoda přesné úpravy genomu (Nature methods 2011)
- ❖ Historie vývoje tohoto systému je spojena se studiem bakterie *Xanthomonas*

# Xanthomonas

Gram – negativní bakterie tyčinkovitého tvaru

Patogeny plodin – rýže, rajče, pepř

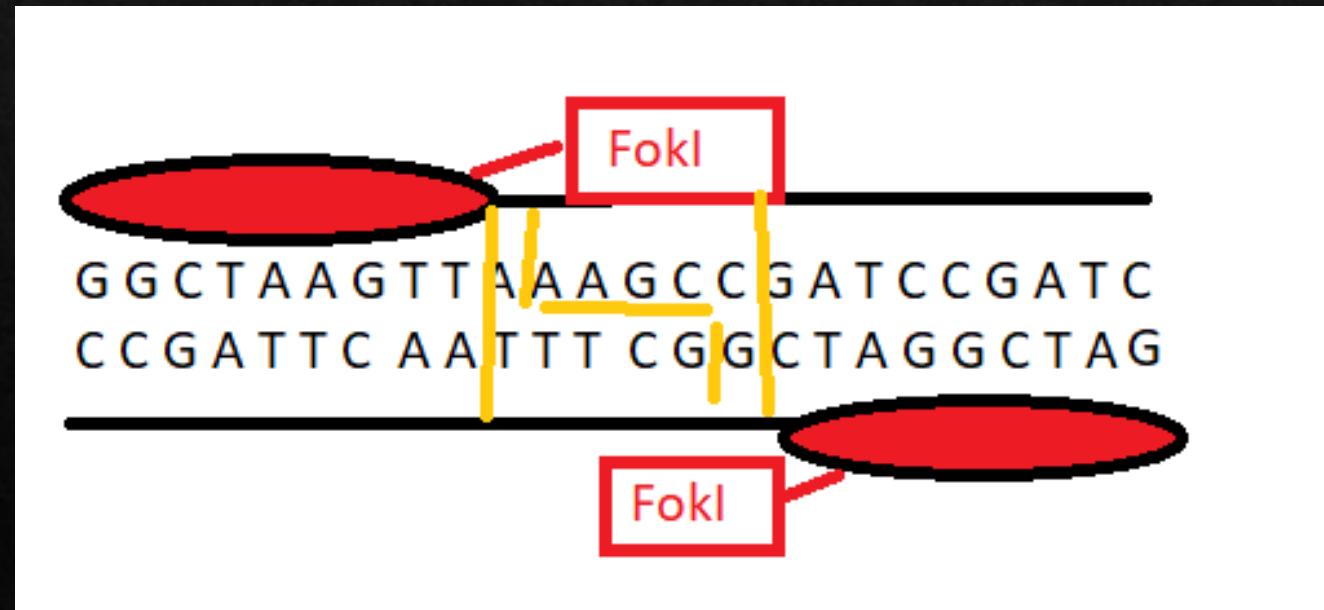
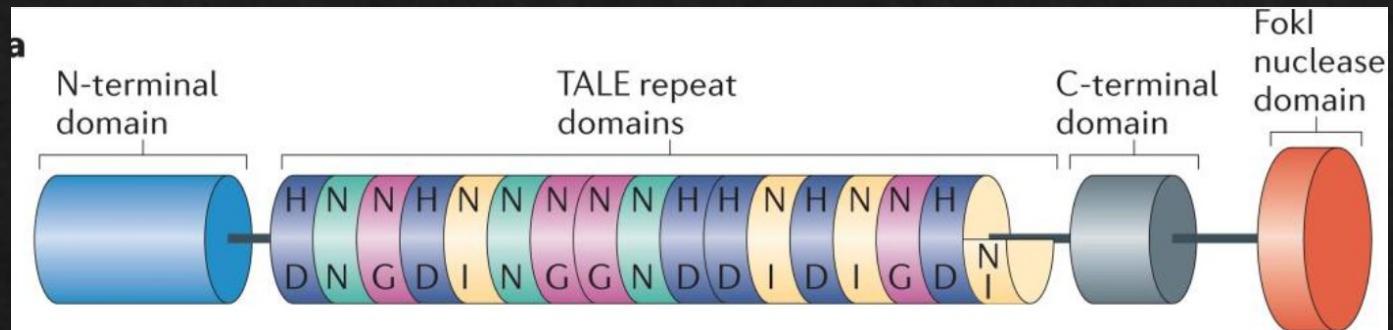
Sekrece efektorových proteinů – TALE do cytoplasmy rostlinné buňky → ovlivnění procesů v rostlině a zvyšují její citlivost na patogen

TALE jsou schopny se vázat na DNA a aktivovat expresi svých cílových genů napodobováním eukaryotních transkripčních faktorů



# TALEN

- ❖ Složeny z
  - ❖ Hlavní domény → vazba a rozpoznání cílové sekvence DNA
  - ❖ Štěpící doména – Fokl
  - ❖ Jaderná signalizační sekvence → přenos TALE do jádra buňky (C-konec)



# Výhody vs. nevýhody

+

- ◆ Schopnost změřit téměř jakoukoliv cílenou sekvenci včetně krátkých úseků
  - ◆ miRNA, zesilovače transkripce

-

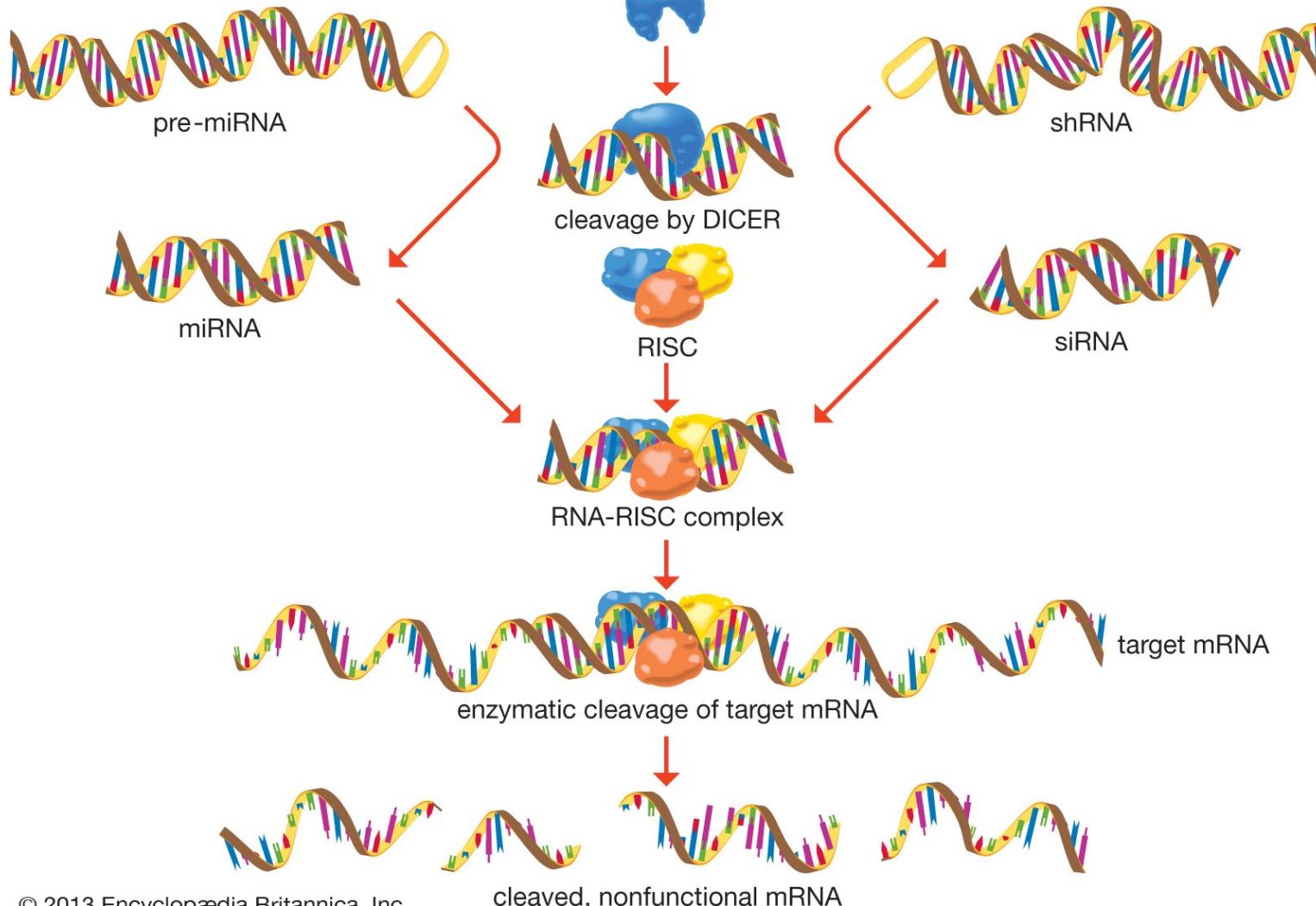
- ◆ Potřeba thyminu na 5'- konci
- ◆ Neschopnost štěpení DNA s vysokým obsahem methylovaného cytosinu
- ◆ Složitost a časová náročnost přípravy sekvence DNA
- ◆ Může docházet při přenosu k vzájemným rekombinacím díky obsahu homologických sekvencí

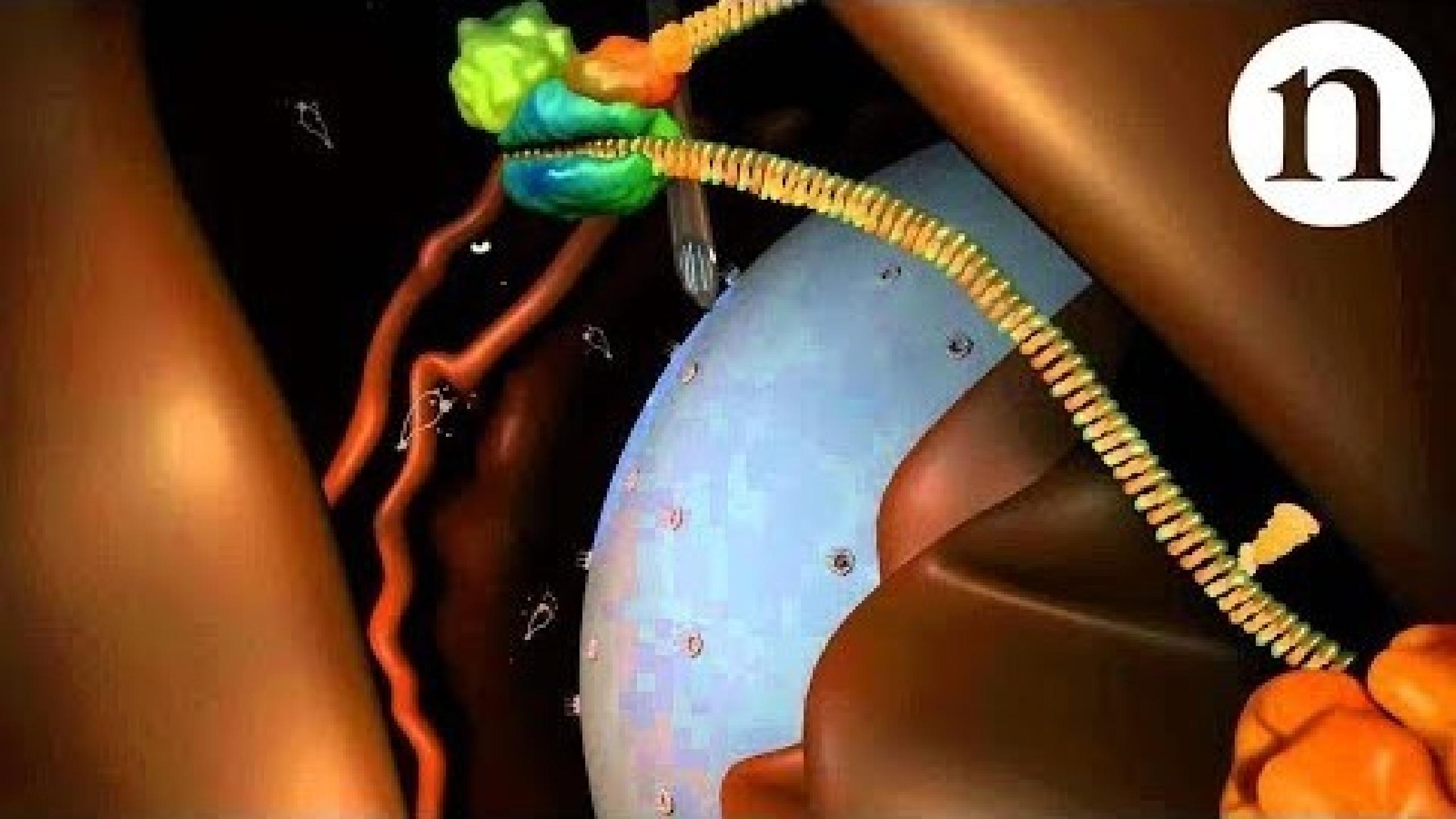
# RNAi

- ❖ RNA interference
- ❖ Sekvenčně specifické umlčování genové exprese indukované přítomností dsRNA
- ❖ dsRNA rozpoznána specifickými proteiny – **Dicer** rozštěpí dsRNA na siRNA (21-28bp)
- ❖ **RISC** = RNA induced silencing komplex, váže se na siRNA, separuje řetězce
- ❖ Následně se páruje s cílovou ssRNA (mRNA) – **Slicer** degraduje

## RNA interference

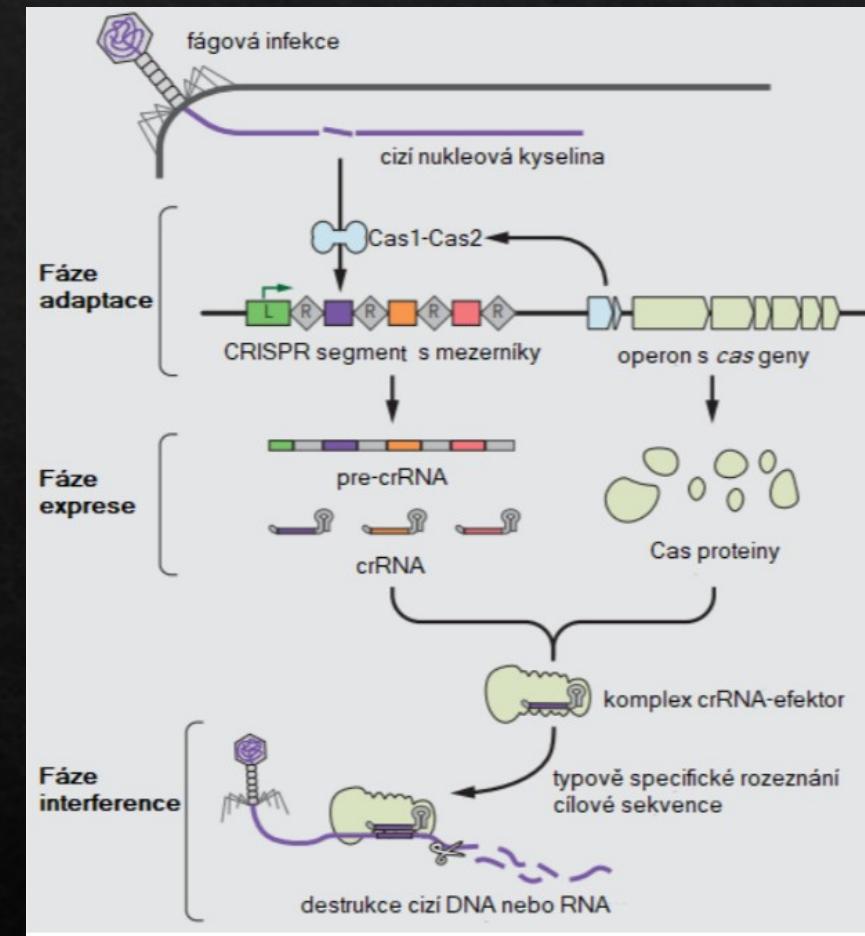
Gene silencing by nuclear-encoded miRNA





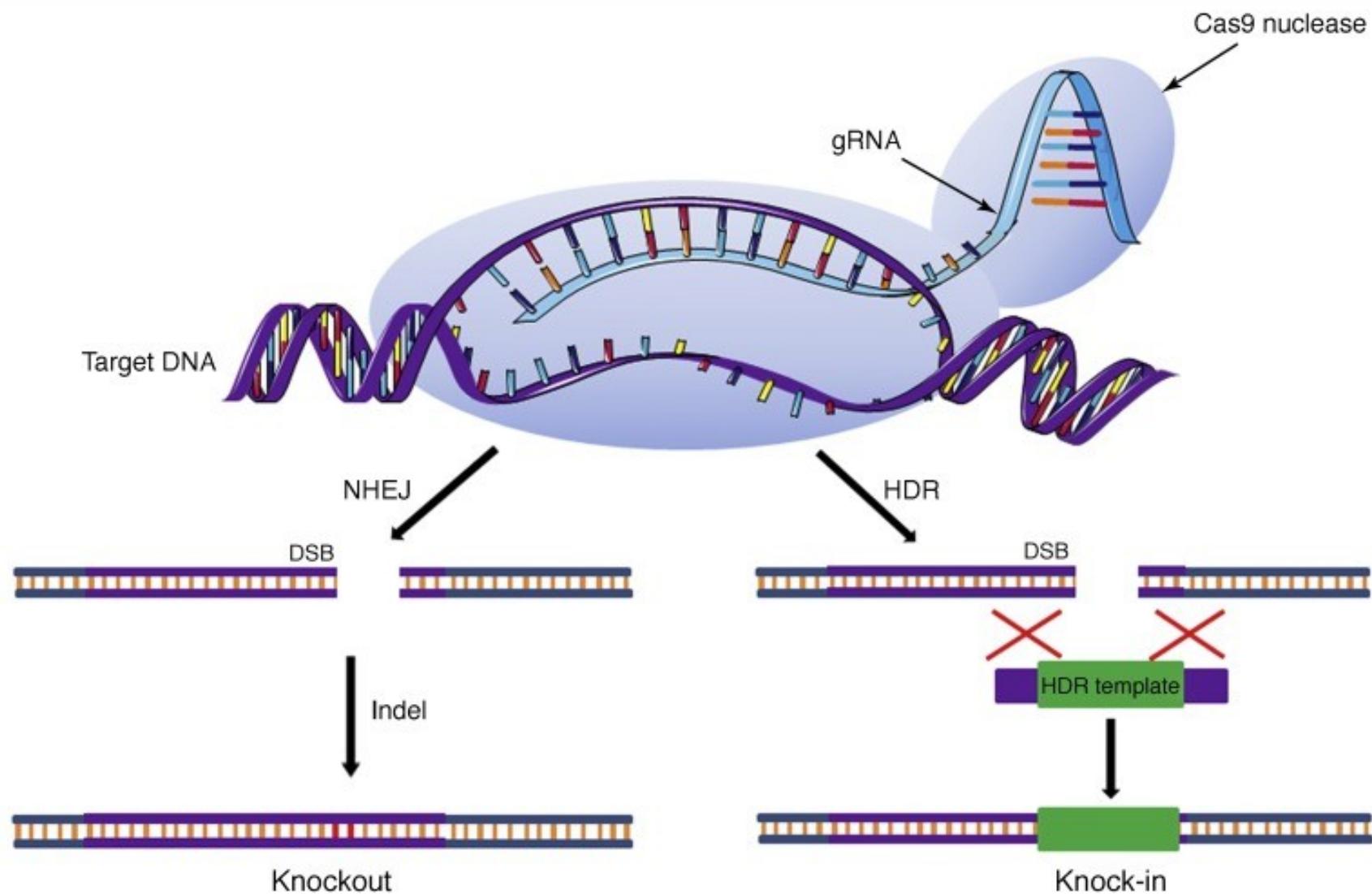
# CRISPR/Cas9

- ❖ Clustered Regularly Interspaced Short Palindromic Repeats
- ❖ Sekvence DNA, které se pravidelně opakují a obsahují sekvence cizorodé DNA = mezerníky
- ❖ U bakterií a archeí slouží jako ochrana před viry
- ❖ Cas = „CRISPR associated“



# CRISPR/Cas9

1. gRNA – naváděcí RNA – lokalizuje cílové geny
2. Cas9 – slouží k vystřížení nežádoucí DNA
3. Žádoucí úsek DNA



# Potenciální léčba

- ❖ Duchennova svalová dystrofie (DMD)
- ❖ Huntingtonova choroba
- ❖ HIV
- ❖ Xenotransplantace

# Možné nežádoucí účinky

- ❖ Nespecifická aktivita – změna jednoho genu může způsobit nežádoucí aktivitu jinde v genomu
- ❖ Mozaicismus – pacient může mít směs upravených a původních buněk
- ❖ Reakce imunitního systému

# DIY Bacterial Gene Engineering CRISPR Kit



Děkujeme za pozornost!